

Dziedzina: Nauki ścisłe i przyrodnicze Dyscyplina: Nauki Chemiczne

ROZPRAWA DOKTORSKA

Synteza inhibitorów ureaz bakteryjnych o kowalencyjnym mechanizmie działania

mgr inż. Marta Grabarek

Praca została wykonana pod opieką prof. dr. hab. inż. Artura Muchy

Wrocław 2023

Serdeczne podziękowania za wieloletnią i owocną współpracę, profesjonalną opiekę naukową, poświęcony czas oraz ogromną życzliwość składam mojemu Promotorowi.

Pracę dedykuję moim Najbliższym. Dziękuję za Waszą wiarę we mnie i ogromne wsparcie.

SPIS TREŚCI

| 1. WPROWADZENIE | 11 |
|--|----|
| 2. STUDIA LITERATUROWE | 15 |
| 2.1. Ureaza: struktura, pochodzenie i znaczenie | 15 |
| 2.1.1. Ogólna charakterystyka enzymu | 15 |
| 2.1.2. Czynnik wirulencji patogenów chorobotwórczych | 17 |
| 2.1.3. Oporność antybiotykowa szczepów bakteryjnych | 18 |
| 2.2. Inhibitory ureazy: rodzaje, synteza i aktywność biologiczna | 20 |
| 2.2.1. Niekowalencyjne inhibitory ureazy bakteryjnej | 22 |
| 2.2.1.1. Analogi mocznika, tiomocznika i kwasy acetohydroksamowe | 22 |
| 2.2.1.2. Związki fosforoorganiczne | 25 |
| 2.2.1.3. Związki heterocykliczne | 28 |
| 2.2.1.4. Chinolony | 30 |
| 2.2.1.5. Inne inhibitory | 31 |
| 2.2.2. Kowalencyjne inhibitory ureazy bakteryjnej | 33 |
| 2.2.2.1. Związki selenoorganiczne | 33 |
| 2.2.2.2. Polifenole | 35 |
| 2.2.2.3. Układy α,β-nienasycone | 39 |
| 2.2.2.4. Jony metali ciężkich | 41 |
| 2.2.3. Podsumowanie | 41 |
| 3. BADANIA WŁASNE | 43 |
| 3.1. Cel badań | 43 |
| 3.2. Struktury inhibitorów | 45 |
| 3.3. Fosforowe pochodne katecholu | 47 |
| 3.3.1. Synteza kwasu H-fosfinowego | 47 |

| 3.3.2. Modyfikacje kwasu H-fosfinowego i odblokowanie grup funkcyjnych | 49 |
|--|-----|
| 3.4. Fosfonowe pochodne N-podstawionego 1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onu | 54 |
| 3.4.1. Synteza chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu | 54 |
| 3.4.2. Synteza aminofosfonianów | 55 |
| 3.4.2.1. Aminofenylofosfoniany | 56 |
| 3.4.2.2. (Aminofenylo)alkilofosfoniany | 57 |
| 3.4.2.3. (Aminometylofenylo)metylofosfoniany | 57 |
| 3.4.2.4. ω-Aminoalkilofosfoniany | 58 |
| 3.4.3. Synteza 1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onów i hydroliza estrów | |
| fosfonowych | 59 |
| 3.5. Halogenowe pochodne N-benzylobenzizoselenazol-3(2H)-onu | 65 |
| 3.6. Aktywność biologiczna związków | 67 |
| 3.6.1. Fosforowe pochodne katecholu | 68 |
| 3.6.2. Fosfonowe pochodne N-podstawionego 1,2-benzizoselenazol- | |
| 3(2 <i>H</i>)-onu | 71 |
| 3.6.3. Halogenowe pochodne N-benzylo-1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onu | 76 |
| 3.7. Podsumowanie | 78 |
| 4. CZĘŚĆ EKSPERYMENTALNA | 81 |
| 4.1. Specyfikacja aparatury oraz odczynników | 81 |
| 4.2. Przepisy preparatywne | 82 |
| 4.2.1. Kwasy fosfonowe i fosfinowe zawierające fragment katecholu | 82 |
| 4.2.2. Fosfonowe pochodne N-podstawionego 1,2-benzizoselenazol- | |
| 3(2 <i>H</i>)-onu | 90 |
| 4.2.2.1. Synteza aminofenylofosfonianów | 90 |
| 4.2.2.2. Synteza (aminofenylo)alkilofosfonianów | 91 |
| 4.2.2.3. Synteza (aminometylofenylo)metylofosfonianów | 95 |
| 4.2.2.4. Synteza aminoalkilofosfonianów | 98 |
| 4.2.2.5. Synteza chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu | 101 |

| 4.2.2.6. Synteza 1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onów | 102 |
|--|-----|
| 4.2.3. Halogenowe pochodne <i>N</i> -benzylo-1,2-benzizoselenazol-3(2 <i>H</i>)-onu | 114 |
| 5. BIBLIOGRAFIA | 123 |
| 6. DOROBEK NAUKOWY | 131 |
| 7. STRESZCZENIE | 135 |
| 8. ABSTRACT | 137 |
| 9. MATERIAŁY UZUPEŁNIAJĄCE | 139 |

WYKAZ SKRÓTÓW

| Ac | grupa acetylowa |
|------------------|--|
| ACN | acetonitryl |
| Arg | arginina |
| Boc | grupa <i>tert</i> -butyloksykarbonylowa |
| BSA | N,O-bis(trimetylosililo)acetamid |
| Bzl | grupa benzylowa |
| Cbz | grupa benzyloksykarbonylowa |
| Cys | cysteina |
| DABCO | 1,4-diazabicyklo[2.2.2]oktan |
| DCC | N,N'-dicykloheksylokarbodiimid |
| DMAP | 4-dimetyloaminopirydyna |
| DMF | dimetyloformamid |
| DMSO | dimetylosulfotlenek |
| EDC | 1-etylo-3-(3-dimetyloaminopropylo)karbodiimid |
| EDTA | kwas (etylenodiamino)tetraoctowy |
| Et | grupa etylowa |
| EWG | grupa wyciągająca elektrony |
| Gly | glicyna |
| His | histydyna |
| HMDS | heksametylodisilazan |
| HOBt | hydroksybenzotriazol |
| HPLC | wysokosprawna chromatografia cieczowa |
| HRMS | wysokorozdzielcza spektrometria mas |
| IC ₅₀ | stężenie inhibitora hamujące 50% aktywności enzymu |
| Ki | stała dysocjacji kompleksu enzym-inhibitor |

| Lys | lizyna |
|-------|-----------------------------------|
| Me | grupa metylowa |
| MIC | minimalne stężenie hamujące |
| MW | ogrzewanie wspomagane mikrofalami |
| NMM | 4-metylomorfolina |
| NMR | magnetyczny rezonans jądrowy |
| Ph | grupa fenylowa |
| TBAB | bromek tetra-n-butyloamoniowy |
| TFA | kwas trifluorooctowy |
| THF | tetrahydrofuran |
| TMSBr | bromotrimetylosilan |
| TMSCl | chlorotrimetylosilan |

1. WPROWADZENIE

Ureaza, obok nitrogenazy, odgrywa kluczową rolę w biogeochemicznym obiegu azotu w środowisku naturalnym. Pierwiastek ten wchodzi w skład wielu związków nieorganicznych i organicznych, co dowodzi, że jest on niezbędny dla wszystkich organizmów, a jego dostępność wywiera ogromny wpływ na funkcjonowanie różnych ekosystemów [1-3].

Powszechnym źródłem azotu w glebie jest mocznik, którego konwersja przez ureazę do amoniaku, a następnie proces nitryfikacji do azotanów i azotynów sprawiają, że azot staje się dostępny dla roślin i innych organizmów odgrywając kluczową rolę w utrzymaniu produktywności naturalnych ekosystemów. Niektóre rośliny zdolne są do samodzielnego wytwarzania ureazy, co pozwala im wykorzystywać mocznik jako źródło azotu w środowiskach ubogich w składniki odżywcze [4,5]. W wodnym obiegu azotu, mocznik wytwarzany jest przez większość organizmów. Przekształcenie go do innych związków azotowych umożliwia rozwój fitoplanktonu, który jest pierwszym ogniwem morskiego łańcucha pokarmowego, a także odżywia rośliny produkujące tlen [6]. Azot atmosferyczny stanowi około 78% składu procentowego powietrzu, natomiast jest stosunkowo obojętny chemicznie i nie może być bezpośrednio wykorzystywany przez wiekszość organizmów. Dlatego niektóre bakterie i inne mikroorganizmy wykształciły sposoby przekształcania go w przyswajalne formy, takie jak amoniak, azotany i azotyny. W cyklu tym ureaza bierze swój udział, a produkowany przez nia amoniak może być między innymi wykorzystany przez bakterie nitryfikujące, a następnie denitryfikujące do odzyskania azotu cząsteczkowego [7].

Ureaza naturalnie występuje w bakteriach, grzybach, roślinach i algach. Powszechnie spotykana jest w przewodzie pokarmowym zwierząt i wytwarzana przez niektóre bakterie żyjące w glebie i wodzie.

Oprócz procesów naturalnych, ureaza znalazła szerokie właściwości aplikacyjne W wielu dziedzinach. W diagnostyce medycznej oraz w monitoringu środowiska ureaza w połączeniu ze wskaźnikami chemicznymi wykorzystywana jest jako biosensor do wykrywania obecności mocznika¹ w różnorodnych próbkach [8-11]. Natomiast w przemyśle stosuje się ją między innymi do zwiększenia skuteczności nawozów na bazie mocznika [12,13] oraz produkcji pasz dla zwierzat, w procesach bioremediacji mocznika ze ścieków przemysłowych (przekształcenie w amoniak umożliwia lepszy sposób usuwania np. poprzez napowietrzanie) [14], w przemyśle betoniarskim jako środek utwardzający [15], a także do modyfikowania właściwości niektórych produktów spożywczych. W produkcji wyrobów mlecznych enzym ten odpowiedzialny jest za tworzenie określonych smaków i tekstur [16,17], a w przemyśle winiarskim i piwowarskim stosowany jest do usuwania gorzkiego smaku i do kontroli pH procesu fermentacji [18-20].

Pomimo ogromnego znaczenia ureazy zbyt duża aktywność tego enzymu może mieć negatywny wpływ na środowisko i zdrowie [21]. Nadmierna konwersja mocznika do amoniaku powoduje istotne konsekwencje:

- upośledzenie układu pokarmowego (którego działanie ściśle zależy od wartości pH), a także rozwój infekcji dróg moczowych oraz schorzeń neurologicznych,
- gromadzenie się wysokich stężeń amoniaku w środowiskach o wysokim poziomie zanieczyszczenia mocznikiem, powodując zasadowość

¹ Na przykład, zakażenie bakterią *Helicobacter pylori* wykrywa się za pomocą bezinwazyjnego mocznikowego testu oddechowego, który polega na podaniu mocznika znakowanego radioaktywnym izotopem węgla i pomiarze znakowanego dwutlenku węgla powstającego w reakcji katalizowanej przez ureazę.

zarówno gleb jak i wód, co może okazać się toksyczne dla roślin oraz organizmów, hamując rozwój i pogarszając stan zdrowia,

- bezpośredni wpływ na proces nitryfikacji, który w nadmiarze może doprowadzić do zakwaszenia gleby, powodując negatywny wpływ na wzrost roślin i żyzność gleb,
- 4) nadmierna eutrofizacja i powstawanie szkodliwych zakwitów glonów, skutkujące niedoborem tlenu i śmiercią organizmów wodnych,
- utrata zasobów azotu w wyniku procesu ulatniania się amoniaku, co w przypadku przemysłu rolnego skutkuje zwiększaniem kosztów produkcji w wyniku konieczności stosowania większej ilości nawozów,
- duża produkcja podtlenku azotu (w warunkach niskiego poziomu tlenu podczas nitryfikacji lub tlenowej inhibicji denitryfikacji), który jako składnik gazu cieplarnianego przyczynia się do zmian klimatu,
- zahamowanie wzrostu drożdży wykorzystywanych w procesie fermentacji podczas przemysłowej produkcji alkoholu z roślin.

Podsumowując, ureaza odgrywa ważną rolę w różnych procesach, jednak jej nadmierna aktywność może mieć negatywny wpływ na zdrowie człowieka, środowisko naturalne oraz przemysł. Zrozumienie wpływu aktywności ureazy na otoczenie jest niezwykle ważne w minimalizacji negatywnych skutków jej działania, ochrony zdrowia społeczeństwa, odpowiedniego gospodarowania glebami rolnymi, a także produktywności naturalnych ekosystemów oraz przemysłu. W związku z powyższym kontrola aktywności tego enzymu jest niezwykle istotna, a rozwój nowych technik i synteza nowych inhibitorów wciąż pozostaje inspirującym zakresem badań prowadzonych w ramach nauk chemicznych.

2. STUDIA LITERATUROWE

2.1. Ureaza: struktura, pochodzenie i znaczenie

2.1.1. Ogólna charakterystyka enzymu

Ureaza (amidohydrolaza mocznikowa, EC.3.5.1.5) jest metaloenzymem² katalizującym hydrolityczny rozkład mocznika³, będącego końcowym produktem metabolizmu białek u zwierząt ureotelicznych (ssaki), a także biodegradacji kwasu moczowego wydalanego przez zwierzęta urykoteliczne (owady, ptaki, gady) [22]. Enzym ten jest zatem kluczowym elementem metabolizmu związków azotowych w wielu organizmach.

Badania naukowe prowadzone z wykorzystaniem ureazy przyczyniły się do wielu pionierskich osiągnięć w naukach biochemicznych. Po raz pierwszy efekt jej działania został zaobserwowany w 1876 roku przez Frédérica Musculusa, który powiązał przyśpieszoną przemianę mocznika w węglan amonu z obecnością roztworu sfermentowanego moczu w badanej próbce [23]. Obserwacje te zostały potwierdzone w 1890 roku przez Pierre'a Miquelta, który zaproponował obecną nazwę białka. Od 1909 roku, kiedy to miało miejsce odkrycie przez Takeuchiego ureazy w soi (*Glycine max*) zapewniające obfite

² Enzym posiadający w centrum aktywnym jon/jony metalu, które biorą udział w procesie katalitycznym i koordynowane są przez grupy boczne reszt aminokwasowych.

³ Hydroliza mocznika zachodzi dwuetapowo. Pierwsza reakcja prowadzi do otrzymania amoniaku i karbaminianu, który następnie spontanicznie rozpada się dając kolejną cząsteczkę amoniaku i dwutlenek węgla – w roztworze o niskiej pojemności buforowej powstające produkty alkalizują środowiska. Ureaza przyśpiesza pierwszą reakcję około 10¹⁴-krotnie.

źródło enzymu, zainteresowanie ureazą, jako modelowym związkiem do przeróżnych badań, znacząco wzrosło. Przełomowe osiągnięcia biochemii, w tym związane z narodzinami współczesnej enzymologii, miały miejsce w 1926 roku za sprawą Jamesa Sumnera, który po raz pierwszy wyizolował ureazę z fasoli (*Canavalia ensiformis*), oczyścił otrzymując postać krystaliczną i wykazał, że enzymy są białkami [24]. W 1946 roku za swoje prace otrzymał nagrodę Nobla w dziedzinie chemii. Co więcej, ureaza jest też pierwszym wyizolowanym enzymem, w którym Nicholas Dixon w 1975 roku stwierdził obecność kationów niklu w miejscu aktywnym i opisał ich kluczowy wpływ na aktywność enzymatyczną [25].

Ureaza jest białkiem wielkocząsteczkowym i w zależności od pochodzenia (Tabela 1), posiada różną masę cząsteczkową, strukturę (homo- lub heteromeryczną) oraz budowę centrum aktywnego.

| Grzyby | Rośliny | Algi |
|-------------------------|----------------------|--------------------|
| Aspergillus nidulans | Canavalia ensiformis | Nitellopsis obtusa |
| Aspergillus niger | Glycine max | Bezkręgowce |
| Coccidioides immitis | Cajanus cajan | Otala lactea |
| Cryptococcus neoformans | Gossypium hirsutum | Olaia laciea |
| | Bakterie | |

Tabela 1. Niektóre przykłady naturalnych źródeł ureazy.

| Brevibacterium ammoniagenes | Proteus vulgaris |
|-----------------------------|------------------------------|
| Brucella suis | Sporosarcina pasteurii |
| Helicobacter pylori | Staphylococcus aureus |
| Klebsiella aerogenes | Staphylococcus saprophyticus |
| Lactobacillus fermentum | Staphylococcus xylosus |
| Proteus mirabilis | Ureaplasma urealyticum |

Ureazy roślinne i grzybowe składają się z kilku identycznych podjednostek, w przeciwieństwie do ureaz bakteryjnych, które zbudowane są z dwóch lub trzech odrębnych części i występują w postaci trimerowych lub heksamerowych agregatów [26]. Każda podjednostka posiada jedno miejsce aktywne z dwoma kationami niklu koordynowanymi przez kilka reszt aminokwasowych (histydynę, asparaginę i lizynę mostkującą dwa atomy metalu). Budowa miejsca aktywnego różni się w zależności od pochodzenia enzymu. Ureaza jest enzymem bogatym w cysteinę, a jedna z reszt znajduje się na wejściu do centrum aktywnego enzymu i bierze udział w tworzeniu tzw. "klapki" blokującej miejsce katalityczne. Chociaż sama nie bierze udziału w reakcji enzymatycznej, zmiana konformacyjna z jej udziałem ma bezpośredni wpływ na rozmieszczenie innych kluczowych reszt aminokwasowych, a w konsekwencji na mechanizm katalizy.

2.1.2. Czynnik wirulencji patogenów chorobotwórczych

Ureazy bakteryjne stanowią najliczniejszą grupę (Tabela 1), a część z nich jest przyczyną wielu poważnych chorób w organizmie ludzkim. Enzym stanowi czynnik wirulencji⁴ niektórych patogenów, umożliwiając im kolonizację w tkankach, namnażanie i rozwój infekcji (Tabela 2) [27]. Ze względu na dużą zasadowość amoniaku będącego jednym z produktów reakcji katalizowanej przez ureazę, enzym jest bezpośrednim źródłem toksyn wobec żywych komórek, a obecność aktywności ureolitycznej jest ważnym markerem wielu infekcji bakteryjnych.

⁴ Czynnik wirulencji (inaczej zjadliwość) drobnoustrojów – zdolność organizmu chorobotwórczego do wniknięcia, namnożenia oraz uszkodzenia tkanek i przeżycia w niesprzyjającym środowisku.

.

Tabela 2. Przykłady najbardziej dotkliwych chorób bakteryjnych, w których ureaza stanowi czynnik zjadliwości.

| Patogen | Skutki zasiedlenia gospodarza |
|-----------------------------|---|
| B. suis | Bruceloza – przewlekła i zakaźna choroba odzwierzęca objawiająca się poronieniami, bezpłodnością samic oraz zapaleniem narządów płciowych samców. |
| H. pylori | Choroba wrzodowa żołądka – uszkodzenia nabłonka w błonie śluzowej, na skutek zapalenia wywołanego neutralizacją kwasu solnego w soku żołądkowym. Przewlekła i nieleczona infekcja ma wpływ na rozwój nowotworów błony śluzowej żołądka. |
| P. mirabilis P. vulgaris | Infekcje dróg moczowych oraz powstawanie kamieni nerkowych (na skutek wytrącania się soli w zasadowym moczu), a w konsekwencji niedrożność oraz niewydolność nerek. Zapalenie opon mózgowych – ureaza ułatwia pokonanie bariery krew-mózg i inwazję ośrodkowego układu nerwowego. |
| S. aureus | Różne rodzaje infekcji narządów i tkanek odporne na działanie antybiotyków. |
| U. urealyticum | Infekcje dróg moczowych oraz narządów płciowych. |

2.1.3. Oporność antybiotykowa szczepów bakteryjnych

Niektóre z mikroorganizmów wykształciły molekularne mechanizmy obronne umożliwiające im przetrwanie w obecności substancji terapeutycznych zdolnych do hamowania namnażania i eliminacji, tj. antybiotyków. Wyróżnia się antybiotykooporność naturalna i nabytą. Pierwsza z nich wynika z pierwotnych właściwości komórek bakterii - jest determinowana genetycznie i może być powiązana z posiadaniem cech takich jak nieprzepuszczalna ściana komórkowa, wytwarzanie enzymów, niskie powinowactwo lub brak odpowiedniego receptora dla substancji czynnej. Natomiast antybiotykooporność nabyta jest wynikiem przeprowadzania transferu genów lub spontanicznych mutacji. W konsekwencji uniewrażliwienie się bakterii na substancje czynna lub chociażby na jej standardowo stosowane steżenie prowadzi do braku skuteczności stosowanej terapii, a to stanowi ogromny i narastający problem w medycynie. Ponadto poważnym utrudnieniem jest łatwy dostęp do antybiotyków, a także niewystarczająca świadomość pacjentów o wpływie stosowania nieodpowiedniej terapii i samodzielnego modyfikowania zaleceń lekarskich na możliwość powstania opornych szczepów. Aktualnym rozwiązaniem stosowanym w celu przeciwdziałania opornym szczepom jest stosowanie kombinacji substancji czynnych. W przypadku leczenia zakażenia bakteria H. pylori przeprowadza się czteroskładnikową farmakoterapię składającą się z obniżającego wydzielanie kwasu żołądkowego inhibitora pompy protonowej, bakteriobójczych soli bizmutu oraz dwóch antybiotyków przez 7-14 dni.

Jak wspomniałam powyżej, jednym z naturalnych mechanizmów obronnych bakterii jest wytwarzanie odpowiednich enzymów ułatwiających im przeżycie. Wśród wielu patogennych mikroorganizmów czynnikiem takim jest również ureaza, a hamowanie jej aktywności może znacząco wpłynąć na powodzenie terapii poprzez synergistyczne działanie z antybiotykami.

2.2. Inhibitory ureazy: rodzaje, synteza i aktywność biologiczna

Związkami zdolnymi do kontroli aktywności ureazy są inhibitory. W najbardziej typowym podejściu substancje te wiażą się w miejscu aktywnym blokuja dostep zapobiegajac lub do niego wiazaniu mocznika, a w konsekwencji zmniejszając jego hydrolizę. Budowa centrum aktywnego i grupy funkcyjne zaangażowane w proces katalityczny ureazy warunkują, które substancje wpłyna hamujaco na jej działanie (Tabela 3). Dlatego kluczowa jest znajomość mechanizmu oddziaływania inhibitora z enzymem (np. rola reszt aminokwasowych zdolnych do oddziaływań) już na etapie projektowania struktur. W związku z faktem, iż nawet niewielka zmiana w strukturze inhibitora może znacząco wpłynąć na powinowactwo, opracowywanie różnorodnych strukturalnie związków i tworzenie obszernych bibliotek, poddawanie ich badaniom przesiewowym i analiza zależności struktura-aktywność, składają się na kompleksowy proces optymalizacji siły hamowania i selektywności inhibitorów, który dodatkowo może wymagać wielu etapów iteracyjnych.

| Strukturalne analogi mocznika | Analogi stanu przejściowego | Inne |
|--|-----------------------------------|--|
| tiomocznik hydroksymocznik kwas acetohydroksamowy | amidy, estry i kwasy fosforowe | związki selenowe polifenole α,β-nienasycone układy związki heterocykliczne związki tiolowe związki boru jony metali ciężkich |

| | D 1 / | • | | | |
|------------|--------------|----------|------|-------|---------|
| TODALO 4 | Podetowowo | armny in | hihi | torow | 1110071 |
| I ADGIA J. | IUUSLAWUWC | 2100700 | | | uicazy. |
| | | 8 | | | |

Inhibitory ureazy znalazły szerokie zastosowania, aczkolwiek dwa główne związane są z rolnictwem oraz medycyną. Hamując hydrolizę mocznika w glebie ograniczają one straty azotu w procesach ulatniania i wymywania, a tym samym zwiększają wydajność nawozów azotowych czyniąc je bardziej efektywnymi i przyjaznymi dla środowiska. Natomiast w medycynie inhibitory ureazy badano pod kątem ich potencjału ograniczania wirulencji bakterii wytwarzających ureazę. Na przykładzie kwasu acetohydroksamowego zauważono, że jego jednoczesne stosowanie z antybiotykami pomaga w leczeniu infekcji poprzez zmniejszenie zjadliwości i przeżywalności drobnoustrojów. Szczególnie w przypadku zastosowania medycznego, niezwykle istotnym aspektem jest dążenie do opracowywania związków chemicznych o bardzo dobrych właściwościach hamowania aktywności enzymu, ale także będących strukturami stabilnymi chemicznie i o jak najmniejszej cytotoksyczności.

W literaturze znane sa dwa główne mechanizmy inhibicji ureazy. Pierwszy z nich opiera się na tworzeniu niekowalencyjnego oddziaływania pomiędzy inhibitorem, a katalitycznymi kationami niklu, głównie w wyniku strukturalnego podobieństwa do substratu katalizowanej reakcji lub stanu przejściowego (Podrozdział 2.2.1). Drugim podejściem, jest wykorzystanie zdolności niektórvch ugrupowań do tworzenia wiazania kowalencvinego z grupą tiolową cysteiny znajdującą się przy wejściu do miejsca aktywnego ureazy. Efektem tego jest zwykle nieodwracalna inaktywacja białka poprzez zaburzenie możliwości zmian konformacyjnych związanych z wiązaniem substratu (Podrozdział 2.2.2). Oba typy inhibitorów powinny wykazywać się odpowiednią komplementarnością strukturalną do określonych regionów enzymu. Ze względu na ogromne zainteresowanie tym tematem, wielu naukowców dokonało przeglądu prac o inhibitorach ureazy i podsumowania najważniejszych osiągnięć w tym zakresie [22,28-32].

2.2.1. Niekowalencyjne inhibitory ureazy bakteryjnej

Niekowalencyjne inhibitory ureazy bakteryjnej stanowią liczną grupę związków, które wiążą się w centrum aktywnym enzymu poprzez koordynowanie centralnych jonów niklu i/lub tworzenie sieci oddziaływań z resztami aminokwasowymi tworzącymi wnękę aktywną. Większość z nich działa zgodnie z mechanizmem inhibicji kompetycyjnej, konkurując o dostęp do centrum katalitycznego.

2.2.1.1. Analogi mocznika, tiomocznika i kwasy acetohydroksamowe

Najprostszymi inhibitorami ureazy są strukturalne analogi mocznika. Stosunkowo proste związki, takie jak hydroksymocznik (1), semikarbazyd (2) oraz tiomocznik (3) okazały się być milimolarnymi inhibitorami ureaz bakteryjnych (Rysunek 1) [33-35]. Wprowadzanie modyfikacji strukturalnych (w celu lepszego dopasowania do centrum katalitycznego poprzez tworzenie dodatkowych oddziaływań), w wielu przypadkach korzystnie wpłynęło na hamowanie aktywności enzymu. Przykładowo, lepszym inhibitorem od tiomocznika okazała się jego *N*-acylowana pochodna (4), którą otrzymano z odpowiedniego kwasu karboksylowego (Schemat 1) [36].



Rysunek 1. Struktury analogów mocznika oraz ich aktywność wobec ureaz bakteryjnych.



4, IC₅₀ = 0,16 µM, *H. pylori*

(a) SOCI₂, 90°C, 1-2 h; (b) tiomocznik, PhCH₃, 100°C, 1,5-2 h

Schemat 1. Synteza *N*-podstawionych pochodnych tiomocznika oraz ich aktywność wobec ureazy z *H. pylori*.

Kolejnymi związkami zawierającymi w swojej strukturze fragment mocznika i wiążącymi się w centrum aktywnym w sposób analogiczny do substratu są barbiturany. Jednak ze względu na większe powinowactwo atomu siarki do jonów niklu, lepsze wyniki osiągnięto dla tiobarbituranów [37,38]. Po modyfikacji w wyniku kondensacji Knoevenagela, która umożliwiła przyłączenie różnych podstawników do struktury wiodącej, uzyskano inhibitory ureazy ze *S. pasteurii* silniejsze od tiomocznika (**5-8**) (Schemat 2).



Schemat 2. Synteza pochodnych tiobarbituranów i bistiobarbituranów oraz ich aktywność wobec ureazy ze *S. pasteurii*.

Jednym z najbardziej znanych inhibitorów ureazy jest kwas acetohydroksamowy (**9**) (Rysunek 2) [35,39-41]. Swoją skuteczność zawdzięcza wysokiemu powinowactwu związanemu z właściwościami koordynowania jonów metali przez ugrupowanie hydroksamowe. Związek wiąże się w miejscu aktywnym enzymu jako dwukleszczowy ligand chelatujący centrum metaliczne.





Niestety, zastosowany klinicznie związek ten powodował znaczące skutki uboczne takie jak teratogenność [42], odwracalne objawy neurosensoryczne i psychoneurologiczne, zaburzenia układu pokarmowego i hematologicznego [43], niemniej jednak został zatwierdzony przez Agencję Żywności i Leków (FDA) w 1983 r. do leczenia przewlekłych infekcji dróg moczowych (w Stanach Zjednoczonych pod nazwą Lithostat, a w Europie jako Uronofrex). Ze względu na prostą strukturę i względnie niską toksyczność jest jednym z najintensywniej badanych inhibitorów ureaz roślinnych, bakteryjnych oraz grzybowych, a także w terapiach medycznych stosowanych w stanach patologicznych wywołanych przez bakterie ureolityczne. Kwasy hydroksamowe są łatwe w syntezie i posiadają duże możliwości modyfikacji strukturalnych. Zsyntetyzowano różnorodne pochodne, np. z odpowiednio zabezpieczonych aminokwasów (Schemat 3). Wiele z nich wykazało bardzo dobrą aktywność biologiczną wobec ureazy bakteryjnej z *H. pylori* (10,11) [28,44,45].



(a) Gly-OEt · HCl, HOBt, EDC, THF, -20 °C → 5 °C, 24 h; (b) Gly-NHOBzl · HCl, HOBt, EDC, THF, -20 °C → 5 °C, 24 h; (c) 1 M NH₂OH/CH₃OH, 4 °C, 20 h;
 (d) 5% Pd/C, H₂, CH₃OH, rt, 1 h; (e) 4,2 M HCl/AcOEt, rt, 1h

Schemat 3. Synteza i aktywność pochodnych kwasu acetohydroksamowego wobec ureazy z H. pylori.

2.2.1.2. Związki fosforoorganiczne

Inną grupą bardzo dobrych inhibitorów, które oddziałują z katalitycznymi kationami niklu w centrum aktywnym, są analogi stanu przejściowego reakcji hydrolizy katalizowanej przez ureazę (Schemat 4).



NH₂, **14**, *K*_i = 32 nM, *S. pasteurii p*-FPhCONH, **15**, IC₅₀ = 5,0 nM, *H. pylori m*-CIPhCONH, **16**, IC₅₀ = 3,9 nM, *H. pylori*

Schemat 4. Reakcja hydrolizy mocznika katalizowana przez ureazę oraz koncepcja inhibitorów fosforoorganicznych będących analogami stanu przejściowego.

Najbardziej intensywnie eksplorowana grupą takich analogów są związki fosforoorganiczne ze względu na odpowiednią geometrię i strukturę elektronową grupy fosforowej. Największe podobieństwo do tetraedrycznego stanu przejściowego reakcji enzymatycznej wykazują amidy kwasu fosforowego i wiele z nich okazało się być inhibitorami o bardzo wysokiej (nawet subnanomolarnej) aktywności (12-16) [39,46,47]. Jednak pomimo wysokiej skuteczności w hamowaniu aktywności ureazy ich zastosowanie napotkało krytyczne ograniczenia ze względu na hydrolityczną labilność wiązania N-P w środowisku wodnym. Rozwiązaniem problemu stabilności było całkowite zastapienie ich wyeliminowanie wiazań N–P i wiazaniami C-P i/lub O–P. Niestety pomimo zwiększenia trwałości związków zabieg ten wpłynał niekorzystnie na siłę inhibicji.

Otrzymywanie kwasów fosfinowych/fosfonowych jest przeważnie skomplikowanym i wieloetapowym procesem, czesto wymagającym odpowiedniej strategii protekcji/deprotekcji grup funkcyjnych w zależności od stosowanych warunków reakcji. Tworzenie wiązania C-P jest natomiast podstawowym wyzwaniem syntetycznej chemii fosforoorganicznej i może być realizowane różnymi metodami opracowanymi na przestrzeni lat. Do syntezy inhibitorów ureazy użyto przykładowo dobrze poznanej addycji P-H do ugrupowania karbonylowego (reakcja Abramowa) dającej α -hydroksyfosfiniany lub α -hydroksyfosfoniany. Reakcja ta jest często stosowana do syntezy podstawowego bloku budulcowego (kwasu hydroksymetylo-H-fosfinowego), ale także dalszej rozbudowy strukturalnej (Schemat 5). Niezwykle użyteczna jest także jednoetapowa, trójskładnikowa reakcja Kabacznika-Fieldsa, w wyniku której z aminy, związku karbonylowego oraz H-fosfonianu (fosforynu) dialkilowego (lub analogu) otrzymuje się α -aminometylofosfoniany/fosfiniany. Uważa się, że jest ona jedną z najskuteczniejszych metod syntezy fosforowych analogów α-aminokwasów, które zdolne są do wykazywania aktywności biologicznej wobec enzymów, w tym także ureaz (17,18) [48-51].

$$H_{3}PO_{2} \xrightarrow{a} HO \stackrel{O}{H} \xrightarrow{P} OH \xrightarrow{b} \stackrel{|}{\longrightarrow} N \stackrel{O}{\longrightarrow} OH$$

$$17, K_{i} = 5,0 \ \mu M$$

(a) $(CH_2O)_n$, aq. HCl, EtOH, 100°C, 48 h; (b) aq. Me₂NH, aq. HCl, $(CH_2O)_n$, 90°C, 5 h



(a) NHR(BzI), (CH₂O)_n, aq. HCI, EtOH, t.w., 4 h; (b) H₂, 10% Pd/C, CH₃OH, rt, 1 h

Schemat 5. Synteza wybranych α-aminofosfinianów oraz ich aktywność wobec ureazy ze *S. pasteurii*.

Ciekawym wątkiem badawczym dotyczącym α-aminofosfinianów było porównanie ich aktywności biologicznej wobec ureaz względem analogicznych tiofosfinianów zsyntetyzowanych w reakcji tionowania z odczynnikiem Lawessona (**19,20**) [52]. Różnica w jednym atomie spowodowała kilkaset krotny spadek wartości stałej inhibicji dowodząc większego powinowactwa atomu siarki niż atomu tlenu do centralnych jonów niklu ureazy (Rysunek 3).



| X = O, 19 | 800-krotnie mniej | X = S, 20 |
|---|-------------------|--|
| <i>K</i> _i = 135 μM, <i>S. pasteurii</i> | | K _i = 0,17 μM, S. pasteurii |
| K _i = 178 μM, <i>P. vulgaris</i> | 400-krotnie mniej | K _i = 0,45 μM, <i>P. vulgaris</i> |



Innym podejściem do syntezy związków fosfooroganicznych jest modyfikacja aktywowanych układów α , β -nienasyconych w reakcji substytucji nukleofilami fosforowymi. Przykładowo, badacze podjęli się rozbudowy strukturalnej kwasu cynamonowego wykazującego aktywność inhibitorową wobec ureaz, tworząc dużą bibliotekę mikromolarnych i submikromolarnych inhibitorów ureazy ze *S. pasteurii* (Schemat 6) [54-53]. Substratami nienasyconymi były addukty Mority-Baylisa-Hillmana, otrzymane w reakcji *para*-podstawionych benzaldehydów z akrylanem metylu. Po acylowaniu grupy hydroksylowej (w celu uzyskania lepszej grupy odchodzącej) przeprowadzono reakcję z aktywowanym (sililowanym) nukleofilowym komponentem fosforowym otrzymując odpowiednie kwasy H-fosfinowe **21** i **22**. W następnych etapach przeprowadzono następcze modyfikacje strukturalne: utlenianie ugrupowania kwasu H-fosfinowego do kwasu fosfonowego (**23** i **24**), hydroliza grupy estrowej kwasów fosfonowych (**25** i **26**) oraz redukcja wiązania podwójnego jednego ze związków (z **25** do **27**), które pozwoliły na bogatą analizę zależności struktura-aktywność. Znamienną obserwacją było pogorszenie parametrów inhibicji po redukcji wiązania podwójnego, świadczące o jego udziale w interakcji z centrum aktywnym enzymu, a zatem istnieniu dodatkowego (poza kompleksowaniem jonów niklu) mechanizmu inhibicji.



(a) akrylan metylu, DABCO, rt, 3 d; (b) AcCl, pyridyna, CH₂Cl₂, 0°C, 1 h, rt, 16 h;
(c) HP(OSiMe₃)₂, CH₂Cl₂, 0°C → rt, 16 h; (d) MeOH, rt, 30 min; (e) DMSO, I₂, THF, t.w., 24 h; (f) 6 M HCl, t.w., 24 h; (g) H₂, 10% Pd/C, MeOH, 1 atm, rt, 2 d

Schemat 6. Synteza i aktywność wobec ureazy ze *S. pasteurii* fosforowych analogów kwasu cynamonowego.

2.2.1.3. Związki heterocykliczne

Układy heterocykliczne również hamują aktywność ureaz. Związki te są zwykle inhibitorami kompetycyjnymi, choć nie są analogami substratu czy struktury stanu przejściowego katalizowanej reakcji, niekoniecznie także koordynują jony metalu. Są jednak komplementarne do miejsca aktywnego i tworzą korzystne oddziaływania z resztami aminokwasowymi, w tym wiązania wodorowe, interakcje typu π czy hydrofobowe. Przykładem takiego związku jest benzimidazol **28**, otrzymany w reakcji cyklizacji pochodnej 1,2-benzenodiaminy z aldehydem aromatycznym (Schemat 7) [56,57].



Schemat 7. Synteza przykładowej pochodnej benzimidazolu oraz jej aktywność wobec ureazy ze *S. pasteurii*.

Kolejną grupą związków, której zachowanie wobec aktywności ureaz zostało zbadane, były pochodne tiazolidyny otrzymane z chlorowodorku L-cysteiny (Schemat 8) [58]. Kwasy tiazolidyno-4-karboksylowe okazały się dwukleszczowymi ligandami, zdolnymi do wiązania się z atomami niklu w pseudotetraedrycznej geometrii koordynacyjnej poprzez atomy tlenu. Zsyntetyzowano również estry tego kwasu, które wykazały wzrost aktywności inhibitorowej, co wynika z lepszych właściwości elektronodonorowych grup alkilowych. Najskuteczniejszą wobec ureazy ze *S. pasteurii* okazała się być pochodna *n*-heptylowa, związek **29**.



Schemat 8. Synteza pochodnej tiazolidyny oraz jej aktywność wobec ureazy ze *S. pasteurii*.

2.2.1.4. Chinolony

Ważną klasę związków biologicznie aktywnych stanowią chinolony, a w szczególności fluorochinolony. Uważa się, że są jednymi z klinicznie najskuteczniejszych syntetycznych leków przeciwbakteryjnych o szerokim spektrum działania [60]. Tworzą dużą grupę związków, w której znajduje się wiele znanych antybiotyków zarówno przeciw bakteriom Gram-ujemnym, jak i Gram-dodatnim. Głównymi przedstawicielami są cyprofloksacyna, lewofloksacyna oraz moksyfloksacyna (Tabela 4). Związki te okazały się obiecującymi inhibitorami ureaz z *H. pylori, P. mirabilis* oraz *S. aureus* [61,62], a w połączeniu z innymi substancjami (wykorzystując efekt synergistyczny umożliwiający obniżenie stężenia stosowanego antybiotyku) zostały zastosowane w skuteczniejszej terapii.

| Substancia ozvana | MIC ₉₀ (µg/ml) | | | |
|--|---------------------------|--------------|-----------|--|
| Substancja Czymia – | H. pylori | P. mirabilis | S. aureus | |
| F COOH N N Cyprofloksacyna | 1 | 32 | 16 | |
| F N N Lewofloksacyna | 1 | 16 | 4 | |
| F COOH HN N N N N N N N N N N N N N | 1 | 64 | 1 | |

| Tabela 4 | l. Aktywno | ość przeciw | bakteryjna | antybiotyków | chinolonowych |
|----------|------------|-------------|------------|--------------|---------------|
| | • | | | v v | |

Wyniki modelowania molekularnego sugerują, że inhibicja ureazy odbywa się przez oddziaływanie grupy karboksylowej z jonami niklu w miejscu aktywnym. Aczkolwiek niewykluczona jest także kowalencyjna modyfikacja celu biologicznego, na skutek nukleofilowej addycji tiolu do układu nienasyconego, określanej jako addycja Michaela (więcej w podrozdziale 2.2.2.3).

2.2.1.5. Inne inhibitory

Tiole również koordynują jony niklu w centrum aktywnym ureazy, aczkolwiek są słabymi inhibitorami (**30-34**, Rysunek 4) [39]. Badania kinetyczne wykazały, że mechanizm oddziaływania jest zależny od pH, a najbardziej efektywna inhibicja występuje dla formy anionowej (R-S⁻). Jak można zauważyć na poniższym rysunku obecność dodatkowych grup funkcyjnych w strukturze związku, w szczególności aminowej, podnosi siłę inhibicji.



Rysunek 4. Aktywność tioli wobec ureazy z K. aerogenes.

Kwas borowy i jego pochodne (**35-38**) są szybkowiążącymi inhibitorami ureaz, aczkolwiek siła ich oddziaływania również okazała się być stosunkowo słaba (Rysunek 5) [63]. Struktura krystaliczna ujawniła, że kwas borowy mostkuje jony niklu za pomocą dwóch atomów tlenu, a trzeci skierowany jest w stronę wnęki [64]. Wprowadzenie hydrofobowych podstawników nieznacznie pogorszyło wartość inhibicji, niemniej jednak dodatkowe modyfikacje jak chociażby obecność halogenów, zdolnych do tworzenia halogenowych wiązań wodorowych, odtwarza wyjściowe właściwości inhibicyjne.



Rysunek 5. Aktywność związków boru wobec ureazy z P. mirabilis.

2.2.2. Kowalencyjne inhibitory ureazy bakteryjnej

Cechą charakterystyczną kowalencyjnych inhibitorów ureazy jest tworzenie trwałego wiązania ze specyficzną resztą aminokwasową enzymu, co nieodwracalnie hamuje jego aktywność. W grupie tej można wyróżnić kilka typów związków, aczkolwiek ich mechanizm działania głównie obejmuje reaktywność wobec grupy tiolowej cysteiny znajdującej się na wejściu do centrum aktywnego (Cys322 w przypadku enzymu ze *S. pasteurii*).

2.2.2.1. Związki selenoorganiczne

W ostatnim czasie duże zainteresowanie wśród naukowców opracowujących inhibitory ureazy wzbudziły związki organiczne zawierające atom selenu. Odbywa się to za sprawą ciekawej reaktywności tych związków, polegającej na tworzeniu wiązania kowalencyjnego z grupa tiolowa cysteiny i powstawaniu mostków selenowo-siarkowych. Najwszechstronniej badanym przedstawicielem tej klasy związków jest ebselen (N-fenylo-1,2-benzizoselenazol-3(2H)-on), znany ze swoich właściwości przeciwutleniających, przeciwzapalnych oraz przeciwdrobnoustrojowych [65]. Jest on rozważany w leczeniu chorób onkologicznych, neurodegeneracyjnych, a także bakteryjnych oraz wirusowych. Przykładowo, udowodniono jego zdolność do specyficznej inhibicji bakteryjnej reduktazy tioredoksyny (której inaktywacja prowadzi do zaburzenia mechanizmu kontroli stresu oksydacyjnego komórek) [66] oraz proteazy cysteinowej (odgrywajacej kluczowa role w replikacji wirusa SARS-CoV) [67]. Ebselen odgrywa znaczącą rolę w hamowaniu nadmiernego wydzielania soku żołądkowego, a posiadając właściwości antyureolityczne działa terapeutycznie na chorobę wrzodowa. Wykazuje synergistyczne działanie z antybiotykami, uwrażliwiać na ich działanie nawet w przypadku bardzo opornych na leki patogenów [68]. Ponadto, toksyczność ebselenu oraz jego metabolitów została szczegółowo przebadana i jest akceptowalna.

Powyższa charakterystyka czyni ebselen i jego analogi – N-podstawione 1,2-benzizoselenazol-3(2H)-ony cennymi obiektami badań z użyciem ureazy. W pierwszym podejściu zsyntetyzowano grupę ponad 20 związków selenoorganicznych (benzizoselenazol-3(2H)-onów oraz diselenidów) w reakcji amin pierwszorzędowych badź aminokwasów Z chlorkiem 2-(chloroseleno)benzoilu lub 2,2'-diselenobisbenzoilu (Schemat 9) [41]. Otrzymane zwiazki zostały poddane testom aktywności inhibitorowej i większość z nich okazała się być nanomolarnymi inhibitorami enzymu (39-42). Na szczególna uwage zasłużył ebselen, który najlepiej inaktywował zarówno natywny enzym ze S. pasteurii, jak i hamował ureolize w żywych komórkach H. pylori. W połączeniu z poznanymi uprzednio właściwościami, okazał się bardzo obiecującym kandydatem na nowy środek leczniczy choroby wrzodowej.



(a) SOCl₂, DMF, t.w.; (b) SOCl₂, benzen, t.w.; (c) amina lub aminokwas (nadmiar), DMAP, ACN; (d) HOBt, DCC, NMM, chlorowodorek estru metylowego aminokwasu, THF

Schemat 9. Synteza pochodnych benzizoselenazol-3(2*H*)-onu (A) i diselenidu (B) oraz ich aktywność wobec ureazy ze *S. pasteurii* i ureolizy w komórkach *H. pylori*.

Obiecującą aktywność ebselenu zainspirowała szerokie badania optymalizacyjne struktury, a najciekawsze wyniki przyniosło wprowadzenie

atomów halogenu do cząsteczki wyjściowej. Zsyntetyzowano 25 nowych struktur wykorzystując chlorek 2-(chloroseleno)benzoilu oraz pochodne aniliny. Halogenowane pochodne (**43-45**, Rysunek 6) wykazały wyjątkowe pikomolarne wartości stałej inhibicji ureazy ze *S. pasteurii* [69]. Tak wysokie powinowactwo wyjaśniono zdolnością do tworzenia specyficznych halogenowych wiązań wodorowych. Co więcej, halogenowanie zapewnia odpowiednią lipofilowość, przepuszczalność i stabilność metaboliczną związków, co stanowi cenną charakterystyką farmakologiczną w kontekście opracowania przyszłych leków.

O

$$M-R$$

Se
 $43, R = 4-CF_3Ph, K_i = 36 pM$
 $44, R = 2,4-diFPh, K_i = 17 pM$
 $45, R = 2-F-4-ClPh, K_i = 5,3 pM$

Rysunek 6. Aktywność halogenowych pochodnych ebselenu wobec ureazy ze *S. pasteurii*.

2.2.2.2. Polifenole

Bardzo obszerną klasę inhibitorów ureaz stanowią polifenole, których najprostszym przykładem jest katechol. Otrzymanie struktury krystalicznej nieaktywnej ureazy ze S. pasteurii zawierającej orto-dihydroksybenzen związany z cysteiną (Cys322) dało podstawy do rozważań nad mechanizmem wiązania tego typu inhibitorów. Początkowo aktywność katecholi powiązano ze znanymi właściwościami inhibitorowymi benzochinonu, które są wynikiem addycji grupy tiolowej do układu nienasyconego w reakcji Michaela [70]. W tym przypadku mechanizm działania katecholi miałby opierać się na ich uprzednim utlenieniu. Inna z kolei propozycja był rodnikowy mechanizm addycji grupy tiolowei do pierścienia polifenolu [71]. Zaproponowano złożony wielokierunkowy przebieg procesu, a jego szczegóły wciąż pozostają aktualnym zagadnieniem.

Badania nad hamowaniem aktywności ureaz przez pochodne katecholu opierają się głównie na analizie wpływu obecności łańcuchów bocznych lub podstawników w pierścieniu głównym. Przetestowanie dużej serii polifenoli wobec ureazy z *H. pylori* umożliwiło otrzymanie bogatej analizy zależności struktura-aktywność [72]. Do badań użyto pochodnych katecholu oraz pirogalolu w celu oceny wpływu zarówno wpływu podstawników, jak i dodatkowej grupy hydroksylowej w pierścieniu głównym. Testowane związki zostały otrzymane na drodze selektywnego acylowania i redukcji produktów pośrednich (Schemat 10). Z przeprowadzonych testów aktywności biologicznej zaobserwowano, że najskuteczniejszym wśród przebadanych jest 4-(4-hydroksyfenetylo)benzeno-1,2-diol (**47**), a wprowadzenie trzeciej grupy hydroksylowej w pierścieniu głównym we wszystkich przypadkach powodowało pogorszenie siły inhibicji, co prawdopodobnie spowodowane jest obniżeniem reaktywności pierścienia w addycji grupy tiolowej.



Schemat 10. Synteza przykładowych pochodnych polifenoli z łańcuchami bocznymi oraz ich aktywność wobec ureazy z *H. pylori*.

Kolejnym przykładem obszernej serii związków katecholowych przetestowanych wobec ureazy ze *S. pasteurii* są pochodne kwasów 3,4-dihydroksyfenylooctowego oraz 3,4-dihydroksycynamonowego [73]. Zbadano około 40 kwasów, estrów oraz amidów. Zaskakująco żaden z analogów kwasu kawowego nie wykazał aktywności hamującej. Niewielkie różnice
w strukturze związków (dodatkowy atom węgla i wiązanie podwójne) diametralnie wpływały na poziom inhibicji. Ester butylowy oraz propargilowy kwasu 3,4-dihydroksyfenylooctowego okazały się być o rząd wielkości bardziej aktywne niż niepodstawiony katechol (Rysunek 7).



Rysunek 7. Aktywność katecholu oraz jego pochodnych wobec ureazy ze *S. pasteurii*.

Dobre właściwości inhibitorowe pochodnych katecholu oraz ich niska cytotoksyczność były motywacją badań macierzystego zespołu (bezpośrednio poprzedzających wyniki niniejszej rozprawy) do stworzenia pochodnych fosforowych w celu wprowadzenia ugrupowania zdolnego do dodatkowych oddziaływań z centralnymi jonami metalu ureazy [74]. Zsyntetyzowano związki zawierające jeden bądź trzy atomy węgla pomiędzy grupą fosforową a ugrupowaniem katecholu. Trzy serie związków uzyskano na drodze wieloetapowej syntezy z handlowo dostępnych substratów takich jak: kwas 3,4-dihydroksycynamonowy, alkohol 3,4-dimetoksybenzylowy oraz aldehyd 3,4-dimetoksybenzoesowy. Kilka docelowych struktur cechowało się mikromolarną a nawet submikromolarną wartością stałej inhibicji wobec ureazy ze *S. pasteurii* (Rysunek 8).



Rysunek 8. Aktywność fosforowych pochodnych katecholu wobec ureazy ze S. pasteurii.

Bardziej rozbudowanymi strukturalnie polifenolami są flawonoidy zwiazki pochodzenia głównie roślinnego, bedace powszechnym składnikiem pokarmowym w zbilansowanej diecie człowieka [75,76]. Ich budowa chemiczna w większości przypadków opiera się na szkielecie flawonu lub izoflawonu i różni się od siebie rodzajem i położeniem podstawnika. Flawonoidy są znane ze swojej kompleksowej aktywności biologicznej, właściwości obejmujacej zarówno antyoksydacyjne, przeciwzapalne, przeciwnowotworowe, jak i przeciwdrobnoustrojowe. Zaletą ich stosowania w leczeniu jest bardzo niska toksyczność, a także synergistyczne działanie z antybiotykami.

Mechanizm oddziaływania flawonoidów z ureazą zależy od struktury szkieletu głównego oraz rodzaju podstawników. Dla flawonoidów zawierających ugrupowanie katecholowe zaobserwowano kowalencyjny mechanizm inhibicji opierający się na tworzeniu wiązania z resztą cysteiny [77].

W związku z powszechnością występowania flawonoidów w środowisku naturalnym stały się one składnikami medycyny niekonwencjonalnej. Powszechnie znane są cenne właściwości lecznicze takich roślin jak: mącznica lekarska, mniszek lekarski, pokrzywa, skrzyp polny, zielona herbata, pietruszka, kurkuma, żurawina, borówka brusznica oraz wiele innych. Zawierają one substancje aktywne, w tym także z grupy flawonoidów. Ziołolecznictwo znalazło duże zastosowanie, w tym we wspomaganiu leczenia infekcji dróg moczowych. Substancje aktywne zawarte w składzie roślin mają działanie moczopędne zwiększając diurezę oraz obniżając wartość pH moczu powodując niekorzystne środowisko rozwoju dla patogenów.

W naukowej literaturze można znaleźć wiele przykładów dotyczących zastosowania ziołolecznictwa dla obniżenia aktywności ureaz. Przykładowo, dla potwierdzenia skuteczności leczenia wrzodów żołądka ekstraktem z kwiatów rośliny *Lonicera japonica* (znanej jako wiciokrzew japoński – ozdobny krzew popularny w tradycyjnej medycynie azjatyckiej) przeprowadzono testy

aktywności biologicznej *in vitro* surowych preparatów wobec *H. pylori* [77]. Wykazano, że pąki kwiatowe rośliny mogą zawierać nawet 15 różnych flawonoidów, a do najefektywniejszych należą luteolina i kwarcetyna, będące głównymi substancjami aktywnymi (Rysunek 9). Zbadano ekstrakt roślinny, wyizolowane z niego w procesie ekstrakcji alkoholowej surowe flawonoidy oraz dla porównania czyste substancje aktywne. Zaobserwowano umiarkowaną aktywność przygotowanych preparatów wobec ureazy z *H. pylori*, potwierdzającą ich wpływ na proces leczenia, co stanowi ciekawe uzupełnienie medycyny konwencjonalnej.



Rysunek 9. Aktywność surowych preparatów roślinnych oraz czystych flawonoidów wobec ureazy z *H. pylori*.

2.2.2.3. Układy α,β-nienasycone

Kolejną grupą związków o interesującej reaktywności względem grupy tiolowej cysteiny są α , β -nienasycone układy karbonylowe/karboksylowe: w wyniku ataku nukleofilowego w produkcie ich reakcji powstaje nowe wiązanie węgiel-siarka w pozycji β (Schemat 11). Jest to wariant znanej reakcji, nosi nazwę addycji tia-Michaela i wymaga obecności katalizatora (najczęściej zasadowego, np. wodorowęglany, aminy, aminokwasy).



Schemat 11. Ogólny mechanizm reakcji tia-Michaela.

Reaktywność obu substratów przekłada się na zdolność inhibicji enzymu. Szybkość reakcji jest zależna od zasadowości tiolu, mocy zasady, polarności rozpuszczalnika, a także struktury przestrzennej reagentów – obecność sterycznie rozbudowanych podstawników w pozycjach α i β akceptora Michaela oraz wokół centrum nukleofilowego może utrudniać reakcję. Ostatni parametr należy szczególnie rozważyć podczas planowania i projektowania struktur inhibitorów o takim mechanizmie działania.

Przykładem układów α,β -nienasyconych testowanych wobec ureaz są pochodne kwasu akrylowego i propargilowego (60-65) (Rysunek 10) [53]. Zsyntetyzowano kilkadziesiat stosunkowo prostych cząsteczek zawierających grupy funkcyjne przy wiązaniu podwójnym (o różnej stereoizomerii, E lub Z) lub potrójnym. Związki zbadano pod kątem ich aktywności hamującej aktywność ureazy ze S. pasteurii wykazując w kilku przypadkach nanomolarną wartość stałej inhibicji. Na szczególną uwage zasłużył kwas acetylenodikarboksylowy (64), który oprócz bardzo niskiej stałej inhibicji cechował się także brakiem cytotoksyczności wobec komórek ssaczych. Co więcej, przeprowadzone modelowanie molekularne wykazało, że jego efektywny sposób wiązania może opierać się na jednoczesnym wiązaniu z resztą cysteiny i koordynowaniu kationów niklu w centrum aktywnym.



ROOC---COOR

R = H, **60**, K_i = 36 µM R = NO₂, **62**, K_i = 12 µM Et, **61**, K_i = 11 µM H, **63**, K_i = 21 µM

R = H, **64**, *K*_i = 0,043 μM Me, **65**, *K*_i = 0,0098 μM

Rysunek 10. Aktywność układów α,β-nienasyconych wobec ureazy ze *S. pasteurii*.

2.2.2.4. Jony metali ciężkich

Jony metali ciężkich również skutecznie hamują aktywność ureaz bakteryjnych, w szczególności jony rtęci(II), srebra(I) oraz miedzi(II) są uznawane za najsilniejsze inhibitory w tej grupie związków [34,78]. Ich mechanizm wiązania w centrum aktywnym nie jest jednoznacznie poznany [79]. Najczęściej uważa się, że jest on wolnowiążący niekompetycyjny i obejmuje głównie oddziaływanie jonów metali z grupami tiolowymi enzymu. W wyniku tego tworzone są toksyczne nierozpuszczalne siarczki, co stanowi przeciwskazanie dla ich stosowania. Oprócz reaktywności wobec grup tiolowych zaobserwowano, że jony Cu²⁺ i Ag⁺ posiadają także zdolność do interakcji z innymi resztami aminokwasowymi poprzez koordynowanie atomu azotu w histydynie oraz atomu tlenu w kwasie asparaginowym i glutationowym [80]. Niemniej jednak pomimo dobrej aktywności wobec ureaz tylko związki bizmutu (kompleks Bi(EDTA) $K_i = 2,5$ mM wobec ureazy z *K. aerogenes* [81]) zostały uznane za bezpieczne w stosowaniu.

2.2.3. Podsumowanie

Opracowano wiele rodzajów inhibitorów ureaz, aczkolwiek pomimo mnogości dotychczasowych rozwiązań, niekorzystne zjawisko oporności antybiotykowej szczepów bakteryjnych ciągle inspiruje rozwój tej tematyki.

Zdolność do różnorodnych oddziaływań w centrum aktywnym ureazy stwarza ogromne możliwości modyfikacji istniejących rozwiązań i poszukiwania efektywniejszych, które będą stanowić alternatywne narzędzie regulowania aktywności ureazy. Istotą powodzenia badań jest odpowiednio zaprojektowana struktura inhibitora, która najbardziej dopasuje się do centrum aktywnego enzymu tworząc silną sieć oddziaływań oraz ewentualnie wiązań chemicznych. Jak wynika z przykładów literaturowych nawet niewielka zmiana w strukturze inhibitora może spowodować diametralną różnicę w efektywności inhibicji. Przyczyna jest wymagająca sterycznie budowa przestrzenna centrum aktywnego enzymu, zdolna akceptować jedynie stosunkowo mało rozbudowane cząsteczki. Dlatego tak ważne jest prowadzenie kompleksowych badań w oparciu o racjonalne projektowanie oraz tworzenie dużych bibliotek związków. Szczególnie istotne jest także przeprowadzanie testów aktywności biologicznej na enzymach różnego pochodzenia – nawet subtelna różnica w budowie miejsca aktywnego ma znaczący wpływ na siłę inhibicji, a w konsekwencji na selektywność działania związku. Oprócz powyższych aspektów należy pamiętać o aspektach aplikacyjnych, których podstawą jest bezpieczeństwo stosowania. Ważną kwestią są badania cytotoksyczności określające wpływ nowych struktur na funkcjonowanie organizmów oraz środowiska.

Podsumowując, poszukiwanie skutecznych inhibitorów ureazy jest podejściem wieloaspektowym. Wymaga od naukowców znajomości podstawowej biochemii enzymu, racjonalnego projektowania nowych struktur (coraz częściej w oparciu o modelowanie molekularne), znajomości możliwości syntetycznych i projektowania indywidualnych szlaków syntezy oraz prowadzenia szeroko zakrojonych testów biologicznych. Ciągły rozwój tej dziedziny prowadzi do doskonalenia rozwiązań oraz lepszego zrozumienia mechanizmów inhibicji ureazy.

3. BADANIA WŁASNE

3.1. Cel badań

Celem niniejszej rozprawy doktorskiej było opracowanie nowej klasy inhibitorów ureaz o unikalnym sposobie działania. W szerokim kontekście projekt ten motywowany był ograniczeniami uniwersalnych środków przeciwdrobnoustrojowych, które prowadzą do rozwoju oporności bakterii na dostępne antybiotyki. Pomimo wieloletnich badań, nadal brakuje inhibitorów ureazy, które łączą wysoką skuteczność, stabilność i bezpieczeństwo stosowania. Opracowywanie nowych inhibitorów ureazy pozostaje ogromnym wyzwaniem, które pomoże usprawnić profilaktykę i terapię wielu chorób wywołanych przez patogeny wykorzystujące ureazę jako czynnik wirulencji.



Rysunek 11. Modele mechanizmów hamowania ureazy w miejscu aktywnym opartych na (A) oddziaływaniu grupy fosfonowej/fosfinowej z jonami niklu lub (B) tworzeniu wiązania kowalencyjnego z resztą cysteiny tworzącą strukturę "klapki" zamykającej miejsce aktywne po związaniu substratu (Cys322 w przypadku enzymu ze *S. pasteurii*) oraz (C) proponowany mechanizm jednoczesnej interakcji z oboma miejscami kluczowymi dla aktywności ureazy. Zwiększenie selektywności inhibitorów zmniejsza ich cytotoksyczność, a tym samym minimalizuje ryzyko powstawania skutków ubocznych. Obecność specyficznych oddziaływań wpływa na skuteczność działania inhibitora i jest podstawą projektowania nowych związków biologicznie czynnych. Opierając się na określonych elementach strukturalnych/funkcjonalnych w swoich badaniach zaproponowałam połączenie ich mechanizmów wiązania w centrum katalitycznym ureazy w celu otrzymania nowych zaawansowanych ligandów enzymu (Rysunek 11). Planowano sprawdzić aktywność związków względem modelowego oczyszczonego enzymu bakteryjnego, wydzielonego z bakterii *S. pasteurii*, a także działanie antyureolityczne względem całych komórek używając linii *H. pylori*.

3.2. Struktury inhibitorów

Podstawowym wyzwaniem postawionym przede mną było zaprojektowanie struktur, które miałyby zdolność do tworzenia zarówno kowalencyjnych, jak i niekowalencyjnych interakcji w centrum aktywnym enzymu. Opierając się częściowo na danych literaturowych [41,73,74] zaproponowałam połączenie konkretnych ugrupowań, tj. grupy fosfonowej/fosfinowej dedykowanej koordynowaniu jonów niklu z fragmentem katecholu lub 1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-onu, które są reaktywne względem tioli (Schemat 12).



Schemat 12. Ogólna idea konstrukcji fosforoorganicznych pochodnych katecholu lub 1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onu jako nowych inhibitorów ureazy.

W strukturze fosforowych pochodnych katecholu zastosowałam łącznik zawierający dwa atomy węgla między kluczowymi fragmentami struktury. Dodatkowo inhibitory były funkcjonalizowane grupą lub grupami karboksylowymi zdolnymi do tworzenia wiązań wodorowych z innymi, głównie zasadowymi resztami aminokwasowymi w centrum aktywnym enzymu [74]. Natomiast w przypadku fosforowych pochodnych 1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)onu zastosowałam szeroki wybór łączników alifatycznych, alifatycznoaromatycznych oraz aromatycznych. Badania te uzyskały finansowanie w ramach projektu OPUS 16 pt. "Inhibitory ureazy o podwójnym mechanizmie działania i ich aktywność przeciwwirulentna względem *Helicobacter pylori* i *Cryptococcus neoformans*" finansowanego przez Narodowe Centrum Nauki, kierowanego przez promotora rozprawy.

Dodatkowo, nawiązując do wysokiej aktywności chlorowanych pochodnych ebselenu, co przypisano tworzeniu specyficznych wiązań wodorowych oraz oddziaływań typu π [69], zaproponowałam syntezę halogenowych pochodnych N-benzylo-1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onu, zawierających różna liczbe oraz położenie atomów chloru, fluoru lub grupy trifluorometylowej (Rysunek 12). Projekt ten miał na celu zbadanie, jakie pozycje podstawników będą najefektywniejsze w oddziaływaniu z centrum aktywnym enzymu. Głównym celem było jednak otrzymanie związków bardzo dobrze działających przeciw patogennym liniom komórkowym bakterii wykazujących aktywność ureolityczna. Wspomniane pochodne ebselenu, mimo że o wyjątkowo wysokim powinowactwie względem natywnego enzymu ze S. pasteurii [69], nie odzwierciedliły tego potencjału w testach względem całych komórek H. pylori. Pochodne benzylowe oraz alkilowe 1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onu okazały się ciekawsze pod tym względem (dane nieopublikowane). Dlatego postanowiłam połączyć pozytywne cechy różnych grup związków selenoorganicznych w zmodyfikowanej strukturze.

 $X = mono, di, tri-(F, CI, CF_3)$

Rysunek 12. Struktura halogenowych pochodnych *N*-benzylo-1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-onu.

3.3. Fosforowe pochodne katecholu

3.3.1. Synteza kwasu H-fosfinowego

Wieloetapowa syntezę zaplanowanych fosforowych pochodnych katecholu rozpoczęłam od standardowej estryfikacji kwasu 2-(3,4-dimetoksyfenylo)octowego, która przebiegła w sposób ilościowy (Schemat 13). Następnie przeprowadziłam kondensację Knoevenagela otrzymanego estru z formaldehydem w celu uzyskania akrylanu P1.2. W reakcji tej obserwowałam powstawanie produktu ubocznego, którym był 2-(3,4-dimetoksyfenylo)-3-(hydroksymetylo)propanian metylu. Wydajność pożądanego produktu zwiększyłam skracając czas trwania kondensacji przez zastosowanie ogrzewania wspomaganego mikrofalami – udział produktu ubocznego zmalał z 50% (dla ogrzewania konwencjonalnego) do poniżej 10%.



(a) CH₃OH, SOCl₂, 0°C, 30 min, (b) paraformaldehyd, K₂CO₃, TBAB, DMF, 40°C, 2 h, MW, (c) NH₄⁺H₂PO₂⁻, BSA, CH₂Cl₂, 0°C, 1 h, następnie związek P1.2, 0°C → rt, 24 h, następnie CH₃OH, rt, 24 h

Schemat 13. Synteza kwasu H-fosfinowego P1.3.

Otrzymany elektrofilowy akrylan posłużył do reakcji z nukleofilowym związkiem fosforowym. Kluczowa w tej reakcji okazała się odpowiednia aktywacja soli amonowej kwasu podfosforawego prowadząca do otrzymania podfosforynu bis(trimetylosililowego) (Rysunek 13).



ppm

Rysunek 13. Zestawienie widm ³¹P NMR surowych mieszanin poreakcyjnych otrzymanych w reakcjach tworzenia produktu P1.3 z różnymi odczynnikami sililującymi sól amonową kwasu podfosforawego.

Zastosowanie heksametylodisilazanu (HMDS) w wysokiej temperaturze doprowadziło do powstania złożonej mieszaniny, która zawierała pożądany produkt P1.3, ale również między innymi jego utlenioną formę (kwas fosfonowy P1.6, Schemat 14) oraz produkt podwójnej addycji P1.4 (Schemat 14). Aktywacja podfosforynu amonu chlorotrimetylosilanem (TMSCl) w środowisku zasadowym dawała głównie produkt podwójnej addycji. Zastosowanie *N,O*-bis(trimetylosililo)acetamidu (BSA) okazało się najdogodniejsze i po metanolizie estru sililowego, będącego produktem pośrednim addycji HP(OSiMe₃)₂ do akrylanu, otrzymano głównie kwas H-fosfinowy P1.3 z zadowalającą wydajnością. Jak wspomniano, przy zastosowaniu tej metody produkt uboczny P1.4 powstał w ilości mniejszej niż 10%, aczkolwiek struktura ta również wydała mi się interesująca w kontekście zastosowania. Dlatego postanowiłam ją wyizolować, scharakteryzować, a także użyć do dalszych przekształceń.

3.3.2. Modyfikacje kwasu H-fosfinowego i odblokowanie grup funkcyjnych

W kolejnym etapach przeprowadziłam modyfikacje wiązania P-H kwasu H-fosfinowego (Schemat 14). Wydłużony kwas fosfinowy P1.5 zsyntetyzowałam w reakcji addycji fosfa-Michaela aktywowanego (za pomocą TMSCl) związku P1.3 do akrylanu metylu [82]. Natomiast kwas fosfonowy P1.6 otrzymałam w wyniku utlenienia P1.3 za pomocą DMSO z dodatkiem I₂ [83].

Końcowym etapem procedury było usunięcie grup ochronnych: rozszczepienie lub hydroliza eterów katecholowych i estrów karboksylowych. Całkowite demetylowanie związków P1.4-6 przeprowadziłam przy użyciu tribromku boru w wyniku czego otrzymałam kwasy P1.7, P1.10 oraz P1.11. oczyszczania chromatograficznego Podczas mieszanin poreakcyjnych wyizolowałam związki P1.8 oraz P1.12. Związek P1.8 zidentyfikowałam jako chemoselektywnego usunięcia grup metylowych produkt z eterów katecholowych substratu P1.4 (z zachowaniem estrów), natomiast P1.12 – jako produkt elektrofilowego podstawienia pierścienia aromatycznego atomem bromu. Demetylowanie grup w związku P1.3 przeprowadziłam stosując zoptymalizowane przeze mnie ogrzewanie wspomagane mikrofalami w mieszaninie stężonego kwasu solnego i lodowatego octowego otrzymując produkt P1.9. Warunki te zastosowałam również referencyjnie w hydrolizie związku P1.6, co spowodowało wzrost wydajności produktu P1.11 (z 32% z użyciem BBr₃ do 46%) i zmniejszenie ilości zanieczyszczeń. Ze względu na łatwość przeprowadzenia, krótki czas reakcji i zmniejszenie

złożoności mieszanin poreakcyjnych, metoda jest korzystniejsza i może być rekomendowana.



(a) TMSCI, Et₃N, CH₂Cl₂, 0°C, 1h, następnie akrylan metylu, 0°C \rightarrow rt, 24 h, CH₃OH, rt, 24 h, (b) I₂, DMSO, THF, 60°C, 5 h, (c) HCI, CH₃COOH, 140°C, 20 min, MW, (d) BBr₃, CH₂Cl₂, Ar, -5°C \rightarrow rt, 48 h, następnie H₂O, rt, 2 h, (e) CH₃OH

Schemat 14. Przeprowadzone modyfikacje kwasu H-fosfinowego oraz usunięcie grup ochronnych katecholu oraz funkcji karboksylowych.

W próbach demetylowania substratów P1.5 i P1.6 przy użyciu trichlorku boru nie udało mi się wydzielić produktów selektywnej reakcji, tj. estrów karboksylowych zawierających wolne ugrupowanie katecholu. Zgodnie z założeniami związki te, obok kwasów, powinny by ciekawymi strukturami w kontekście aktywności biologicznej. Dlatego związki P1.13 i P1.14 zdecydowałam się zsyntetyzować z otrzymanych już wcześniej kwasów P1.10 i P1.11. Zaskakujaco, zastosowanie standardowej estrvfikacji w metanolu z chlorkiem tionylu dawało mieszaniny substratu i produktu w zmieniających się proporcjach. Zauważyłam, że podczas chromatograficznego oczyszczania czy wykonywania pomiarów widm NMR estry okazywały się bardzo wrażliwe na hydrolize, nawet w obecności śladowych ilości wodv zawartej w rozpuszczalnikach w temperaturze pokojowej. Przypuszczalnie reakcja ta była procesem autokatalitycznym, w którym rolę odgrywają grupy kwasowe zawarte w czasteczce substratu. Potwierdzenie uzyskałam rozpuszczając próbki estrów w wodzie i obserwując szybką hydrolizę składnika estrowego, co powodowało zmianę sygnału na widmie ³¹P NMR.

Obserwacja ta nasunęła mi pomysł estryfikacji w oparciu o podobny mechanizm, tj. spontaniczną reakcję w czystym rozpuszczalniku. Idea okazała sie słuszna. co udowodniłam rozpuszczając kwasv W metanolu i przeprowadzając serię pomiarów widm NMR w czasie, mierząc tym samym postęp reakcji (Rysunek 14). W przypadku kwasu P1.10 reakcja przebiegała etapami. Estryfikacja jednej grupy karboksylowej nastąpiła w ciągu około 24 godzin, podczas gdy estryfikacja mniej reaktywnej grupy trwała około 2 tygodnie (Rysunek 14A). Natomiast całkowitą estryfikację kwasu P1.11 osiagnieto po około 80 godzinach (Rysunek 14B).



Rysunek 14. Przebieg estryfikacji kwasu P1.10 prowadzącej do P1.13 (A) oraz P1.11 do P1.14 (B, C), na podstawie widm ³¹P NMR.

Z podanych powyżej powodów związków tych nie byłam w stanie wyizolować i scharakteryzować. Wykonałam jedynie widma masowe potwierdzające poprawność struktur. W kontekście pomiarów aktywności biologicznej należało zapobiec hydrolizie estrów w wodzie. Dlatego dodatkowo przeanalizowałam wpływ buforu pomiarowego (3 mM bufor fosforanowy, pH 7) na szybkość hydrolizy. Na podstawie analizy widm NMR stwierdziłam, że stabilność związków jest zachowana (poniżej 5% hydrolizy w ciągu 3 dni). Zatem po estryfikacji, metanolowe roztwory estrów rozcieńczano bezpośrednio w buforze pomiarowym do odpowiedniego stężenia i natychmiast poddano testom aktywności biologicznej. Potwierdziło to pośrednio autokatalityczny wpływ grup kwasowych – ich buforowanie hamowało proces hydrolizy.

Wobec napotkanych problemów z reaktywnością grup karboksylowych postanowiłam sprawdzić, czy ich obecność jest niezbędna dla spodziewanej

aktywności antyureolitycznej. Wymagało to syntezy analogu wybranej pochodnej katecholowej, np. kwasu fosfonowego, o uproszczonej strukturze. W tym celu przeprowadziłam reakcję Arbuzowa 4-(2-bromoetylo)-1,2dimetoksybenzenu z fosforynem trietylowym (Schemat 15). Następnie otrzymany ester P1.15 poddałam hydrolizie w warunkach kwasowych otrzymując produkt końcowy P1.16.



(a) P(OEt)₃, 140°C, 2 h, MW, (b) HCl, CH₃COOH, 140°C, 20 min, MW

Schemat 15. Synteza fosfonowej pochodnej zawierającej fragment katecholu, pozbawionej grupy karboksylowej.

3.4. Fosfonowe pochodne N-podstawionego 1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onu

W kolejnym projekcie podjęłam się syntezy fosfonowych pochodnych *N*-podstawionego 1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-onu. Jedną z podstawowych metod ich otrzymywania jest zamykanie pięcioczłonowego pierścienia heterocyklicznego w reakcji chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu z aminami pierwszorzędowych [84]. W celu uzyskania struktur zaplanowanych w niniejszej pracy (Schemat 12) przeprowadziłam syntezy zarówno kluczowego substratu selenoorganicznego (Podrozdział 3.4.1), jak i zestawu różnych aminofosfonianianów (Podrozdział 3.4.2).

3.4.1. Synteza chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu

Reagent selenoorganiczny otrzymałam w wyniku czteroetapowej syntezy, którą rozpoczęłam od otrzymania diselenku disodu w reakcji sproszkowanego selenu z metanolanem sodu w obecności hydrazyny. Następnie przeprowadziłam diazowanie grupy aminowej kwasu antranilowego a otrzymaną sól diazoniową poddałam reakcji z wcześniej otrzymanym komponentem selenowym (Schemat 16) [85]. Otrzymany kwas 2,2'-diselenobisbenzoesowy oczyściłam poprzez rekrystalizację w 1,4-dioksanie, a następnie przekształciłam w chlorek 2-(chloroseleno)benzoilu w reakcji z chlorkiem tionylu. Produkt oczyściłam przez rekrystalizację w heksanie.



(a) NaNO₂, HCl, H₂O, 0°C, (b) 1. Na₂Se₂, -5°C, 2. HCl, (c) SOCl₂, DMF, t.w.

Schemat 16. Synteza chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu.

3.4.2. Synteza aminofosfonianów

Zaplanowałam kilka typów łączników pomiędzy grupą aminową a fosfonową. Każdy z nich charakteryzował się różną długości i/lub różną izomerią konstytucyjną. Zakres optymalnej długość linkera oszacowałam poprzez wyznaczenie odległości pomiędzy atomem siarki grupy tiolowej w cysteinie (znajdującej się na wejściu do centrum aktywnego ureazy, Cys321 w ureazie z *H. pylori*, Cys322 w ureazie ze *S. pasteurii*) a kationami niklu, w oparciu o struktury krystaliczne odpowiednich enzymów (Rysunek 15).



Rysunek 15. Odległość atomu siarki grupy tiolowej w cysteinie kluczowej dla zmian konformacyjnych białka od kationów niklu w ureazie z *H. pylori* (A: struktura PDB 1E9Y) oraz ze *S. pasteurii* (B: struktura PDB 2UBP, konformacja otwarta, C: struktura PDB 3UBP, konformacja zamknięta). Długość ta zależała od konformacji miejsca aktywnego enzymu (otwarta bądź zamknięta), a także od źródła pochodzenia białka, dlatego docelowe związki zostały wybrane w szerokim zakresie długości linkera. Ponieważ proponowane aminofosfoniany zawierały różne kombinacje alifatycznej bądź aromatycznej grupy fosfonowej oraz aminowej, dla poszczególnych wariantów zaplanowałam indywidualne warunki syntezy estrów dietylowych tych związków w zależności od dostępnych substratów.

3.4.2.1. Aminofenylofosfoniany

Aminofenylofosfoniany P2.1.1 i P2.2.1 otrzymałam wyniku W katalizowanych zwiazkami palladu reakcji sprzegania krzyżowego halogenopochodnych z komponentami fosforowymi. Pierwszą wykonałam reakcję fosforylowania 4-jodoaniliny z użyciem fosforynu trietylu w obecności chlorku palladu(II) w wodzie. Pomimo dokładnego zastosowania literaturowych warunków reakcji, nie udało mi się odtworzyć bardzo dobrej wydajności reakcji [86]. W związku z tym dla pochodnej *meta* zaproponowałam inną reakcję sprzegania z zastosowaniem 3-bromoaniliny, fosforynu dietylowego i octanu palladu(II), która w rezultacie spowodowała lepszą konwersję (Schemat 17).



(a) $HP(O)(OEt)_{2}$, $Pd(OAc)_{2}$, PPh_{3} , NEt_{3} , EtOH, t.w. (b) $P(OEt)_{3}$, $PdCl_{2}$, TBAB, $n-Pr_{3}N$, $H_{2}O$, t.w.

Schemat 17. Synteza aminofenylofosfonianów dietylowych.

3.4.2.2. (Aminofenylo)alkilofosfoniany

W przypadku aminofosfonianów z łącznikiem benzylowym lub fenetylowym syntezę rozpoczęłam od handlowo dostępnych bromków benzylu lub fenetylu z ugrupowaniem nitrowym w pozycji *meta* lub *para* (Schemat 18). Pierwszym etapem była reakcja Arbuzowa. Przeprowadziłam ogrzewanie bromków z fosforynem trietylu wspomagane mikrofalami, co doprowadziło do uzyskania fosfonianów P2.3.1-P2.6.1 z bardzo dobrymi wydajnościami. Analizując stopień konwersji każdego z nich zauważyłam, że pochodne benzylowe były nieco bardziej reaktywne od fenetylowych, a także pochodne *meta* od *para*. W kolejnym etapie wykonałam redukcję grupy nitrowej przy użyciu chlorku cyny(II) otrzymując aminofosfoniany P2.3.2-P2.6.2 z bardzo dobrymi wydajnościami, również wyższymi dla pochodnych benzylowych.



(a) P(OEt)₃, 140°C, 2 h, MW, (b) SnCl₂, HCl, EtOH, 60°C, 2 h

Schemat 18. Synteza (aminofenylo)alkilofosfonianów dietylowych.

3.4.2.3. (Aminometylofenylo)metylofosfoniany

Kolejne aminofosfoniany otrzymałam w wyniku syntezy Gabriela, polegającej na otrzymywaniu amin z pierwszorzędowych halogenków alkilowych, z zastosowaniem ftalimidku potasu (Schemat 19). Aby uzyskać zaplanowany układ strukturalny użyłam dichloropochodnej *m*-ksylenu oraz dibromopochodnej *p*-ksylenu. W pierwszej kolejności przeprowadziłam reakcję substytucji nukleofilowej nadmiaru halogenopochodnej z ftalimidkiem potasu, otrzymując ftalimidy P2.7.1 oraz P2.8.1. Następnie obecność drugiego atomu halogenu umożliwiła mi otrzymanie fosfonianów P2.7.2 oraz P2.8.2 w reakcji Arbuzowa z fosforynem trietylu. Ostatnim etapem była hydrazynoliza układu ftalimidowego. Ze względu na konieczność zachowania zestryfikowanej grupy fosfonianowej nie brałam pod uwagę możliwości przeprowadzenia hydrolizy w warunkach kwasowych lub zasadowych.



Schemat 19. Synteza (aminometylofenylo)metylofosfonianów dietylowych.

3.4.2.4. ω-Aminoalkilofosfoniany

ω-Aminoalkilofosfoniany dietylowe otrzymałam w analogicznej sekwencji reakcji jak (aminometylofenylo)metylofosfoniany (Schemat 20). Zarówno produkty alkilowania – bromki alkilowe z ugrupowaniem ftalimidowym P2.9.1-P2.12.1, jak i odpowiadające im alkilofosfoniany P2.9.2-P2.12.2 wydzieliłam z bardzo wysokimi wydajnościami, które w większości przypadków przekroczyły 90%. Po hydrazynolizie napotkałam jednak problemy z doczyszczaniem surowych mieszanin aminoalkilofosfonianów. Trudnością w chromatografii był brak ugrupowań absorbujących promieniowanie z zakresu pracy detektora, a w ekstrakcji - zaskakująco duża rozpuszczalność tych związków w wodzie. Spróbowałam także wydzielać je w postaci chlorowodorków amoniowych, jednakże podejście to także nie przyniosło zadowalających wyników ze względu na wysoką higroskopijność soli. We wszystkich metodach oczyszczania pojawiały się dodatkowe zanieczyszczenia, z których udało mi sie zidentyfikować produkt cześciowej hydrolizy estru fosfonowego. W związku z powyższymi problemami, a także ze względu na zadowalającą homogeniczność surowych mieszanin po hydrazynolizie, zdecydowałam się użyć surowe aminoalkilofosfoniany w dalszym etapie.



(a) ftalimidek potasu, DMF, 100°C, 8 h, (b) $P(OEt)_{3,}$ 140°C, 2 h, MW, (c) $N_2H_4,$ EtOH, rt, 12 h



3.4.3. Synteza 1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onów i hydroliza estrów fosfonowych

W kolejnym etapie przeprowadzałam reakcję otrzymanych aminofosfonianów z chlorkiem 2-(chloroseleno)benzoilu (Schemat 21). Reakcja ta przebiegała w temperaturze pokojowej, a jej wydajność zależna była od charakteru aminy (aromatyczna/alifatyczna) i czasu prowadzenia reakcji, dlatego zdecydowałam się go znormalizować do 48 godzin. Niezwykle ważnym elementem było zastosowanie bezwodnego rozpuszczalnika oraz ścisłe zachowanie zasadowych warunków, które zapewniał nadmiar aminy III-rzędowej. Amina wiązała wydzielający się chlorowodór, w przeciwnym razie powstający pierścień ulegał otwarciu.



(a) Et₃N, CH₂Cl₂, rt, 48 h, (b) CH₃COOH, HCl, 140°C, 20 min, MW



Schemat 21. Synteza fosfonowych pochodnych *N*-podstawionego 1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-onu.

Ostatnim etapem procedury była hydroliza grup estrowych. W pierwszej kolejności spróbowałam transestryfikacji bromotrimetylosilanem (TMSBr) i następczej metanolizy, jednak metoda ta przyniosła złożone mieszaniny poreakcyjne. Oczekiwany produkt powstawał w niewielkim stopniu,

co prawdopodobnie było skutkiem nietrwałości pierścienia selenazolonu wobec bromowodoru. W celu złagodzenia warunków spróbowałam użyć TMSBr z dodatkiem trietyloaminy, co jednak prowadziło jedynie do monoestrów fosfonowych. Spróbowałam także odwrócenia sekwencji reakcji: hydroliza aminofosfonianów dietylowych do kwasów fosfonowych a następnie ich użycie w reakcji z chlorkiem 2-(chloroseleno)benzoilu. W tym przypadku trudno było jednak dobrać dobry rozpuszczalnik dla aminokwasu, a wydajność aminolizy chlorku była niska. Skutecznym podejściem okazało się zastosowanie zoptymalizowanego ogrzewania estrów wspomaganego mikrofalami w mieszaninie stężonego kwasu solnego i lodowatego octowego. Krótki czas reakcji wpłynał korzystnie na zmniejszenie ilości powstających produktów ubocznych, co umożliwiło bezproblemowe oczyszczenie otrzymanych kwasów z zastosowaniem chromatografii HPLC na odwróconej fazie.

Większość związków miała postać krystaliczną, w tym dla dwóch kwasów fosfonowych (P2.9.4 oraz P2.11.4) otrzymałam monokryształy w formie charakterystycznych igieł, co pozwoliło wyznaczyć ich struktury krystaliczne przez Panią dr inż. Julię Bąkowicz z Instytutu Materiałów Zaawansowanych Wydziału Chemicznego Politechniki Wrocławskiej. Dokonane pomiary umożliwiły zobrazowanie struktur przestrzennych, które różniły się od siebie upakowaniem i wzajemnym rozmieszczeniem cząsteczek (Rysunek 16). Związek P2.9.4 tworzył bardziej zwartą sieć krystaliczną, a płaskie aromatyczne fragmenty 1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-onu układały się równolegle względem siebie, co wskazało na dominujące oddziaływania typu *face to face*. W przypadku związku P2.11.4 pierścień aromatyczny jest ułożony naprzeciw grupy fosfonowej.



Rysunek 16. Struktura przestrzenna otrzymanych kryształów związków P2.9.4 (A) oraz P2.11.4 (B).

W wyniku przeprowadzonych syntez otrzymałam 12 estrów oraz 8 kwasów fosfonowych. Ponieważ estry wykazały się znacząco wyższą aktywnością antyureolityczną niż odpowiadające im kwasy (patrz rozdział 3.7), dla kilku końcowo zsyntetyzowanych pochodnych zrezygnowałam z etapu hydrolizy. Dla wybranych przypadków zdecydowałam się jednak otrzymać dodatkowo monoestry kwasów fosfonowych, związki o pośredniej hydrofobowości i właściwościach kwasowo-zasadowych między kwasami a estrami. W tym celu przeprowadziłam hydrolizę estrów dietylowych w warunkach zasadowych (Schemat 22), a otrzymane związki zostały poddane testom kinetycznym, co wzbogaciło dyskusję zależności struktura-aktywność.



Schemat 22. Hydroliza diestrów do monoestrów etylowych kwasu 2-(3-oksobenzo[*d*][1,2]selenazol-2(3*H*)-ilo)alkilofosfonowego w warunkach zasadowych.

Ponadto, w celu potwierdzenia znaczenia reaktywności pierścienia selenazolonu względem tioli dla efektywnej inhibicji, testom poddano także wybrane związki ftalimidowe jako analogi strukturalne selenazolonowego układu heteroaromatycznego. Wybrano otrzymane uprzednio estry P2.9.2 i P2.12.2, a także odpowiadające im kwasy P2.9.6 i P2.12.6, te ostatnie otrzymane w wyniku hydrolizy w zoptymalizowanych, opisanych powyżej warunkach (Schemat 23).



Schemat 23. Otrzymanie ftalimidowych pochodnych kwasu alkilofosfonowego.

Co ciekawe, chlorek 2-(chloroseleno)benzoilu okazał się reaktywny także względem fosforamidowego atomu azotu. Zamknięcie pierścienia z użyciem fosforamidu dietylowego pozwoliło otrzymać strukturę P2.13 nieposiadającą

łącznika pomiędzy atomem azotu a grupą fosfonianową, co poszerzyło bibliotekę potencjalnych inhibitorów ureazy (Schemat 24).



Schemat 24. Synteza (3-oksobenzo[*d*][1,2]selenazol-2(3*H*)-ilo)fosforamidu dietylowego.

3.5. Halogenowe pochodne N-benzylobenzizoselenazol-3(2H)-onu

W ostatnim projekcie podjęłam się syntezy około dwudziestoskładnikowej biblioteki halogenowanych *N*-benzylowych pochodnych 1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-onu (Schemat 25). W tym celu przeprowadziłam reakcję wcześniej otrzymanego chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu z handlowo dostępnymi halogenowanymi benzyloaminami w standardowych warunkach.



Schemat 25. Synteza halogenowych pochodnych *N*-benzylo-1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-onu.

Analizując wydajności otrzymanych produktów, zauważyłam, że rodzaj podstawnika i jego położenie mają duży wpływ na reaktywność grupy aminowej. Najniższe wydajności zaobserwowałam w reakcji z 2,3,4-trifluorobenzyloaminą, a także w większości przypadków amin zawierających co najmniej jedną grupę trifluorometylową. Zatem obecność podstawników silnie elektronoakceptorowych zdecydowanie obniżała nukleofilowość grupy aminowej i utrudniała jej reakcję z chlorkiem 2-(chloroseleno)benzoilu. Pozostałe produkty otrzymałam z zadowalającą lub dobrą wydajnością. Warto podkreślić łatwość wydzielania związków, które były krystaliczne. Oczyszczanie chromatograficzne nie było zatem konieczne a zastosowanie ekstrakcji (zasadowej w celu usunięcia pozostałości substratu selenowego oraz kwasowej usuwającej pozostałość aminy) oraz przemywania osadów eterem dietylowym było wystarczające dla pozbycia się drobnych zanieczyszczeń.

3.6. Aktywność biologiczna związków

We współpracy z dr. inż. Wojciechem Taborem oraz dr Agnieszką Grabowiecką [87,88] wszystkie zsyntetyzowane związki zostały poddane testom aktywności inhibitorowej wobec oczyszczonej natywnej ureazy z bakterii *Sporosacina pasteurii* CCM 2056 (ze względu na dostępność, znaną strukturę krystaliczną oraz wielość danych dotyczących inhibicji), a także hamowania ureolizy *in vitro* w żywych komórkach bakterii *Helicobacter pylori* Tx30a (ATCC 51932 – szczep ten został wybrany ze względu na jego niską wrażliwość na stresogenne warunki środowiskowe np. ekspozycję na tlen podczas testów ureolizy [89]). Linia komórek została uzyskana we współpracy z dr. Pawłem Krzyżkiem z Katedry i Zakładu Mikrobiologii Uniwersytetu Medycznego im. Piastów Śląskich we Wrocławiu.

Resztkową aktywność enzymu oznaczano metodą kolorymetryczną. Działanie inhibitorów śledzono w buforze fosforanowym zawierającym mocznik oraz 0,01% czerwieni krezolowej. Użyty wskaźnik odpowiadał za zmiane absorbancji roztworu wraz ze wzrostem pH roztworu pomiarowego (wzrostem stężenia powstającego amoniaku). Reakcję inicjowano poprzez dodanie enzymu, a absorbancję mierzono przez 1,5 h przy długości fali równej 570 nm. W przypadku wolnowiażacych związków katecholowych, testy aktywności zostały przeprowadzone bez i z etapem preinkubacji enzymu z inhibitorami przez 1 h przed dodaniem inicjującego reakcję mocznika i rozpoczęciem pomiarów. W trakcie testów przygotowywano i uwzględniano także ślepą próbę (kontrolę aktywności enzymu niehamowanego) oraz analizowano wpływ rozpuszczalnika użytego do rozpuszczenia badanych związków chemicznych. Stałą dysocjacji kompleksu enzym-inhibitor (Ki) dla pomiarów wobec natywnej ureazy z bakterii S. pasteurii oraz parametr IC_{50} dla pomiarów wobec żywych komórek H. pylori wyznaczano z otrzymanych krzywych pomiarowych zależności absorbancji od czasu.

3.6.1. Fosforowe pochodne katecholu

Dziewięć otrzymanych fosforowych związków katecholowych poddano działaniu względem oczyszczonej ureazy ze *S. pasteurii*. Z krzywych postępu reakcji zaobserwowano, że niektóre z inhibitorów początkowo wykazywały słaby wpływ na hamowanie, po którym następował hiperboliczny spadek aktywności enzymu. Pozostałe zaś charakteryzowały się nieco wyraźniejszym początkowym hamowaniem, po którym następował wolniejszy i mniej znaczący spadek aktywności enzymu. Charakterystyka ta znalazła odzwierciedlenie w polepszonych parametrach kinetycznych po wstępnej inkubacji enzymu z inhibitorem przed dodaniem substratu (Tabela 5). W przypadku większości katecholi wzrost inhibicji po etapie preinkubacji był umiarkowany. Natomiast w przypadku związków P1.8, P1.10 oraz P1.11 zaobserwowano znaczny spadek (nawet o dwa rzędy wielkości) wartości stałej K_i , co dowodzi silnego wolnowiążącego mechanizmu ich oddziaływania z centrum aktywnym enzymu.

Tabela 5. Aktywność inhibitorowa fosforowych pochodnych katecholu wobec ureazy ze *S. pasteurii* oraz ureolizy komórek *H. pylori* [87].

| | | но | OH OH X | Natywny enzym bakterii <i>S. pasteurii</i> <i>K</i> i [µM] | | Ureoliza komórek bakterii <i>H. pylori</i> IC ₅₀ [µM] |
|------------------------|----|--------------------|--|--|---|--|
| | х | R ₁ | R ₂ | bez preinkubacji | z preinkubacją | |
| P1.9 P1.10 P1.11 | Н | соон | H (CH ₂) ₂ COOH OH | 79,3 ± 4,9 298 ± 26 400 ± 38 | 58,8 ± 5,2 6,13 ± 0,33 2,36 ± 0,20 | 10,5 ± 0,54 9,28 ± 0,97 0,75 ± 0,020 |
| P1.7 | | | R ₁ он | 16,0 ± 0,50 | 6,80 ± 0,86 | 13,1 ± 0,53 |
| P1.13 P1.14 | | COOCH ₃ | (CH ₂) ₂ COOCH ₃ OH | 295 ± 13 107 ± 11 | 228 ± 24 78,0 ± 5,5 | 412 ± 65 31,4 ± 1,8 |
| P1.8 | | | R ₁ OH | 223 ± 26 | 7,55 ± 0,67 | 106 ± 6,5 |
| P1.16 P1.12 | Br | н соон | ОН ОН | 17,7 ± 2,8 41,9 ± 4,5 | 9,10 ± 1,8 34,8 ± 3,6 | 26,6 ± 0,60 50,3 ± 1,1 |

Wszystkie zsyntetyzowane fosforowe pochodne katecholi były mikromolarnymi inhibitorami ureazy ze S. pasteurii, a najlepszym z nich okazał się kwas P1.11, dla którego wartość K_i wynosi 2,36 µM. Obecność ugrupowania H-fosfinowego w związku P1.9 obniżyła zdolność do hamowania enzymu o jeden rząd wielkości, natomiast w przypadku rozbudowanego ugrupowania fosfinowego w związku P1.10 różnica w wartości Ki w stosunku do kwasu fosfonowego P1.11 była nieznaczna. Świadczy to o tworzeniu przez grupe karboksylową podstawnika P-karboksyetylowego dodatkowych oddziaływań w centrum aktywnym enzymu, które rekompensuja brak interakcji związanych z nieobecnościa jednej grupy P-OH (Rysunek 17). Co ciekawe, związki symetrycznie podstawionego kwasu fosfinowego (kwas P1.7 oraz ester P1.8) również wykazywały dobrą siłę hamowania. Natomiast związki zawierające estryfikowana grupę karboksylowa P1.8, P1.13 oraz P1.14 okazały się ogólnie gorszymi inhibitorami niż odpowiadające im kwasy (związki P1.7, P1.10 oraz P.11). Związek P1.13 uzyskał najwyższą wartość K_i, co może być związane z jego największą hydrofobowościa i rozbudowa strukturalną (miejsce aktywne ureazy jest ograniczone sterycznie). W przypadku produktu ubocznego z atomem bromu (związek P1.12), otrzymana wartość początkowej stałej inhibicji była jedną z lepszych, aczkolwiek jedynie nieznacznie zmieniła się pod wpływem inkubacji. Na podstawie tej obserwacji można stwierdzić, że obecność atomu bromu znacząco wpływa na reaktywność katecholu w tworzeniu wiązania z cysteiną czyniąc inhibitor mniej efektywnym.

Zakładając wiązanie kowalencyjne tworzone między atomem siarki Cys322 a pozycją 5 układu katecholowego przeprowadzono modelowanie sposobu wiązania wybranych inhibitorów o najwyższym powinowactwie z ureazą ze *S. pasteurii* (wykonane przez prof. dr. hab. inż. Łukasza Berlickiego z Katedry Chemii Bioorganicznej Politechniki Wrocławskiej). Najbardziej aktywny związek P1.11 wiązał się w bardzo korzystnej konformacji tworząc wiele optymalnych oddziaływań z resztami aminokwasowymi miejsca aktywnego enzymu (Rysunek 17A). Dwa z atomów tlenu ugrupowania kwasu fosfonowego były skoordynowane z katalitycznymi jonami niklu, natomiast trzeci tworzył wiązanie wodorowe z NH imidazolu His222. Grupa karboksylowa liganda tworzyła mostek solny z grupą guanidynową Arg339, a także wiązanie wodorowe z NH imidazolu His323. Jedna z grup hydroksylowych katecholu tworzyła wiązanie wodorowe z grupą aminową Lys169. Ten korzystny układ oddziaływań był nieznacznie zaburzony w zwiazku fosfinowym P1.10. Nieobecność jednego fosforylowego atomu tlenu spowodowała brak wiązań wodorowych z His222, lekkie przesunięcie cząsteczki w kierunku Arg339 i utrate kontaktu z His323 (Rysunek 17B). Te straty w energii wiazania były rekompensowane silnymi wiązaniami wodorowymi obu grup karboksylowych z grupą guanidynową Arg339. Na podstawie wyników modelowania molekularnego można stwierdzić, że związki fosforowe zawierające układ katecholu o zaplanowanej strukturze maja możliwość oddziaływania z enzymem zgodnie z założeniami, tj. wykazując podwójny mechanizm inhibicji. Wiązaniu kowalencyjnemu z grupa tiolowa cysteiny towarzyszyła rozbudowana sieć oddziaływań, w tym z katalitycznymi jonami niklu.



Rysunek 17. Modele kompleksów związków P1.11 (A) oraz P1.10 (B) z ureazą ze *S. pasteurii* (na podstawie struktury krystalicznej PDB 5G4H [71]) [87].

Opisane powyżej właściwości hamujące aktywność oczyszczonej ureazy ze *S. pasteurii* znalazły odzwierciedlenie w zdolności fosfonianów i fosfinianów do kontrolowania rozkładu mocznika w żywych komórkach *H. pylori*. Ponownie kwas P1.11 okazał się być najskuteczniejszym inhibitorem, a otrzymana dla niego wartość IC₅₀ wyniosła 0,75 μ M. Związki zawierające funkcję wolnego kwasu karboksylowego wykazywały większą aktywność niż odpowiadające im estry oraz związek P1.16, który nie zawierał grupy karboksylowej. W szczególności strukturalnie wydłużone estry P1.13 oraz P1.8, które są bardziej hydrofobowe niż odpowiednie kwasy, były najmniej skutecznymi inhibitorami ureolizy w całych komórkach – tylko w tych przypadkach wartości IC₅₀ przekraczały 100 μ M.

Trzy najskuteczniejsze inhibitory (P.10, P1.11 oraz P1.16) oceniono pod kątem ich działania cytotoksycznego względem komórek eukariotycznych (testy wykonane komercyjnie w Instytucie Immunologii i Terapii Doświadczalnej PAN we Wrocławiu). W teście antyproliferacyjnym *in vitro* z sulforodaminą B (stosując *cis*-platynę jako kontrolę pozytywną) nie zaobserwowano istotnego wpływu inhibitorów na proces wzrostu mysich fibroblastów zarodkowych (3T3-L1) oraz ludzkich komórek nabłonka nerki (HEK-293) poddanych rosnącym stężeniom inhibitora. Nawet przy najwyższym testowanym stężeniu (100 μM) obserwowane hamowanie wzrostu nie przekroczyło 50%. Zatem badane związki zostały zaklasyfikowane jako nisko toksyczne wobec komórek eukariotycznych *in vitro*.

3.6.2. Fosfonowe pochodne N-podstawionego 1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onu

Mechanizm oddziaływania związków selenowych w centrum aktywnym był szybkowiążący, dlatego nie stosowano protokołu z preinkubacją. Wszystkie zsyntetyzowane 1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-ony z fosforylowanym aromatycznym lub zawierającym pierścień aromatyczny *N*-podstawnikiem

okazały się być nanomolarnymi inhibitorami (zakres K_i od 5,06 nM do 542 nM) (Tabela 6). Najbardziej aktywnymi związkami w tej grupie były fosfoniany dietylowe P2.3.3 oraz P2.7.4, dla których wartość K_i wynosiła poniżej 10 nM. Zaskakująco zaobserwowano, że estry fosfonowe wiążą się z enzymem silniej niż odpowiadające im kwasy. Jedynym wyjątkiem była para związków P2.2.2 i P2.2.3, aczkolwiek różnica pomiędzy otrzymanymi dla nich wartościami K_i jest minimalna. Przy założeniu kowalencyjnego mechanizmu wiązania z Cys322, wyniki te świadczą raczej o wysokiej komplementarności struktur do białka, niż o wiązaniu jonów niklu przez grupę fosfonową (w takim przypadku aktywność kwasów powinna być dominująca). Potwierdziła to także obserwacja, zgodnie z którą wydłużenie *N*-podstawnika wiązało się polepszeniem właściwości hamujących, a przyczyną tego mógł być wzrost hydrofobowej powierzchni kontaktu z białkiem. Dla inhibitorów typowo oddziałujących z ograniczonym przestrzennie miejscem katalitycznym ureazy rozbudowa strukturalna nie była korzystna, co stwierdzono dla związków katecholowych.

Tabela 6. Aktywność inhibitorowa fosfonowych pochodnych *N*-podstawionego 1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-onu wobec ureazy ze *S. pasteurii* oraz ureolizy komórek *H. pylori* [88].

| | | ~ | <i>°</i> | | Ureoliza komórek bakterii <i>H. pylori</i> IC ₅₀ [nM] | |
|------------------|---|---|------------|---|--|--------------------------------|
| | | | N-Vn Se | Natywny enzym bakterii <i>S. pasteurii</i> <i>K</i> _i [nM] | | |
| | n | m | | x | | |
| P2.1.2 P2.1.3 | 0 | 0 | meta | P(O)(OEt) ₂ PO ₂ H ₂ | 286 ± 34 413 + 30 | 40,4 ± 0,62 314 + 17 |
| P2.2.2 P2.2.3 | 0 | 0 | para | P(O)(OEt) ₂ PO ₂ H ₂ | 453 ± 15 424 ± 8.4 | 29,5 ± 0,34 358 ± 21 |
| P2.3.3 P2.3.4 | 0 | 1 | meta | P(O)(OEt) ₂ PO ₃ H ₂ | 7,77 ± 2,8 436 ± 41 | 58,9 ± 0,34 187 ± 12 |
| P2.4.3 P2.4.4 | 0 | 1 | para | P(O)(OEt) ₂ PO ₃ H ₂ | 105 ± 8,5 415 ± 3,9 | 54,3 ± 0,14 542 ± 12 |
| P2.5.3 | 0 | 2 | meta | P(O)(OEt) ₂ | $26,4 \pm 4,6$ | 126 ± 2,7 |
| P2.6.3 | 0 | 2 | para | P(O)(OEt) ₂ | $68,0 \pm 2,1$ | 33,5 ± 1,5 |
| P2.7.4 | 1 | 1 | meta | P(O)(OEt) ₂ | 5,06 ± 0,42 | 33,0 ± 1,5 |
| P2.8.4 | 1 | 1 | para | P(O)(OEt) ₂ | 18,6 ± 0,41 | 32,2 ± 3,0 |
Porównując dane dla regioizomerów zauważono, iż dla pochodnych *meta* powinowactwo do enzymu było istotnie lepsze niż dla izomerów *para*. Największą różnicę pomiędzy wartościami stałych inhibicji zaobserwowano dla estrów P2.3.3 i P2.4.3 – zmiana podstawienia dietylofosfonianu z pozycji *para* w *meta* spowodowała 13,5-krotny spadek stałej inhibicji. Analizując wartości K_i dla par związków P2.5.3 i P2.7.4 oraz P2.6.3 i P2.8.4 (będących względem siebie izomerami konstytucyjnymi), stwierdzono natomiast, że wprowadzenie grupy metylenowej pomiędzy atom azotu a pierścień aromatycznym korzystnie wpłynęło na inhibicję. Wyjaśnieniem (oprócz uprzywilejowanego ułożenia przestrzennego) może być wpływ zmiany strukturalnej na reaktywność samego inhibitora w tworzeniu wiązania Se-S, warunkowanej innym charakterem *N*-podstawnika: fenylowy/benzylowy.

W przypadku zdolności do kontrolowania rozkładu mocznika w żywych komórkach *H. pylori* analizowane związki wykazały znakomite właściwości hamujące, choć zależność struktura-aktywność nieco różniła się od wyników dla ureazy oczyszczonej ze *S. pasteurii*. Najskuteczniejszym inhibitorem okazał się być związek P2.2.2, dla którego wartość IC₅₀ wynosi 29,5 nM – był to najbardziej znaczący wynik uzyskany w badaniach objętych zakresem mojej pracy. Związki P2.6.3, P2.7.4 oraz P2.8.4 posiadały porównywalną siłę hamowania ureolizy *H. pylori*. Estry fosfonowe potwierdziły zdecydowanie silniejsze hamowanie enzymu niż odpowiadające im kwasy. Różnice w aktywności regioizomerów są mniej widoczne: największe 3,8-krotne pogorszenie IC₅₀ zaobserwowano przy zmianie podstawienia ugrupowania dietylofosfonianu z pozycji *meta* w *para* dla estrów P2.5.3 i P2.6.3.

Estry i kwasy fosfonowe podstawione terminalnie w *N*-alifatycznej reszcie 1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-onu okazały się również bardzo dobrymi, nanomolarnymi inhibitorami ureazy ze *S. pasteurii* (Tabela 7). Ponownie ugrupowanie estrowe przyczyniło się do zdecydowanie silniejszego hamowania aktywności enzymu, a najlepszy wynik uzyskano dla fosfonianu dietylowego

P2.12.3, dla którego wartość K_i wyniosła 12,8 nM. Nie zaobserwowano ścisłej zależności aktywności inhibitora od długości fragmentu alifatycznego. Nieco zaskakująco związkiem o największym powinowactwie do białka okazał się fosforamid P2.13 ($K_i = 7,92$ nM).

Inne zastosowane modyfikacje strukturalne nie przyniosły polepszenia siły hamowania enzymu. Aktywność biologiczna monoestrów okazała się być zdecydowania słabsza, nawet w porównaniu do analogicznych kwasów. Natomiast pochodne ftalimidu były nieaktywne w badanym zakresie stężeń, co dowodzi, iż obecność reaktywnego układu selenazolonu jest kluczowa i warunkuje mechanizm inhibicji.

Tabela7.Aktywność inhibitorowa fosfonowych pochodnych1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onuorazftalimiduN-podstawionychfragmentem fosfonoalkilowym wobec ureazy zeS. pasteuriiorazureolizykomórek H. pylori[88].

| | X V V V | | | Natywny enzym bakterii <i>S. pasteurii</i> <i>K</i> _i [nM] | Ureoliza komórek bakterii <i>H. pylori</i> IC ₅₀ [nM] |
|--|------------------|-----------------------|--|---|---|
| | L | n | x | | |
| P2.9.3 P2.9.4 P2.9.5 P2.10.3 P2.10.4 P2.11.3 P2.11.4 P2.12.3 P2.12.4 P2.12.5 P2.13 | Se | 2 3 4 5 0 | $\begin{array}{c} P(O)(OEt)_2\\ PO_3H_2\\ P(O)(OH)(OEt)\\ P(O)(OEt)_2\\ PO_3H_2\\ P(O)(OEt)_2\\ PO_3H_2\\ P(O)(OEt)_2\\ PO_3H_2\\ P(O)(OEt)_2\\ PO_3H_2\\ P(O)(OH)(OEt)\\ P(O)(OEt)_2 \end{array}$ | $25,7 \pm 0,20$ $415 \pm 6,2$ 2410 ± 40 $71,6 \pm 4,0$ $288 \pm 7,0$ $35,8 \pm 0,40$ $426 \pm 7,9$ $12,8 \pm 0,10$ $108 \pm 2,2$ 670 ± 10 $7,92 \pm 0,21$ | $\begin{array}{c} \textbf{130 \pm 3,9} \\ 1603 \pm 18 \\ 4330 \pm 190 \\ 189 \pm 3,8 \\ 874 \pm 9,6 \\ 265 \pm 7,1 \\ 2106 \pm 11 \\ 299 \pm 8,8 \\ 867 \pm 12 \\ 4030 \pm 150 \\ 263 \pm 16 \end{array}$ |
| P2.9.2 P2.9.6 P2.12.2 P2.12.6 | C=O | 2 5 | P(O)(OEt) ₂ PO ₃ H ₂ P(O)(OEt) ₂ PO ₃ H ₂ | > 500 · 10 ³ > 500 · 10 ³ > 50 · 10 ³ > 50 · 10 ³ | > $50 \cdot 10^3$ > $50 \cdot 10^3$ > $50 \cdot 10^3$ > $50 \cdot 10^3$ > $50 \cdot 10^3$ |

W przypadku hamowania aktywności żywych komórek *H. pylori* najskuteczniejszym inhibitorem w tej grupie związków okazał się być ester

P2.9.3, dla którego wartość IC_{50} wyniosła 130 nM. Zaobserwowano, że stałe inhibicji estrów fosfonowych rosły wraz ze wzrostem długości łącznika. Kwasy fosfonowe, monoestry fosfonowe oraz pochodne ftalimidu wykazały zdecydowanie słabszą siłę hamowania ureolizy.

Po porównaniu wartości aktywności biologicznej uzyskanych dla wszystkich fosfonowych pochodnych *N*-podstawionego 1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-onu zaobserwowano, że określone związki posiadały interesującą selektywność. Niektóre były bardzo dobrymi inhibitorami ureazy ze *S. pasteurii*, a słabszymi wobec ureolizy *H. pylori* (np. P2.12.3 czy P2.13), a niektóre przeciwnie (np. P2.2.2). Oczywiście, trudno porównywać układ pomiarowy zawierający czyste białko z testami na liniach komórkowych, ale perspektywicznie intersujące byłoby określenie, czy różnice dotyczą sposobu wiązania w centrach aktywnych obu enzymów, czy innych kwestii np. transportu związków przez ściany komórkowe.

Wybrane inhibitory o wysokiej aktywności (P2.1.2, P2.2.2, P2.3.2, P2.4.2, P2.4.3, P2.9.3 oraz P2.12.3) oceniono pod kątem ich wpływu cytotoksycznego na komórki eukariotyczne (podobnie jak opisano powyżej, Tabela 8).

| Tabela | 8. | Aktywność | antyp | roliferacyjna | wybranych | fosfoi | aowych |
|-------------------------------------|-----|------------|-------|---------------|----------------|--------|--------|
| pochodny | ych | N-podstawi | onego | 1,2-benzizose | elenazol-3(2H) |)-onu | wobec |
| eukartiotycznych linii komórkowych. | | | | | | | |

| | Linia komórkowa 3T3-L1 <i>IC₅₀</i> [µM] | Linia komórkowa HEK293 <i>IC₅₀</i> [µM] |
|--|--|--|
| <i>cis-</i> platyna | 3,30 | 0,142 |
| P2.1.2 P2.2.2 P2.3.2 P2.4.2 P2.4.3 | 76,0 43,7 44,8 64,6 48,4 | 62,5 63,0 42,4 61,8 |
| P2.9.3 P2.12.3 | 65,6 - | 72,5 39,8 |

Wszystkie związki wykazały umiarkowaną lub niską aktywność antyproliferacyjną (IC₅₀ powyżej 40 μ M). Są mniej toksyczne od *cis*-platyny, posiadają jednak odmienny mechanizm działania – zaburzają status redoks komórki. Związek P2.12.3 nie wpływa na proces wzrostu mysich fibroblastów zarodkowych, natomiast związek P2.1.2 na linię ludzkich embrionalnych komórek nerkowych.

3.6.3. Halogenowe pochodne N-benzylo-1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onu

Halogenowe pochodne N-benzylo-1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onu również okazały się nanomolarnymi, a nawet subnanomolarnymi inhibitorami ureazy ze S. pasteurii (Tabela 9). Najlepszy wynik w niniejszej pracy uzyskano dla selenazolonu P3.2, dla którego wartość Ki wyniosła 0,594 nM. Pochodne posiadające jeden lub dwa atomy halogenowca w swojej strukturze wykazały najwyższą aktywność (K_i poniżej 54,3 nM), natomiast wprowadzenie kolejnego atomu lub obecność grupy trifluorometylowej znacznie osłabiało właściwości inhibitora (K_i powyżej 210 nM). Wyniki hamowania ureolizy wykazywanej przez żywe komórki H. pylori były znacznie mniej zróżnicowane. Wszystkie wartości IC₅₀ zawierały się w stosunkowo waskim zakresie 93,5-345 nM. Co zaskakujące, najlepszy inhibitor ureazy ze S. pasteurii (P3.2) okazał się najsłabszym biorąc pod uwagę hamowanie ureolizy H. pylori, natomiast związek P3.18 wykazał przeciwna zależność. To kolejne potwierdzenie faktu, że subtelne różnice w strukturze liganda oraz enzymu (mimo znacznych podobieństw w budowie centrum aktywnego ureaz bakteryjnych [90]) mogą skutkować specyficznością wiazania. Ponadto dane uzyskane na modelowych białkach niekoniecznie korespondują z badaniami bardziej złożonych układów.

Tabela9. Aktywność inhibitorowa halogenowych pochodnychN-podstawionego1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onu wobec ureazyzeS. pasteurii oraz ureolizy komórek H. pylori [88].

| | 0 | | | |
|-------|---------------------------------------|---|--|--|
| | N Se R | Natywny enzym bakterii <i>S. pasteurii</i> <i>K</i> _i [nM] | Ureoliza komórek bakterii <i>H. pylori</i> IC ₅₀ [nM] | |
| | R | | | |
| P3.1 | Ph | 2,58 ± 0,18 | 151 ± 5,7 | |
| P3.2 | 2,4-diCIPh | 0,594 ± 0,032 | 345 ± 16 | |
| P3.3 | 2,5-diCIPh | 9,04 ± 0,22 | 341 ± 23 | |
| P3.4 | 3,4-diCIPh | 15,9 ± 0,65 | 315 ± 4,7 | |
| P3.5 | 2-FPh | 3,61 ± 0,28 | 171 ± 5,4 | |
| P3.6 | 3-FPh | $12,2 \pm 0,40$ | 154 ± 8,4 | |
| P3.7 | 4-FPh | 25,4 ± 2,8 | 193 ± 8,1 | |
| P3.8 | 2,4-diFPh | 2,52 ± 0,19 | 287 ± 18 | |
| P3.9 | 2,6-diFPh | 1,16 ± 0,14 | 218 ± 14 | |
| P3.10 | 3,4-diFPh | $3,35 \pm 0,65$ | 110 ± 4,5 | |
| P3.11 | 3,5-diFPh | 1,30 ± 0,027 | 122 ± 4,1 | |
| P3.12 | 2,3,4-triFPh | 294 ± 26 | 179 ± 3,3 | |
| P3.13 | 3-CF₃Ph | 250 ± 24 | 112 ± 2,4 | |
| P3.14 | 4-CF₃Ph | 210 ± 19 | 170 ± 1,6 | |
| P3.15 | 3,5-diCF ₃ Ph | 332 ± 29 | 208 ± 4,5 | |
| P3.16 | 2-CI-5-FPh | 54,3 ± 1,5 | 96,4 ± 1,8 | |
| P3.17 | 4-CI-3-CF ₃ Ph | 1856 ± 37 | 153 ± 5,4 | |
| P3.18 | 3-F-4-CF ₃ Ph | 1590 ± 190 | 93,5 ± 5,3 | |
| P3.19 | ^I 4-F-3-CF ₃ Ph | 299 ± 8,8 | 107 ± 1,9 | |

3.7. Podsumowanie

W swojej pracy doktorskiej zaplanowałam i zsyntetyzowałam 55 docelowych związków fosforoorganicznych i/lub selenoorganicznych, a poprawność ich struktury oraz homogeniczność potwierdziłam technikami spektroskopowymi. Wszystkie związki zostały poddane testom aktywności biologicznej wobec oczyszczonej natywnej ureazy z bakterii S. pasteurii oraz ureolizy wykazywanej przez komórki patogennej bakterii H. pylori. Pochodne katecholu okazały sie być mikromolarnymi, natomiast pochodne 1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onu nanomolarymi inhibitorami modelowej ureazy. Co istotne, w każdej grupie związków zidentyfikowano związki niezwykle aktywne antyureolityczne w badaniach in vitro względem patogennej bakterii (Rysunek 18). Takie związki, ograniczające działanie czynników etiologicznych mikroorganizmów chorobotwórczych i osłabiające wirulencję, to niezwykle cenne substancje, które mogą zostać skojarzone z klasycznymi antybiotykami w terapiach kombinowanych.

Fosforowe związki katecholowe otrzymane w niniejszej pracy okazały się mniej aktywnymi inhibitorami ureazy niż związki selenoorganiczne, pomimo tego że z dużym prawdopodobieństwem w bardziej ścisły sposób wypełniły początkowe założenia, tj. oddziaływały w zaplanowany hybrydowy sposób z enzymem łącząc dwa odrębne mechanizmy wiązania. Oczywistym powodem zaobserwowanych różnic może być mniejsza reaktywność chemiczna katecholu względem tioli w porównaniu do pierścienia izoselenazolonu, czy też mniejsza komplementarność oddziaływań po związaniu z enzymem. Nieoczekiwanie wysoki potencjał hamowania ureolizy *H. pylori* przez 1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-onu pokazał atrakcyjność i przewrotność prowadzenia badań naukowych, które przyniosły bardzo dobre wyniki pomimo niespełnienia racjonalnych przesłanek planowania. Wyniki takie można próbować racjonalizować w celu uzyskania wskazówek do ewentualnych dalszych etapów optymalizacji struktur aktywnych.



Rysunek 18. Wybrane struktury o najwyższej aktywności wobec ureazy ze *S. pasteurii* oraz ureolizy komórek *H. pylori*.

Porównując otrzymane wyniki dla *N*-podstawionych pochodnych 1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-onu z aktywnością najbardziej poznanej analogicznej struktury (ebselen, *N*-fenylo-1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-on) zaobserwowałam, że niektóre z opracowanych modyfikacji spowodowały znaczący wzrost parametrów kinetycznych charakteryzujących oddziaływanie inhibitora z enzymem. Przykładowo, halogenopochodne P3.2, P3.9 oraz P3.11

wykazały niższe wartości stałej inhibicji enzymu ze *S. pasteurii* niż ebselen. Zysk był niewielki (2-4-krotny), ale należy pamiętać, że wynik uzyskany dla ebselenu jest wyjątkowo niski ($K_i = 2,11 \text{ nM}$) [41], pomimo tego udało się go polepszyć. Natomiast cały szereg benzizoselenazolonów znacznie efektywniej hamował ureolizę w komórkach *H. pylori* niż ebselen (IC₅₀ = 769 nM) [41]. Były to halogenopochodne, z których najciekawsze wyniki uzyskały pochodne P3.16 oraz P3.18 (około 8-krotnie wyższa aktywność). Przede wszystkim jednak modyfikowane związki fosforoorganiczne przyniosły największy wzrost właściwości antyureolitycznych. Fosfoniany dietylowe P2.2.2, P2.6.3, P2.7.4 czy P2.8.4 wykazały około 25-krotnie niższe stężenie hamujące 50% rozkładu ureazy przez badaną linię bakterii patogennej niż ebselen.

Obserwowane polepszenie parametrów inhibicji świadczy o korzystnym wpływie zastosowanych atomów/grup funkcyjnych, które mogą tworzyć dodatkowe oddziaływanie inhibitora z centrum aktywnym enzymu. Uzyskanie informacji na temat ewentualnego mechanizmu tego wiązania metodami modelowania molekularnego czy rentgenografii strukturalnej jest oczywistą kontynuacją badań, planowaną poza ramami niniejszej pracy. Obecnie we współpracy z prof. Stefano Ciurlim z Uniwersytetu Bolońskiego, ekspertem w badaniach strukturalnych ureazy, trwają prace nad uzyskaniem kompleksów ligand-białko, które naświetliłyby poruszoną kwestię.

4. CZĘŚĆ EKSPERYMENTALNA

4.1. Specyfikacja aparatury oraz odczynników

Wszystkie stosowane odczynniki i rozpuszczalniki zakupiono w jakości analitycznej od komercyjnych dostawców (Merck – Sigma-Aldrich, Avantor Performance Materials Poland, Chemland i Stanlab). Bezwodny dichlorometan przygotowywano destylując znad P₂O₅ bezpośrednio przed użyciem, natomiast bezwodną trietyloaminę destylowano i przechowywano nad wyprażonymi sitami molekularnymi o porowatości 3 Å.

Reakcje monitorowano za pomocą chromatografii cienkowarstwowej, na płytkach z żelem krzemionkowym o porowatości 60 Å 0,25 mm z markerem fluorescencyjnym F_{254} firmy Merck.

Oczyszczanie związków prowadzono metoda rekrystalizacji lub chromatografii kolumnowej stosując żel krzemionkowy o porowatości 60 Å firmy Sigma-Aldrich. Chromatografie *flash* przeprowadzono z użyciem aparatu Teledyne ISCO CombiFlash[®] Rf+ Lumen[™] z zastosowaniem kolumn chromatograficznych High Performance GOLD Silica oraz C18 firmy Teledyne ISCO. Wysokosprawną chromatografie cieczową przeprowadzono z użyciem aparatu Shimadzu stosując kolumne ReproSil-Pur Basic-C18 firmy Dr. Maisch.

Widma ¹H, ¹³C, ¹⁹F, ³¹P i ⁷⁷Se NMR rejestrowano w rozpuszczalnikach deuterowanych przy częstotliwościach odpowiednio: 400 lub 600 MHz, 100 lub 151 MHz, 376 MHz, 162 MHz i 76 MHz na spektrometrach firmy JEOL. Przesunięcia chemiczne sygnałów na widmach ¹H i ¹³C NMR odniesiono

do wartości danych literaturowych dla rozpuszczalnika, natomiast widma ¹⁹F, ³¹P i ⁷⁷Se NMR wykonano stosując zewnętrzny standard.

Widma masowe o wysokiej rozdzielczości (HRMS) zarejestrowano na spektrometrze Waters LCT Premier XE, stosując jonizację typu elektrosprej (ESI).

Reakcje indukowane mikrofalami przeprowadzono z użyciem aparatu Initiator+ SP Wave Biotage. Temperatury topnienia zmierzono na aparacie DigiMelt firmy SRS stosując przyrost temperatury 2°C/min.

Wszystkie zsyntetyzowane związki końcowe dały poprawne widma NMR i HRMS, a ich czystość wynosiła powyżej 95%.

4.2. Przepisy preparatywne

4.2.1. Kwasy fosfonowe i fosfinowe zawierające fragment katecholu

2-(3,4-Dimetoksyfenylo)octan metylu (P1.1). Do ochłodzonego w łaźni lodowej roztworu kwasu 3,4-dimetoksyfenylooctowego (0,15 mol, 30,0 g) w metanolu (40 ml) wkroplono chlorek tionylu (0,23 mol, 27,3 g) w temperaturze 0°C. Po 30 minutach mieszania, roztwór pozostawiono do ogrzania do temperatury pokojowej, a następnie odparowano lotne substancje pod zmniejszonym ciśnieniem. Pozostałość rozpuszczono w octanie etylu (250 ml), przemyto 5% wodnym roztworem NaHCO₃ (100 ml) i solanką (100 ml) oraz wysuszono nad bezwodnym siarczanem sodu. Po odparowaniu rozpuszczalnika pod zmniejszonym ciśnieniem otrzymano 31,7 g (99%) oleistego produktu o lekko żółtej barwie. ¹H NMR (400 MHz, CDCl₃) δ 6,81 (s, 3H), 3,87 (s, 3H), 3,86 (s, 3H), 3,69 (s, 3H), 3,56 (s, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, CDCl₃) δ 172,42, 149,04, 148,28, 126,54, 121,51, 112,48, 111,31, 56,00, 55,96, 52,16, 40,83. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₁H₁₄O₄+H⁺ 211,0970, znaleziono 211,0972.

2-(3,4-Dimetoksyfenylo)akrylan metylu (P1.2). Związek P1.1 (0,071 mol, 15,0 g) rozpuszczony w DMF (20 ml), paraformaldehyd (0,10 mol, 3,0 g), bromek tetra-n-butyloamoniowy (0,90 g) i bezwodny węglan potasu (0,071 mol, 9,9 g) ogrzewano w syntezatorze mikrofalowym w temperaturze 55°C przez 2 h. Następnie roztwór ochłodzono do temperatury pokojowej, dodano wodę destylowaną (50 ml) i ekstrahowano produkt porcjami octanu etylu $(3 \times 100 \text{ ml})$. Faze organiczna przemyto solanka (10 ml) oraz wysuszono nad bezwodnym siarczanem sodu. Po odparowaniu rozpuszczalnika pod zmniejszonym ciśnieniem żółtą oleistą pozostałość oczyszczono metodą chromatografii *flash*, stosując gradient heksan/octan etylu, $50/50 \rightarrow 0/100 v/v$. Otrzymano 9,0 g (57%) oleistego produktu o słomkowej barwie. ¹H NMR (400 MHz, CDCl₃) δ 7,03 – 6,95 (m, 2H), 6,85 (d, J = 8,1 Hz, 1H), 6,28 (d, J = 1,2 Hz, 1H), 5,86 (d, J = 1,2 Hz, 1H), 3,89 (s, 6H), 3,83 (s, 3H). ¹³C NMR (101 MHz, CDCl₃) δ 167,63, 149,32, 148,56, 140,89, 129,55, 125,82, 121,03, 111,69, 110,86, 56,04, 52,35. HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₁₂H₁₄O₄+H⁺ 223,0970, znaleziono 223,0974.

Kwas 2-(3,4-dimetoksyfenylo)-3-metoksy-3-oksopropylo-*H*-fosfinowy (P1.3). Do ochłodzonej w łaźni lodowej zawiesiny soli amonowej kwasu podfosforawego (0,024 mol, 2,0 g) w bezwodnym dichlorometanie (10 ml), wkroplono *N,O*-bis(trimetylosililo)acetamid (0,061 mol, 12,4 g). Po jednej godzinie mieszania dodano związek P1.2 (0,020 mol, 4,5 g) rozpuszczony w bezwodnym dichlorometanie (5 ml). Zanik akrylanu śledzono metodą chromatografii cienkowarstwowej. Gdy reakcja dobiegła końca, dodano metanol (10 ml) i mieszaninę reakcyjną mieszano przez noc. Po odparowaniu lotnych składników pod zmniejszonym ciśnieniem, pozostałość rozpuszczono w octanie etylu (50 ml), przemyto 5% wodnym roztworem NaHSO₄ (20 ml) i solanką (20 ml) oraz wysuszono nad bezwodnym siarczanem sodu. Po odparowaniu rozpuszczalnika pod zmniejszonym ciśnieniem oleistą brązową

mieszaninę oczyszczono metodą chromatografii *flash*, stosując gradient octan etylu/metanol, $100/0 \rightarrow 10/90 \ v/v$. Otrzymano 2,9 g (50%) białych kryształów. Temperatura topnienia 106-110°C. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 6,93 – 6,84 (m, 3H), 6,85 (d, J = 506,6 Hz, 1H), 3,93 (ddd, J = 9,0, 8,9, 6,3 Hz, 1H), 3,83 (s, 3H), 3,81 (s, 3H), 3,64 (s, 3H), 2,30 (dddd, J = 15,1, 15,0, 9,0, 2,4, 1H), 1,88 (dddd, J = 15,0, 14,8, 6,3, 1,8 Hz, 1H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 175,74 (d, J = 7,8 Hz), 150,53, 149,84, 133,50 (d, J = 10,6 Hz), 121,23, 113,05, 112,67, 56,46, 56,41, 52,61, 46,77, 37,38 (d, J = 89,6 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 23,06. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₂H₁₇O₆P-H⁺ 287,0684, znaleziono 287,0672.

Kwas bis[2-(3,4-dimetoksyfenylo)-3-metoksy-3-oksopropylo]fosfinowy (P1.4) został wyizolowany podczas chromatograficznego oczyszczania związku P1.3. Otrzymano 0,45 g (9%) oleistego produktu ubocznego o słomkowej barwie. ¹H NMR (400 MHz, CDCl₃) δ 6,85 – 6,72 (m, 6H), 3,98 – 3,90 (m, 2H), 3,85 (s, 6H), 3,82 (s, 6H), 3,64 (s, 6H), 2,61 – 2,47 (m, 2H), 2,05 – 1,89 (m, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, CDCl₃) δ 173,95 (d, J = 8,6 Hz), 149,27, 148,77, 131,18 (d, J = 9,6 Hz), 120,12, 111,65, 111,07, 55,09, 51,56, 44,78, 33,23 (d, J = 91,1 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CDCl₃) δ 55,49 (br). HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₂₄H₃₁O₁₀P+H⁺ 511,1733, znaleziono 511,1722.

Kwas 2-(3,4-dimetoksyfenylo)-3-metoksy-3-oksopropylo-*P*-(3-metoksy-3-oksopropylo)fosfinowy (P1.5). Do ochłodzonego w łaźni lodowej roztworu związku P1.3 (4,2 mmol, 1,2 g) w bezwodnym dichlorometanie (10 ml) dodano w atmosferze argonu kolejno bezwodną trietyloaminę (0,015 mol, 1,5 g) oraz TMSCl (0,012 mol, 1,3 g). Roztwór mieszano w temperaturze 0°C przez 1 h, a następnie dodano akrylan metylu (4,2 mmol, 0,36 g) rozpuszczony w bezwodnym dichlorometanie (1 ml). Mieszanie kontynuowano przez noc w temperaturze pokojowej, a następnego dnia dodano metanol (10 ml)

i mieszano kolejną dobę. Po odparowaniu lotnych akładników pod zmniejszonym ciśnieniem pozostałość rozpuszczono w octan etylu (50 ml) i przemyto 1,0 M roztworem kwasu solnego (3×20 ml) i solanka, wysuszono nad bezwodnym siarczanem sodu. Po odparowaniu rozpuszczalnika pod zmniejszonym ciśnieniem oleistą brązową oleistą mieszaninę oczyszczono metoda chromatografii *flash*, stosując gradient octan etylu/metanol, $100/0 \rightarrow 10/90 v/v$. Otrzymano 1,0 g (64%) oleistego produktu o lekko brazowej barwie. ¹H NMR (400 MHz, (CD₃)₂SO) δ 6,89 (d, J = 8,2 Hz, 1H), 6,88 (d, J = 2,2 Hz, 1H), 6,81 (dd, J = 8,2, 2,2 Hz, 1H), 3,85 (ddd, J = 10,6, 9,4, 5,4 Hz, 1H), 3,74 (s, 3H), 3,72 (s, 3H), 3,57 (s, 3H), 3,56 (s, 3H), 2,48 – 2,27 (m, 3H), 2,00 (ddd, J = 15.3, 12.5, 5.4 Hz, 1H), 1,76 – 1,60 (m, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, $(CD_3)_2SO$ δ 173,34 (d, J = 7,2 Hz), 172,66 (d, J = 16,3 Hz), 148,82, 148,26, 131,39 (d, J = 10,4 Hz), 119,82, 111,95, 111,38, 55,58, 52,08, 51,66, 44,44, 32,73 (d, J = 89.6 Hz), 26,40 (d, J = 2.7 Hz), 24,77 (d, J = 92.1 Hz). ³¹**P** NMR (162 MHz, (CD₃)₂SO) δ 45,54. HRMS (ESI) *m/z* obliczono dla C₁₆H₂₃O₈P+H⁺ 375,1209, znaleziono 375,1216.

Kwas 2-(3,4-dimetoksyfenylo)-3-metoksy-3-oksopropylofosfonowy (P1.6). Związek P1.3 (4,2 mmol, 1,2 g), DMSO (8,3 mmol, 0,65 ml) i I₂ (30 mg) ogrzewano pod chłodnica zwrotną w temperaturze wrzenia w THF (10 ml) przez 5 ochłodzono do h. Nastepnie roztwór temperatury pokojowej i odparowano lotne substancje pod zmniejszonym ciśnieniem. Brązową oleistą mieszaninę oczyszczono metodą chromatografii *flash*, stosując gradient octan etylu/metanol, $100/0 \rightarrow 10/90 v/v$. Otrzymano 0,9 g (71%) oleistego produktu o lekko brązowej barwie. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 6,92 – 6,85 (m, 3H), $3,92 \pmod{J} = 12,2, 10,2, 4,2 \text{ Hz}, 1\text{H}, 3,82 (s, 3\text{H}), 3,80 (s, 3\text{H}), 3,66 (s, 3\text{$ 2,68 (ddd, J = 17,3, 15,0, 10,2 Hz, 1H), 2,00 (ddd, J = 18,6, 15,0, 4,2 Hz, 1H).¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 176,47 (d, J = 3,6 Hz), 150,35, 149,59, 134,89 (d, J = 14,2 Hz), 120,99, 112,99, 112,53, 56,48, 56,39, 52,55, 48,04

(d, J = 2,0 Hz), 34,31 (d, J = 132,5 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 25,73. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₂H₁₇O₇P+H⁺ 305,0790, znaleziono 305,0799.

Demetylowanie eterów i estrów z zastosowaniem BBr₃ (procedura A). Do lodowatego roztworu kwasu fosfonowego lub fosfinowego (1 eq.) w CH₂Cl₂ (10 ml) wkroplono 1,0 M roztwór BBr₃ w CH₂Cl₂ (12 eq.) i mieszano w temperaturze pokojowej przez 48 h w atmosferze argonu. Następnie dodano wodę destylowaną (50 ml) i kontynuowano mieszanie przez 2 h. Po odparowaniu lotnych substancji pod zmniejszonym ciśnieniem, oleistą pozostałość oczyszczono metodą chromatografii HPLC na odwróconej fazie, stosując gradient acetonitryl/woda, 10/90 \rightarrow 90/10 v/v + 0,05% TFA, 45 min.

Demetylowanie eterów i estrów z zastosowaniem mieszaniny kwasów, stężonego solnego i lodowatego octowego (1:1 v/v) (procedura B). Ester (1,0 mmol) rozpuszczony w kwasie octowym (1 ml) i stężony kwas solny (1 ml) ogrzewano w syntezatorze mikrofalowym w 140°C przez 20 min. Po ochłodzeniu roztworu do temperatury pokojowej odparowano lotne substancje pod zmniejszonym ciśnieniem, a oleistą pozostałość oczyszczono metodą chromatografii HPLC na odwróconej fazie, stosując gradient acetonitryl/woda, 10/90 \rightarrow 90/10 v/v + 0,05% TFA, 45 min.

Kwas bis[2-karboksy-2-(3,4-dihydroksyfenylo)etylo]fosfinowy (P1.7) został otrzymany z substratu P1.4 (0,20 mmol, 0,10 g) zgodnie z procedurą A. Otrzymano 0,035 g (42%) oleistego produktu o słomkowej barwie. ¹H NMR (400 MHz, D₂O) δ 6,80 i 6,74 (d każdy, J = 8,2 Hz, 2H), 6,75 i 6,70 (d każdy, J = 2,2 Hz, 2H), 6,65 i 6,60 (dd każdy, J = 8,2, 2,2 Hz, 1H), 3,68 – 3,56 (m, 2H), 2,33 – 2,12 (m, 2H), 2,00 – 1,79 (m, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, D₂O) δ 176,81 i 176,74 (d każdy, $J_I = 11,7$ Hz, $J_2 = 13,3$ Hz), 144,38 i 144,30, 143,93 i 143,83, 130,20 i 130,10 (d każdy, $J_I = 6,5$ Hz, $J_2 = 8,1$ Hz), 120,35

i 120,21, 116,50 i 116,43, 115,44 i 115,29, 44,43 i 44,38, 32,39 i 31,62 (d każdy, $J_1 = 91,2$ Hz, $J_2 = 91,4$ Hz). ³¹P NMR (162 MHz, D₂O) δ 52,66, 52,55. HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₁₈H₁₉O₁₀P+H⁺ 427,0794, znaleziono 427,0793.

Kwas bis[2-(3,4-dihydroksyfenylo)-3-metoksy-3-oksopropylo]fosfinowy (P1.8) został wyizolowany podczas chromatograficznego oczyszczania związku P1.7. Otrzymano 0,040 g (46%) oleistego produktu ubocznego o lekko brązowej barwie. ¹H NMR (400 MHz, D₂O) δ 6,79 i 6,73 (d każdy, J = 8,2 Hz, 2H), 6,74 i 6,70 (d każdy, J = 2,2 Hz, 2H), 6,61 i 6,56 (dd każdy, J = 8,2, 2,2 Hz, 2H), 3,69 – 3,59 (m, 2H), 3,57 (s, 6H), 2,32 – 2,15 (m, 2H), 2,02 – 1,80 (m, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, D₂O) δ 175,48 i 175,43 (d każdy, $J_I = 11,6$ Hz, $J_2 = 13,1$ Hz), 144,37 i 144,29, 143,96 i 143,86, 129,84 i 129,76 (d każdy, $J_I = 7,0$ Hz, $J_2 = 8,1$ Hz), 120,25 i 120,12, 116,42 i 116,38, 115,38 i 115,28, 52,94 i 52,92, 44,32 i 44,28, 32,27 i 31,65 (d każdy, $J_I = 91,3$ Hz, $J_2 = 91,0$ Hz). ³¹P NMR (162 MHz, D₂O) δ 52,08, 51,97. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₉H₂₁O₁₀P+H⁺ 441,0951, znaleziono 441,0996.

Kwas 2-karboksy-2-(3,4-dihydroksyfenylo)etylo-*H*-fosfinowy (P1.9) został otrzymany z substratu P1.3 (1,4 mmol, 0,40 g) zgodnie z procedurą B. Otrzymano 0,15 g (44%) oleistego produktu o lekko brązowej barwie. ¹H NMR (400 MHz, D₂O) δ 6,87 (d, J = 8,2 Hz, 1H), 6,87 (d, J = 2,2 Hz, 1H), 6,84 (ddd, J = 551,5, 2,8, 1,5 Hz, 1H), 6,78 (dd, J = 8,2, 2,2 Hz, 1H), 3,87 (ddd, J = 10,1, 7,8, 7,7 Hz, 1H), 2,42 (dddd, J = 16,5, 15,4, 7,6, 2,8 Hz, 1H), 2,18 (dddd, J = 15,4, 14,4, 7,8, 1,5 Hz, 1H). ¹³C NMR (101 MHz, D₂O) δ 176,95 (d, J = 10,8 Hz), 144,31, 143,73, 130,37 (d, J = 9,5 Hz), 120,31, 116,48, 115,48, 44,34, 32,87 (d, J = 91,8 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, D₂O) δ 31,84. HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₉H₁₁O₆P+Na⁺ 269,0191, znaleziono 269,0160.

Kwas2-karboksy-2-(3,4-dihydroksyfenylo)etylo-P-(2-karboksyetylo)-fosfinowy (P1.10) został otrzymany z substratu P1.5 (1,1 mmol, 0,40 g) zgodnie

z procedurą A. Otrzymano 0,19 g (56%) oleistego produktu o lekko brązowej barwie. ¹H NMR (400 MHz, D₂O) δ 6,85 (d, J = 2,2 Hz, 1H), 6,83 (d, J = 8,2 Hz, 1H), 6,76 (dd, J = 8,2, 2,2 Hz, 1H), 3,82 (ddd, J = 9,3, 9,2, 6,2 Hz, 1H), 2,57 – 2,24 (m, 4H), 1,77 – 1,62 (m, 1H), 1,62 – 1,45 (m, 1H). ¹³C NMR (101 MHz, D₂O) δ 176,81 (d, J = 13,5 Hz), 176,21 (d, J = 16,7 Hz), 144,47, 144,00, 130,18 (d, J = 6,6 Hz), 120,47, 116,57, 115,44, 44,56, 31,40 (d, J = 91,6 Hz), 26,21 (d, J = 2,6 Hz), 23,88 (d, J = 92,5 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, D₂O) δ 53,87. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₂H₁₅O₈P+Na⁺ 341,0402, znaleziono 341,0393.

Kwas 2-karboksy-2-(3,4-dihydroksyfenylo)etylofosfonowy (**P1.11**) został otrzymany z substratu P1.6 (2,1 mmol, 0,65 g) zgodnie z procedurą A. Otrzymano 0,18 g (32%) oleistego produktu o lekko brązowej barwie. Natomiast z 0,050 g (0,16 mmol) substratu zgodnie z procedurą B otrzymano 0,020 g (46%). ¹H NMR (400 MHz, D₂O) δ 6,84 (d, J = 2,2 Hz, 1H), 6,82 (d, J = 8,2 Hz, 1H), 6,75 (dd, J = 8,2, 2,2 Hz, 1H), 3,80 (ddd, J = 11,6, 8,3, 6,2 Hz, 1H), 2,53 (ddd, J = 17,5, 15,4, 8,3 Hz, 1H), 2,09 (ddd, J = 17,7, 15,4, 6,2 Hz, 1H). ¹³C NMR (101 MHz, D₂O) δ 177,16 (d, J = 10,2 Hz), 144,19, 143,60, 131,07 (d, J = 11,1 Hz), 120,10, 116,41, 115,32, 45,43 (d, J = 2,3 Hz), 30,36 (d, J = 135,6 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, D₂O) δ 26,31. HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₉H₁₁O₇P+Na⁺ 285,0140, znaleziono 285,0160.

Kwas 2-(2-bromo-4,5-dihydroksyfenylo)-2-karboksyetylofosfinowy (**P1.12**) został wyizolowany podczas chromatograficznego oczyszczania związku P1.11 (otrzymanego według procedury A). Otrzymano 0,020 g (3%) oleistego produktu ubocznego o brązowej barwie. ¹H NMR (400 MHz, D₂O) δ 7,04 (s, 1H), 6,82 (s, 1H), 4,25 (ddd, J = 12,4,7,3,7,2 Hz, 1H), 2,53 (ddd, J = 17,9, 15,6, 7,2 Hz, 1H), 2,18 (ddd, J = 17,9,15,6,7,3 Hz, 1H). ¹³C NMR (101 MHz, D₂O) δ 176,18 (d, J = 12,2 Hz), 144,59, 144,04, 129,25 (d, J = 9,2 Hz), 120,02, 116,17, 113,02, 44,64, 29,24 (d, J = 137,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, D₂O)

δ 26,93. **HRMS (ESI)** m/z obliczono dla C₉H₁₀BrO₇P+H⁺ 340,9426, znaleziono 340,9426.

2-(3,4-Dimetoksyfenylo)etylofosfonian dietylu (P1.15). 4-(2-Bromoetylo)-1,2-dimetoksybenzen (4,7 mmol, 1,2 g) i fosforyn trietylu (9,4 mmol, 1,6 g) ogrzewano w syntezatorze mikrofalowym w temperaturze 140°C przez 2 h. Następnie roztwór ochłodzono do temperatury pokojowej i odparowano nadmiar fosforynu trietylu pod zmniejszonym ciśnieniem. Brązową oleistą mieszaninę oczyszczono metodą chromatografii *flash*, stosując gradient octan etylu/metanol, $100/0 \rightarrow 10/90 \ v/v$. Otrzymano 1,2 g (85%) oleistego produktu o słomkowej barwie. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 6,88 – 6,85 (m, 2H), 6,78 (dd, *J* = 8,1, 2,1 Hz, 1H), 4,07 (m, 4H), 3,82 (s, 3H), 3,79 (s, 3H), 2,88 – 2,77 (m, 2H), 2,16 – 2,03 (m, 2H), 1,30 (t, *J* = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 150,53, 149,13, 135,02 (d, *J* = 16,4 Hz), 121,41, 113,23, 113,20, 63,19 (d, *J* = 6,6 Hz), 56,53, 56,42, 29,04 (d, *J* = 4,6 Hz), 28,01 (d, *J* = 138,2 Hz), 16,69 (d, *J* = 6,3 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 32,73. HRMS (ESI) *m/z* obliczono dla C₁₄H₂₃O₅P+H⁺ 303,1361, znaleziono 303,1398.

Kwas 2-(3,4-dihydroksyfenylo)etylofosfonowy (**P1.16**) został otrzymany z substratu P1.15 (1,7 mmol, 0,50 g) zgodnie z procedurą B. Otrzymano 0,19 g (53%) kremowych kryształów. ¹H NMR (400 MHz, D₂O) δ 6,77 (d, *J* = 8,1 Hz, 1H), 6,75 (d, *J* = 2,0 Hz, 1H), 6,65 (dd, *J* = 8,1, 2,0 Hz, 1H), 2,74 – 2,63 (m, 2H), 2,02 – 1,89 (m, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, D₂O) δ 143,90, 142,16, 134,36 (d, *J* = 17,4 Hz), 120,28, 116,29, 115,90, 28,56 (d, *J* = 132,5 Hz), 27,54 (d, *J* = 4,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, D₂O) δ 30,44. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₈H₁₁O₅P+H⁺ 219,0422, znaleziono 219,0421.

4.2.2. Fosfonowe pochodne N-podstawionego 1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onu

4.2.2.1. Synteza aminofenylofosfonianów

(3-Aminofenylo)fosfonianu dietylu (P2.1.1). 3-Bromoaniline (35 mmol, 6,0 g), fosforyn dietylu (44 mmol, 6,0 g), trifenylofosfine (5,9 mmol, 1,6 g), octan palladu(II) (2,4 mmol, 0,55 g) oraz trietyloamine (87 mmol, 8,8 g) ogrzewano pod chłodnica zwrotna w temperaturze wrzenia w etanolu (25 ml) w atmosferze argonu przez 24 h. Po ochłodzeniu mieszaniny poreakcyjnej odsączono osad i odparowano lotne składniki przesączu. Uzyskaną oleistą mieszaninę poddano oczyszczaniu z zastosowaniem chromatografii flash, stosując gradient heksan/octan etylu, $20/80 \rightarrow 0/100 v/v$. Otrzymano 6,4 g (80%) pomarańczowego oleju. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,23 (ddd, J = 8,1, 7,3, 5,3 Hz, 1H), 7,08 (ddd, J = 14,45, 1,7, 1,6 Hz, 1H), 7,02 (dddd, J = 13,2,7,4,1,2,1,2 Hz, 1H), 6,91 (dddd, J = 8,1,2,3,1,1,1,1 Hz, 1H), 4,07 (m, 4H), 1,31 (t, J = 7.1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 149,67 (d, J = 18,1 Hz), 130,55 (d, J = 17,5 Hz), 128,84 (d, J = 187,3 Hz), 121,27 (d, J = 9.8 Hz), 120.31 (d, J = 3.4 Hz), 118.38 (d, J = 11.5 Hz), 63.59 (d, J = 5,7 Hz), 16,57 (d, J = 6,3 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 21,26. HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₁₀H₁₆NO₃P+H+ 230,0946, znaleziono 230,0862.

(4-Aminofenylo)fosfonianu dietylu (P2.2.1). 4-Iodoanilinę (40 mmol, 8,7 g), fosforyn trietylu (80 mmol, 13,3 g), tri-*n*-propyloaminę (80 mmol, 11,5 g), bromek tetra-*n*-butyloamoniowy (6,0 mmol, 1,9 g) oraz chlorek palladu(II) (2,0 mmol, 0,35 g) ogrzewano pod chłodnicą zwrotną w temperaturze wrzenia w wodzie (100 ml) przez 3 h. Po ochłodzeniu mieszaniny poreakcyjnej wyekstrahowano produkt do warstwy organicznej kilkoma porcjami octanu etylu (3 × 50 ml). Warstwę organiczną przemyto solanką (20 ml) i wysuszono nad bezwodnym siarczanem sodu. Po odsączeniu osadu rozpuszczalnik odparowano pod zmniejszonym ciśnieniem, a pozostałość krystalizowano z octanu etylu. Otrzymano 4,9 g (53%) kremowych kryształów. Temperatura topnienia: 117-118°C. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,44 (dd, J = 12,8, 8,6 Hz, 2H), 6,71 (dd, J = 8,6, 3,9 Hz, 2H), 4,02 (m, 4H), 1,29 (t, J = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 154,39 (d, J = 2,9 Hz), 134,40 (d, J = 11,8 Hz), 114,77 (d, J = 16,1 Hz), 112,96 (d, J = 200,8 Hz), 63,18 (d, J = 5,5 Hz), 16,58 (d, J = 6,6 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 23,49. HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₁₀H₁₆NO₃P+H+ 230,0946, znaleziono 230,0918.

4.2.2.2. Synteza (aminofenylo)alkilofosfonianów

Synteza fosfonianów w reakcji Arbuzowa (procedura C). Bromek alkilowy (1 eq.) oraz fosforyn trietylu (2 eq.) ogrzewano w syntezatorze mikrofalowym w 140°C przez 2 h. Po ochłodzeniu mieszaniny poreakcyjnej odparowano lotne składniki pod zmniejszonym ciśnieniem a pozostałość oczyszczono z zastosowaniem chromatografii *flash*, stosując gradient heksan/octan etylu, $20/80 \rightarrow 0/100 v/v$.

(3-Nitrobenzylo)fosfonian dietylu (P2.3.1) został zsyntetyzowany z bromku 3-nitrobenzylu (9,3 mmol, 2,0 g) oraz fosforynu trietylu (19 mmol, 3,1 g) zgodnie z procedura C. Otrzymano 2,3 g (91%) pomarańczowego oleju. ¹**H** NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 8,20 (dd, J = 2,3, 2,3 Hz, 1H), 8,12 (dddd, J = 8.3, 2.3, 2.3, 1.1 Hz, 1H), 7,70 (dddd, J = 7.6, 2.6, 1.8, 1.1 Hz, 1H), 7.55 (td, J = 8,3, 1,2 Hz, 1H), 4,06 (m, 4H), 3,40 (d, J = 21,9 Hz, 2H), 1,25 (t, J = 1,2,2)J = 7.1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 149,63, 137,36 (d, J = 6,3 Hz), 135,56 (d, J = 9,5 Hz), 130,72 (d, J = 2,9 Hz), 125,68 (d, J = 6.6 Hz), 122,94 (d, J = 3.4 Hz), 63,92 (d, J = 6.9 Hz), 33,18 (d, J = 137.9 Hz), 16,63 (d, J = 6.0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 26,73. **HRMS** (ESI) m/z obliczono dla C₁₁H₁₆NO₅P+H⁺ 274,0844, znaleziono 274,0818.

(4-Nitrobenzylo)fosfonian dietylu (P2.4.1) został zsyntetyzowany z bromku 4-nitrobenzylu (17 mmol, 3,8 g) oraz fosforynu trietylu (35 mmol, 5,8 g) zgodnie z procedurą C. Otrzymano 4,0 g (84%) pomarańczowego oleju. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 8,20 (dd, J = 8,9, 1,1 Hz, 2H), 7,56 (dd, J = 8,9, 2,6 Hz, 2H), 4,08 (m, 4H), 3,43 (d, J = 22,5 Hz, 2H), 1,27 (t, J = 7,0 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 148,45 (d, J = 4,0 Hz), 141,16 (d, J = 9,5 Hz), 132,12 (d, J = 6,3 Hz), 124,51 (d, J = 3,2 Hz), 63,95 (d, J = 6,9 Hz), 33,65 (d, J = 137,0 Hz), 16,63 (d, J = 6,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 26,34. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₁H₁₆NO₅P+H⁺ 274,0844, znaleziono 274,0846.

(3-Nitrofenetylo)fosfonian dietylu (P2.5.1) został zsyntetyzowany z bromku 3-nitrofenetylu (6,5 mmol, 1,5 g) oraz fosforynu trietylu (13 mmol, 2,2 g) zgodnie z procedurą C. Otrzymano 1,4 g (73%) pomarańczowego oleju. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 8,16 (dd, J = 2,1, 2,1 Hz, 1H), 8,09 (ddd, J = 8,1, 2,3, 1,1 Hz, 1H), 7,69 (m, 1H), 7,55 (t, J = 7,9 Hz, 1H), 4,08 (m, 4H), 3,03 (m, 2H), 2,20 (m, 2H), 1,29 (t, J = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 149,78, 144,35 (d, J = 14,9 Hz), 135,92, 130,77, 124,18, 122,46, 63,32 (d, J = 6,6 Hz), 29,15 (d, J = 4,9 Hz), 27,19 (d, J = 140,5 Hz), 16,66 (d, J = 6,3 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 31,77. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₂H₁₈NO₅P+H⁺ 288,1001, znaleziono 288,1004.

(4-Nitrofenetylo)fosfonian dietylu (P2.6.1) został zsyntetyzowany z bromku 4-nitrofenetylu (43 mmol, 10,0 g) oraz fosforynu trietylu (87 mmol, 14,4 g) zgodnie z procedurą C. Otrzymano 8,9 g (71%) pomarańczowego oleju. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 8,15 (d, J = 8,7 Hz, 2H), 7,55 – 7,48 (m, 2H), 4,09 (m, 4H), 3,00 (m, 2H), 2,16 (m, 2H), 1,30 (t, J = 7,0 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 150,03 (d, J = 15,5 Hz), 148,14, 130,52, 124,65, 63,36 (d, J = 6,3 Hz), 29,36 (d, J = 4,3 Hz), 27,06 (d, J = 140,5 Hz), 16,67 (d,

J = 6,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 31,67. HRMS (ESI) *m/z* obliczono dla C₁₂H₁₈NO₅P+H⁺ 288,1001, znaleziono 288,1009.

Redukcja związków nitrowych (procedura D). Nitropochodna (1 eq.), chlorek cyny(II) (5 eq.) oraz stężony kwas solny (1 ml) były ogrzewane pod chłodnicą zwrotną w 96% etanolu (50 ml) w temperaturze wrzenia w atmosferze argonu przez 2 h. Po ochłodzeniu mieszaniny poreakcyjnej odparowano lotne substancje a pozostałość potraktowano octanem etylu (100 ml). Warstwę organiczną przemyto 1,0 M roztworem NaOH (40 ml) oraz solanką (20 ml), a następnie suszono nad bezwodnym siarczanem sodu. Po odsączeniu środka suszącego rozpuszczalnik odparowano pod zmniejszonym ciśnieniem a pozostałość oczyszczono z zastosowaniem chromatografii *flash* stosując gradient octan etylu/metanol, $100/0 \rightarrow 90/10 v/v$.

(3-Aminobenzylo)fosfonian dietylu (P2.3.2) został otrzymany z substratu P2.4.1 (6,2 mmol, 1,7 g) i chlorku cyny(II) (31 mmol, 5,9 g) zgodnie z procedurą D. Otrzymano 1,2 g (82%) pomarańczowego oleju. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,04 (dt, J = 7,7, 1,1 Hz, 1H), 6,70 – 6,58 (m, 3H), 4,02 (m, 4H), 3,10 (d, J = 21,7 Hz, 2H), 1,25 (t, J = 7,0 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 147,66 (d, J = 2,9 Hz), 131,81 (d, J = 9,2 Hz), 128,88 (d, J = 3,2 Hz), 119,37 (d, J = 6,6 Hz), 116,63 (d, J = 6,6 Hz), 113,92 (d, J = 3,7 Hz), 62,36 (d, J = 6,9 Hz), 32,47 (d, J = 137,6 Hz), 15,32 (d, J = 6,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 28,65. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₁H₁₈NO₃P+H+ 244,1103, znaleziono 244,1073.

(4-Aminobenzylo)fosfonian dietylu (P2.4.2) został otrzymany z substratu P2.3.1 (13 mmol, 3,5 g) i chlorku cyny(II) (64 mmol, 12,1 g) zgodnie z procedurą D. Otrzymano 2,7 g (87%) kremowych kryształów. Temperatura topnienia: 92-95°C. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,04 (dd, *J* = 8,5, 2,6 Hz, 2H), 6,68 (d, *J* = 8,2 Hz, 2H), 3,99 (m, 4H), 3,08 (d, *J* = 20,9 Hz, 2H), 1,24 (t,

J = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 147,83 (d, J = 3,4 Hz), 131,60 (d, J = 6,6 Hz), 121,22 (d, J = 9,8 Hz), 116,67 (d, J = 3,2 Hz), 63,58 (d, J = 7,2 Hz), 32,77 (d, J = 138,7 Hz), 16,66 (d, J = 6,0 Hz). ³¹PNMR (162 MHz, CD₃OD) δ 29,12. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₁H₁₈NO₃P+H⁺ 244,1103, znaleziono 244,1073.

(3-Aminofenetylo)fosfonian dietylu (P2.5.2) został otrzymany z substratu P2.6.1 (4,2 mmol, 1,2 g) i chlorku cyny(II) (21 mmol, 4,0 g) zgodnie z procedurą D. Otrzymano 0,82 g (76%) pomarańczowego oleju. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,02 (t, J = 7,7 Hz, 1H), 6,63 – 6,53 (m, 3H) 4,07 (m, 4H), 2,76 (m, 2H), 2,06 (m, 2H), 1,31 (t, J = 7,0 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 147,63, 141,60 (d, J = 16,4 Hz), 128,99, 117,61, 114,91, 113,44, 61,87 (d, J = 6,6 Hz), 28,14 (d, J = 4,9 Hz), 26,56 (d, J = 138,5 Hz), 15,37 (d, J = 6,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 32.80. HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₁₂H₂₀NO₃P+H+ 258,1259, znaleziono 258,1269.

(4-Aminofenetylo)fosfonian dietylu (P2.6.2) został otrzymany z substratu P2.5.1 (11 mmol, 3,1 g) i chlorku cyny(II) (54 mmol, 10,2 g) zgodnie z procedurą D. Otrzymano 2,0 g (72%) pomarańczowego oleju. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 6,97 (d, J = 8,4 Hz, 2H), 6,68 (d, J = 8,4 Hz, 2H), 4,05 (m, 4H), 2,75 (m, 2H), 2,02 (m, 2H), 1,29 (t, J = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 146,88, 131,64 (d, J = 16,4 Hz), 129,76, 116,92, 63,12 (d, J = 6,6 Hz), 28,62 (d, J = 4,6 Hz), 28,22 (d, J = 137,6 Hz), 16,70 (d, J = 6,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 32,96. HRMS (ESI) *m/z* obliczono dla C₁₂H₂₀NO₃P+H+ 258,1259, znaleziono 258,1265.

4.2.2.3. Synteza (aminometylofenylo)metylofosfonianów

Synteza halogenowych pochodnych *N*-podstawionego ftalimidu – I etap syntezy Gabriela (procedura E). Dihalogenopochodną (2 eq.) oraz ftalimidek potasu (1 eq.) ogrzewano pod chłodnicą zwrotną w DMF (50 ml) w 100°C przez 8 h. Następnie ochłodzono mieszaninę poreakcyjną, odsączono wydzielony osad i odparowano lotne składniki przesączu. Pozostałość rozpuszczono w CH₂Cl₂ (200 ml) i warstwę organiczną przemyto wodą destylowaną (2 × 50 ml) oraz solanką (50 ml), a następnie roztwór suszono nad bezwodnym siarczanem sodu. Odsączono środek suszący, odparowano rozpuszczalnik pod zmniejszonym ciśnieniem a pozostałość oczyszczano z zastosowaniem chromatografii *flash*, stosując gradient heksan/octan etylu, 90/10 \rightarrow 0/100 v/v.

N-(3-(Chlorometylo)benzylo)ftalimid (P2.7.1) został zsyntetyzowany z 1,3-*bis*(chlorometylo)benzenu (80 mmol, 14,0 g) oraz ftalimidku potasu (40 mmol, 7,4 g) zgodnie z procedurą E. Otrzymano 7,4 g (65%) bezbarwnych kryształów. Temperatura topnienia: 128-130°C. ¹H NMR (400 MHz, CDCl₃) δ 7,85 (dd, J = 5,4, 3,1 Hz, 2H), 7,71 (dd, J = 5,4, 3,1 Hz, 2H), 7,44 (s, 1H), 7,41 – 7,37 (m, 1H), 7,33 – 7,30 (m, 2H), 4,84 (s, 2H), 4,55 (s, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, CDCl₃) δ 168,13, 138,09, 137,02, 134,20, 132,18, 129,31, 128,92, 128,86, 128,29, 123,55, 46,06, 41,46. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₆H₁₂BrNO₂+H⁺ 330,0130, znaleziono 330,0115.

N-(4-(Bromometylo)benzylo)ftalimid (P2.8.1) został zsyntetyzowany z 1,4-*bis*(bromometylo)benzenu (52 mmol, 14,0 g) oraz ftalimidku potasu (26 mmol, 4,9 g) zgodnie z procedurą E. Otrzymano 5,7 g (65%) bezbarwnych kryształów. Temperatura topnienia: 143-144°C. ¹H NMR (400 MHz, CDCl₃) δ 7,84 (dd, J = 5,3, 3,1 Hz, 2H), 7,71 (dd, J = 5,5, 3,1 Hz, 2H), 7,41 (d, J = 8,2 Hz, 2H), 7,34 (d, J = 8,2 Hz, 2H), 4,83 (s, 2H), 4,45 (s, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, CDCl₃) δ 168,11, 137,52, 136,73, 134,20, 132,18, 129,52, 129,23,

123,52, 41,31, 33,15. **HRMS (ESI)** m/z obliczono dla C₁₆H₁₂BrNO₂+H⁺ 330,0130, znaleziono 330,0159.

3-(Ftalimidometylo)benzylofosfonian dietylu (P2.7.2) został zsyntetyzowany z substratu P2.7.1 (17 mmol, 5,0 g) oraz fosforynu trietylu (35 mmol, 5,8 g) zgodnie z procedurą C. Otrzymano 4,6 g (66%) bezbarwnych kryształów. Temperatura topnienia: 97-98°C. ¹H NMR (400 MHz, CDCl₃) δ 7,83 (dd, J = 5,4, 3,0 Hz, 2H), 7,70 (dd, J = 5,4, 3,0 Hz, 2H), 7,35 – 7,18 (m, 4H), 4,82 (s, 2H), 3,98 (m, 4H), 3,12 (d, J = 21,5 Hz, 2H), 1,20 (t, J = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CDCl₃) δ 168,11, 136,75 (d, J = 3,2 Hz), 134,16, 132,22 (d, J = 9,2 Hz), 132,20, 129,99 (d, J = 6,9 Hz), 129,43 (d, J = 6,9 Hz), 129,06 (d, J = 2,9 Hz), 127,25 (d, J = 3,4 Hz), 123,48, 62,37 (d, J = 6,9 Hz), 41,55, 33,74 (d, J = 137,9 Hz), 16,44 (d, J = 6,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CDCl₃) δ 26,71. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₂₀H₂₂NO₅P+H⁺ 388,1314, znaleziono 388,1317.

4-(Ftalimidometylo)benzylofosfonian dietylu (P2.8.2) został zsyntetyzowany z substratu P2.8.1 (12 mmol, 4,0 g) oraz fosforynu trietylu (24 mmol, 4,0 g) zgodnie z procedurą C. Otrzymano 3,3 g (69%) bezbarwnych kryształów. Temperatura topnienia: 107-109°C. ¹H NMR (400 MHz, CDCl₃) δ 7,83 (dd, J = 5,5, 3,1 Hz, 2H), 7,70 (dd, J = 5,5, 3,1 Hz, 2H), 7,36 (d, J = 8,1 Hz, 2H), 7,23 (dd, J = 8,3, 2,4 Hz, 2H), 4,81 (s, 2H), 3,99 (m, 4H), 3,10 (d, J = 21,7 Hz, 2H), 1,22 (t, J = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CDCl₃) δ 168,15, 135,13 (d, J = 4,0 Hz), 134,14, 132,22, 131,32 (d, J = 9,5 Hz), 130,16 (d, J = 6,6 Hz), 128,96 (d, J = 3,2 Hz), 123,47, 62,33 (d, J = 6,9 Hz), 41,35, 33,50 (d, J = 138,2 Hz), 16,47 (d, J = 6,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CDCl₃) δ 26,85. HRMS (ESI) *m/z* obliczono dla C₂₀H₂₂NO₅P+H⁺ 388,1314, znaleziono 388,1315.

Synteza aminofosfonianów – hydrazynoliza ftalimidów – II etap syntezy Gabriela (procedura F). Monohydrat hydrazyny (3 eq.) wkroplono do roztworu pochodnej ftalimidu (1 eq.) w etanolu (100 ml) w temperaturze pokojowej. Mieszano 12 h, a następnie odsączono powstały osad hydrazydu kwasu ftalowego i odparowano lotne składniki przesączu pod zmniejszonym ciśnieniem. Surowy produkt rozpuszczono w octanie etylu, odsączono pozostałości hydrazydu i odparowano rozpuszczalnik pod zmniejszonym ciśnieniem. Pozostałość oczyszczano z zastosowaniem chromatografii *flash*, stosując gradient octan etylu/metanol, $100/0 \rightarrow 90/10 v/v$.

3-(Aminometylo)benzylofosfonian dietylu (P2.7.3) został otrzymany z substratu P2.7.2 (4,6 mmol, 1,8 g) oraz monohydratu hydrazyny (14 mmol, 0,69 g) zgodnie z procedurą F. Otrzymano 0,92 g (77%) słomkowego oleju. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,37 – 7,21 (m, 4H), 4,03 (m, 4H), 3,86 (s, 2H), 3,25 (d, J = 21,7 Hz, 2H), 1,26 (t, J = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 141,66 (d, J = 3,3 Hz), 133,17 (d, J = 9,4 Hz), 130,48 (d, J = 6,6 Hz), 130,11 (d, J = 6,6 Hz), 129,93 (d, J = 3,2 Hz), 127,51 (d, J = 3,7 Hz), 63,73 (d, J = 6,9 Hz), 45,93, 33,56 (d, J = 137,8 Hz), 16,66 (d, J = 6,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 28,23. HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₁₂H₂₀NO₃P+H⁺ 258,1259, znaleziono 258,1249.

4-(Aminometylo)benzylofosfonian dietylu (P2.8.3) został otrzymany z substratu P2.7.2 (3,4 mmol, 1,3 g) oraz monohydratu hydrazyny (10 mmol, 0,50 g) zgodnie z procedurą F. Otrzymano 0,70 g (81%) słomkowego oleju. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,40 – 7,30 (m, 4H), 4,03 (m, 4H), 3,92 (d, J = 1,8 Hz, 2H), 3,25 (d, J = 21,7 Hz, 2H), 1,26 (t, J = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 138,23 (d, J = 4,0 Hz), 132,57 (d, J = 9,4 Hz), 131,43 (d, J = 6,6 Hz), 129,35 (d, J = 3,2 Hz), 63,70 (d, J = 6,9 Hz), 45,23, 33,30 (d, J = 137,8 Hz), 16,65 (d, J = 6,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 28,02.

HRMS (ESI) m/z obliczono dla $C_{12}H_{20}NO_3P+H^+$ 258,1259, znaleziono 258,1265.

4.2.2.4. Synteza aminoalkilofosfonianów

2-(2-Bromoetylo)ftalimid (P2.9.1) został zsyntetyzowany z 1,2-dibromoetanu (160 mmol, 30,0 g) oraz ftalimidku potasu (80 mmol, 14,8 g) zgodnie z procedurą E. Otrzymano 18,8 g (93%) bezbarwnych kryształów. Temperatura topnienia: 83-85°C. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,91 – 7,86 (m, 2H), 7,85 – 7,80 (m, 2H), 4,07 (t, *J* = 6,6 Hz, 2H), 3,68 (t, *J* = 6,6 Hz, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 169,30, 135,56, 133,20, 124,30, 40,44, 29,26. HRMS (ESI) *m/z* obliczono dla C₁₀H₈BrNO₂+H⁺ 253,9817, znaleziono 253,9825.

2-(3-Bromopropylo)ftalimid (P2.10.1) został zsyntetyzowany z 1,3-dibromopropanu (148 mmol, 30,0 g) oraz ftalimidku potasu (74 mmol, 13,8 g) zgodnie z procedurą E. Otrzymano 18,4 g (92%) bezbarwnych kryształów. Temperatura topnienia: 70-72°C. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,88 – 7,83 (m, 2H), 7,83 – 7,77 (m, 2H), 3,82 (t, *J* = 6,9 Hz, 2H), 3,47 (t, *J* = 6,6 Hz, 2H), 2,22 (p, *J* = 6,6 Hz, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 169,78, 135,37, 133,41, 124,13, 37,64, 32,72, 30,91. HRMS (ESI) *m/z* obliczono dla C₁₁H₁₀BrNO₂+H⁺ 267,9973, znaleziono 267,9966.

2-(4-Bromobutylo)ftalimid (P2.11.1) został zsyntetyzowany z 1,4-dibromobutanu (140 mmol, 30,0 g) oraz ftalimidku potasu (70 mmol, 12,9 g) zgodnie z procedurą E. Otrzymano 17,7 g (90%) bezbarwnych kryształów. Temperatura topnienia: 79-81°C. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,88 – 7,83 (m, 2H), 7,83 – 7,77 (m, 2H), 3,70 (t, J = 6,6 Hz, 2H), 3,49 (t, J = 6,4 Hz, 2H), 1,85 (m, 4H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 169,85, 135,39, 133,36, 124,12, 37,83, 33,56, 31,14, 28,17. HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₁₂H₁₂BrNO₂+H⁺ 282,0130, znaleziono 282,0132.

2-(5-Bromopentylo)ftalimid (P2.12.1) został zsyntetyzowany z 1,5-dibromopentanu (130 mmol, 30,0 g) oraz ftalimidku potasu (65 mmol, 12,1 g) zgodnie z procedurą E. Otrzymano 17,2 g (89%) bezbarwnych kryształów. Temperatura topnienia: 62-63°C. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,87 – 7,82 (m, 2H), 7,81 – 7,77 (m, 2H), 3,68 (t, *J* = 7,1 Hz, 2H), 3,44 (t, *J* = 6,7 Hz, 2H), 1,89 (m, 2H), 1,69 (m, 2H), 1,49 (m, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 169,84, 135,34, 133,37, 124,08, 38,50, 34,03, 33,34, 28,61, 26,35. HRMS (ESI) *m/z* obliczono dla C₁₃H₁₄BrNO₂+H⁺ 296,0286, znaleziono 296,0265.

Syntezę ftalimidoalkilofosfonianów dietylowych przeprowadzono zgodnie z procedurą C, aczkolwiek etap konwencjonalnego ogrzewania został zastąpiony ogrzewaniem w syntezatorze mikrofalowym w 140°C przez 2 h.

2-Ftalimidoetylofosfonian dietylu (P2.9.2) został zsyntetyzowany z substratu P2.9.1 (73 mmol, 18,6 g) oraz fosforynu trietylu (146 mmol, 24,33 g). Otrzymano 21,9 g (96%) bezbarwnego oleju. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,89 – 7,84 (m, 2H), 7,84 – 7,77 (m, 2H), 4,08 (m, 4H), 3,94 (dt, J = 14,5, 7,3 Hz, 2H), 2,28 (dt, J = 18,2, 7,3 Hz, 2H), 1,27 (t, J = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 169,28, 135,43, 133,44, 124,19, 63,51 (d, J = 6,6 Hz), 32,86 (d, J = 3,7 Hz), 24,74 (d, J = 140,8 Hz), 16,57 (d, J = 6,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 29,83. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₄H₁₈NO₅P+H⁺ 312,1001, znaleziono 312,0964.

3-Ftalimidopropylo)fosfonian dietylu (**P2.10.2**) został zsyntetyzowany z substratu P2.10.1 (68 mmol, 18,2 g) oraz fosforynu trietylu (136 mmol, 22,6 g). Otrzymano 21,3 g (96%) bezbarwnego oleju. ¹H NMR (**400 MHz, CD₃OD**) δ 7,88 – 7,82 (m, 2H), 7,82 – 7,77 (m, 2H), 4,08 (m, 4H), 3,72 (t, *J* = 7,1 Hz, 2H), 2,02 – 1,78 (m, 4H), 1,31 (t, *J* = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (**101 MHz, CD₃OD**) δ 169,79, 135,40, 133,33, 124,15, 63,33 (d,

J = 6,6 Hz), 39,06 (d, J = 19,0 Hz), 23,48 (d, J = 139,3 Hz), 22,75 (d, J = 1,7 Hz), 16,69 (d, J = 6,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 32,88. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₅H₂₀NO₅P+H⁺ 326,1158, znaleziono 326,1157.

4-Ftalimidobutylofosfonian dietylu (P2.11.2) został zsyntetyzowany substratu P2.11.1 17,5 g) oraz fosforynu trietylu Z (62 mmol. (124 mmol, 20,6 g). Otrzymano 18,8 g (89%) bezbarwnego oleju. Temperatura topnienia: 77-79°C. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,87 – 7,82 (m, 2H), 7,82 - 7,78 (m, 2H), 4,07 (m, 4H), 3,70 (t, J = 6,7 Hz, 2H), 1,93 - 1,75 (m, 4H), 1,61 (m, 2H), 1,29 (t, J = 7,0 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 169.84, 135.39, 133.34, 124.11, 63.16 (d, J = 6.6 Hz), 37.95, 30.04 (d, J = 16,1 Hz), 25,11 (d, J = 140,5 Hz), 20,71 (d, J = 5,2 Hz), 16,69 (d, J = 6,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 33,60. HRMS (ESI) *m/z* obliczono dla C₁₆H₂₂NO₅P+H⁺ 340,1314, znaleziono 340,1321.

5-Ftalimidopentylofosfonian dietylu (P2.12.2) został zsyntetyzowany z substratu P2.12.1 (57 mmol, 17,0 g) oraz fosforynu trietylu (114 mmol, 19,0 g). Otrzymano 19,2 g (95%) bezbarwnego oleju. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,86 – 7,81 (m, 2H), 7,81 – 7,76 (m, 2H), 4,07 (m, 4H), 3,67 (t, J = 7,0 Hz, 2H), 1,85 – 1,56 (m, 6H), 1,45 (m, 2H), 1,30 (t, J = 7,0 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 169,82, 135,34, 133,35, 124,07, 63,10 (d, J = 6,6 Hz), 38,44, 28,97, 28,52 (d, J = 16,1 Hz), 25,54 (d, J = 140,2 Hz), 22,95 (d, J = 5,2 Hz), 16,71 (d, J = 6,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 33,93. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₇H₂₄NO₅P+H⁺ 354,1470, znaleziono 354,1458.

Otrzymywanie aminoalkilofosfonianów przeprowadzono zgodnie z procedurą F, aczkolwiek pominięto etap chromatograficznego oczyszczania. Związki zostały wstępnie oczyszczone poprzez utworzenie chlorowodorków: do oleistej pozostałości (po odparowaniu lotnych składników przesączu po reakcji) rozpuszczonej w dioksanie (30 ml), dodano 4,0 M roztwór kwasu solnego w dioksanie (10 ml), ochłodzono, a wytrącony chlorowodorek aminy odsączono przemywając eterem dietylowym. Ponieważ chlorowodorki aminoalkilofosfonianów były higroskopijne ponownie zdeprotonowano grupę aminową zasadą, dodając osad do roztworu trietyloaminy (3 ml) w duchlorometanie (20 ml) i susząc nad bezwodnym siarczanem sodu – przesącz po odsączeniu środka suszącego używano bezpośrednio do reakcji z chlorkiem 2-(chloroseleno)benzoilu.

4.2.2.5. Synteza chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu [91]

Diselenek disodu. W trójszyjnej kolbie okrągłodennej zaopatrzonej w zamknięcie olejowe oraz termometr rozpuszczono wodorotlenek sodu (0,75 mol, 30,0 g) w metanolu (300 ml), dodano sproszkowany selen (0,25 mol, 19,7 g) oraz 100%-owy hydrat hydrazyny (64 mmol, 3,2 g). Składniki mieszano przez 48 h w temperaturze pokojowej.

Sól diazoniowa kwasu antranilowego. W zlewce rozpuszczono kwas antranilowy (0,25 mol, 34,3 g) w gorącym wodnym 10% roztworze kwasu solnego (200 ml), następnie ochłodzono roztwór w łaźni lodowej i dodano do niego porcjami schłodzony roztwór azotanu(III) sodu (0,28 mol, 18,6 g w 100 ml wody), tak aby temperatura mieszaniny nie przekroczyła -5°C.

Kwas 2,2'-diselenobisbenzoesowy. Zimny roztwór soli diazoniowej wkroplono do schłodzonego do -20°C roztworu diselenku disodu, tak aby temperatura mieszaniny reakcyjnej nie przekroczyła -10°C. Reakcję kontynuowano w temperaturze pokojowej przez 48 h. Następnie odsączono nieprzereagowany selen a przesącz ogrzano do wrzenia z węglem aktywnym. Odsączono węgiel aktywny z przesącz zakwaszono stężonym kwasem solnym. Wytrącony osad

odsączono pod zmniejszonym ciśnieniem, przemyto gorącą wodą i rekrystalizowano z 1,4-dioksanu. Otrzymano 23,0 g (46%) kremowego osadu. ¹H NMR (400 MHz, DMSO) δ 7,99 (dd, J = 7,7, 1,6 Hz, 1H), 7,63 (dd, J = 8,0,0,6 Hz, 1H), 7,45 (ddd, J = 8,0, 7,7, 1,6 Hz, 1H), 7,32 (m, 1H). ¹³C NMR (100 MHz, DMSO) δ 169,10, 134,16, 133,99, 132,12, 130,02, 129,27, 127,09. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₄H₁₀O₄Se₂+Na⁺ 424,8807, znaleziono 424,8795.

Chlorek 2-(chloroseleno)benzoilu. Kwas 2,2'-diselenobisbenzoesowy (49 mmol, 19,5 g), chlorek tionylu (0,49 mol, 58,0 g) oraz DMF (1 ml) ogrzewano pod chłodnicą zwrotną w temperaturze wrzenia przez 2 h. Następnie roztwór ochłodzono do temperatury pokojowej i odparowano lotne składniki pod zmniejszonym ciśnieniem. Oleistą mieszaninę poreakcyjną rozpuszczono w toluenie i ponownie odparowano pod zmniejszonym ciśnieniem. Zestalony surowy produkt rekrystalizowano z heksanu. Otrzymano 24,2 g (98%) pomarańczowo-żółtych kryształów, które używano do dalszych reakcji bez dodatkowego oczyszczania.

4.2.2.6. Synteza 1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onów

Synteza 1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onów (procedura G). Do roztworu aminy (1,0 eq.) w bezwodnym dichlorometanie (5 ml) dodano bezwodną trietyloaminę (2,5 eq.), a następnie wkroplono przez septę chlorek 2-(chloroseleno)benzoilu (0,95 eq.) rozpuszczony w bezwodnym dichlorometanie (1 ml). Po 48 h mieszania w temperaturze pokojowej dodano 5% wodny roztwór wodorowęglanu sodu (20 ml), mieszano 10 min i produkt ekstrahowano dichlorometanem (50 ml). Następnie warstwę organiczną przemyto 5% wodnym roztworem wodorosiarczanu sodu (20 ml) i solanką (20 ml). Warstwę organiczną suszono nad bezwodnym siarczanem sodu. Po odsączeniu środka suszącego odparowano rozpuszczalnik pod zmniejszonym ciśnieniem a pozostałość

oczyszczono z zastosowaniem chromatografii *flash*, stosując dichlorometan/metanol w gradiencie $100/0 \rightarrow 90/10 v/v$.

3-(3-Oksobenzo[*d*][**1,2]selenazol-2**(*3H*)-ilo)fenylofosfonian dietylu (P2.1.2) został zsyntetyzowany z substratu P2.1.1 (4,4 mmol, 1,0 g) oraz chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (4,1 mmol, 1,0 g) zgodnie z procedurą G. Otrzymano 0,90 g (53%) lekko żółtych kryształów. Temperatura topnienia: 107-110°C. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 8,07 (ddd, J = 14,5, 2,2, 1,4 Hz, 1H), 8,06 – 7,96 (m, 2H), 7.88 (dddd, J = 7,8, 2,3, 1,2, 1,2 Hz, 1H), 7,76 – 7,60 (m, 3H), 7,50 (ddd, J = 8,1, 7,3, 1,1 Hz, 1H), 4,16 (m, 4H), 1,35 (t, J = 7,0 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) 168,14, 141,25 (d, J = 18,9 Hz), 140,69, 133,90, 131,11 (d, J = 16,5 Hz), 130,72 (d, J = 3,4 Hz), 130,54 (d, J = 9,4 Hz), 130,34 (d, J = 189,9 Hz), 129,51, 129,27, 129,15, 127,67, 126,35, 64,11 (d, J = 5,9 Hz), 16,63 (d, J = 6,3 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 18,30. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, CD₃OD) δ 969,96. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₇H₁₈NO₄PSe+H⁺ 412,0217, znaleziono 412,0180.

4-(**3**-Oksobenzo[*d*][1,2]selenazol-2(3*H*)-ilo)fenylofosfonian dietylu (P2.2.2) został zsyntetyzowany z substratu P2.2.1 (8,7 mmol, 2,0 g) oraz chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (8,3 mmol, 2,1 g) zgodnie z procedurą G. Otrzymano 2,5 g (74%) lekko żółtych kryształów. Temperatura topnienia: 165-170°C. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 8,01 (ddd, J = 7,9, 1,4, 0,6 Hz, 1H), 7,98 (ddd, J = 8,2, 0,9, 0,9 Hz, 1H), 7,88 (s, 2H), 7,86 (d, J = 2,5 Hz, 2H), 7,69 (ddd, J = 8,3, 7,2, 1,4 Hz, 1H), 7,50 (ddd, J = 8,1, 7,2, 1,0 Hz, 1H), 4,14 (m, 4H), 1,34 (t, J = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 168,11, 145,23, 140,57, 134,02, 133,91, 129,56, 129,40, 127,68, 126,29, 126,14 (d, J = 193,3 Hz), 125,84 (d, J = 15,5 Hz), 63,92 (d, J = 5,7 Hz), 16,62 (d, J = 6,3 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 19,05. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, CD₃OD) δ 968,38. HRMS (ESI) *m/z* obliczono dla C₁₇H₁₈NO₄PSe+H⁺ 412,0217, znaleziono 412,0218.

3-(3-Oksobenzo[d][1,2]selenazol-2(3H)-ilo)benzylofosfonian dietylu (P2.3.3)

został zsyntetyzowany z substratu P2.3.2 (2,5 mmol, 0,60 g) oraz chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (2,3 mmol, 0,60 g) zgodnie z procedurą G. Otrzymano 0,70 g (70%) żółty olej. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,99 (m, 2H), 7,68 (ddd, J = 8,3, 7,2, 1,4 Hz, 1H), 7,57 (dd, J = 2,2, 2,2 Hz, 1H), 7,55 – 7,46 (m, 2H), 7,43 (t, J = 7,8 Hz, 1H), 7,28 (dddd, J = 7,8, 2,8, 1,3, 1,3 Hz, 1H), 4,08 (m, 4H), 3,32 (d, J = 21,8 Hz, 2H), 1,29 (t, J = 7,1 Hz, 8H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 167,97, 140,95, 140,64 (d, J = 3,3 Hz), 134,42 (d, J = 9,3 Hz), 133,65, 130,45 (d, J = 3,1 Hz), 129,58 (d, J = 6,6 Hz), 129,39, 129,29, 128,12 (d, J = 6,5 Hz), 127,53, 126,27, 125,34 (d, J = 3,6 Hz), 63,85 (d, J = 6,9 Hz), 33,48 (d, J = 137,8 Hz), 16,72 (d, J = 6,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 27,61. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, CD₃OD) δ 969,06. HRMS (ESI) *m/z* obliczono dla C₁₈H₂₀NO₄PSe+H⁺ 426,0374, znaleziono 426,0385.

4-(3-Oksobenzo[*d*][1,2]selenazol-2(3*H*)-ilo)benzylofosfonian dietylu (P2.4.3) został zsyntetyzowany z substratu P2.4.2 (4,1 mmol, 1,0 g) oraz chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (3,9 mmol, 0,99 g) zgodnie z procedurą G. Otrzymano 1,1 g (66%) lekko żółtych kryształów. Temperatura topnienia: 140-142°C. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,99 (m, 2H), 7,68 (ddd, J = 8,3, 7,2, 1,4 Hz, 1H), 7,57 (dd, J = 8,6, 1,1 Hz, 2H), 7,50 (ddd, J = 7,5, 7,3, 1,0 Hz, 1H), 7,42 (dd, J = 8,5, 2,6 Hz, 2H), 4,07 (m, 4H), 3,30 (d, J = 21,7 Hz, 2H), 1,29 (t, J = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 167,96, 140,91, 139,35, 133,63, 131,89 (d, J = 6,6 Hz), 131,70 (d, J = 9,5 Hz), 129,38, 129,30, 127,52, 126,67 (d, J = 3,2 Hz), 126,25, 63,78 (d, J = 6,9 Hz), 33,22 (d, J = 137,9 Hz), 16,68 (d, J = 6,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 27,71. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, CD₃OD) δ 968,23. HRMS (ESI) *m*/z obliczono dla C₁₈H₂₀NO₄PSe+H⁺ 426,0374, znaleziono 426,0365.

3-(3-Oksobenzo[*d*][1,2]selenazol-2(3*H*)-ilo)fenetylofosfonian dietylu (P2.5.3) został zsyntetyzowany z substratu P2.5.2 (1,9 mmol, 0,50 g) oraz chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (1,8 mmol, 0,47 g) zgodnie z procedurą G. Otrzymano 0,45 g (56%) żółtego oleju. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 8,03 – 7,94 (m, 2H), 7,68 (ddd, J = 8,2, 7,3, 1,4 Hz, 1H), 7,54 – 7,46 (m, 2H), 7,45 – 7,38 (m, 2H), 7,23 (ddd, J = 6,4, 2,0, 2,0 Hz, 1H), 4,08 (m, 4H), 2,95 (m, 2H), 2,17 (m, 2H), 1,30 (t, J = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 167,98, 143,64 (d, J = 15,8 Hz), 141,01, 140,56, 133,61, 130,59, 129,39, 129,28, 128,02, 127,51, 126,67, 126,24, 124,84, 63,28 (d, J = 6,7 Hz), 29,34 (d, J = 4,6 Hz), 27,55 (d, J = 139,5 Hz), 16,71 (d, J = 6,1 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 32,28. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, CD₃OD) δ 969,66. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₉H₂₂NO₄PSe+H⁺ 440,0530, znaleziono 440,0538.

4-(3-Oksobenzo[*d*][1,2]selenazol-2(3*H*)-ilo)fenetylofosfonian dietylu (P2.6.3) został zsyntetyzowany z substratu P2.6.2 (1,9 mmol, 0,50 g) oraz chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (1,8 mmol, 0,47 g) zgodnie z procedurą G. Otrzymano 0,49 g (61%) lekko żółtych kryształów. Temperatura topnienia: 137-139°C. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 8,03 – 7,93 (m, 2H), 7,67 (ddd, J = 8,2, 7,2, 1,4 Hz, 1H), 7,56 – 7,45 (m, 3H), 7,39 – 7,32 (m, 2H), 4,08 (m, 4H), 2,93 (m, 2H), 2,15 (m, 2H), 1,29 (t, J = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 167,99, 141,15 (d, J = 15,8 Hz), 140,99, 138,70, 133,58, 130,20, 129,36, 129,27, 127,51, 126,95, 126,25, 63,27 (d, J = 6,6 Hz), 29,06 (d, J = 4,6 Hz), 27,65 (d, J = 139,2 Hz), 16,72 (d, J = 6,1 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 32,30. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, CD₃OD) δ 968,14. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₉H₂₂NO₄PSe+H⁺ 440,0530, znaleziono 440,0523.

(3-(3-Oksobenzo[d][1,2]selenazol-2(3H)-ilo)metylo)benzylofosfonian

dietylu (P2.7.4) został zsyntetyzowany z substratu P2.7.3 (3,5 mmol, 0,90 g) oraz chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (3,3 mmol, 0,84 g) zgodnie z procedurą G. Otrzymano 0,76 g (52%) żółtego oleju. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,97 (ddd, J = 7,9, 1,4, 0,6 Hz, 1H), 7,89 (ddd, J = 8,1, 0,9, 0,9 Hz, 1H), 7,61 (ddd, J = 8,3, 7,2, 1,4 Hz, 1H), 7,46 (ddd, J = 8,1, 7,2, 1,0 Hz, 1H), 7,39 – 7,23

(m, 4H), 4,99 (s, 2H), 3,96 (m, 4H), 3,23 (d, J = 21,8 Hz, 2H), 1,17 (t, J = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) 169,21, 141,14, 139,37 (d, J = 3,3 Hz), 133,54 (d, J = 9,4 Hz), 133,14, 130,78 (d, J = 6,5 Hz), 129,99 (d, J = 3,2 Hz), 128,98, 128,89, 128,01, 127,97, 127,21, 126,33, 63,75 (d, J = 6,9 Hz), 54,81, 33,61 (d, J = 137,7 Hz), 16,61 (d, J = 6,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 27,84. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, CD₃OD) 903,93. HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₁₉H₂₂NO₄PSe+H⁺ 440,0530, znaleziono 440,0538.

(4-(3-Oksobenzo[d][1,2]selenazol-2(3H)-ilo)metylo)benzylofosfonian

dietylu (P2.8.4) został zsyntetyzowany z substratu P2.8.3 (2,7 mmol, 0,70 g) oraz chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (2,6 mmol, 0,66 g) zgodnie z procedurą G. Otrzymano 0,64 g (56%) lekko żółtych kryształów. Temperatura topnienia: 152-153°C. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,96 (ddd, *J* = 7,8, 1,4, 0,6 Hz, 1H), 7,89 (ddd, *J* = 8,1, 0,9, 0,9 Hz, 1H), 7,61 (ddd, *J* = 8,2, 7,2, 1,4 Hz, 1H), 7,45 (ddd, *J* = 8,1, 7,2, 1,0 Hz, 1H), 7,32 (m, 4H), 4,98 (d, *J* = 1,7 Hz, 2H), 4,01 (m, 4H), 3,24 (d, *J* = 21,7 Hz, 2H), 1,24 (t, *J* = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 169,23, 141,11, 137,76 (d, *J* = 3,9 Hz), 133,12, 132,72 (d, *J* = 9,3 Hz), 131,43 (d, *J* = 6,6 Hz), 129,53 (d, *J* = 3,2 Hz), 128,94, 128,91, 127,21, 126,31, 63,74 (d, *J* = 6,9 Hz), 54,81, 33,40 (d, *J* = 137,9 Hz), 16,65 (d, *J* = 6,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 27,97. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, CD₃OD) 903,25. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₉H₂₂NO₄PSe+H⁺ 440,0530, znaleziono 440,0541.

2-(3-Oksobenzo[*d*][**1,2**]**selenazol-2**(*3H*)**-ilo**)**etylofosfonian dietylu (P2.9.3**) został zsyntetyzowany z surowego produktu reakcji związku P2.9.2 (3,2 mmol, 1,00 g) z monohydratem hydrazyny (9,6 mmol, 0,48 g) otrzymanego zgodnie z procedurą F oraz chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (3,1 mmol, 0,78 g) zgodnie z procedurą G. Otrzymano 0,70 g (63%) pomarańczowego osadu. Temperatura topnienia: 123-124°C. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,97 – 7,89 (m, 2H), 7,62 (ddd, *J* = 8,3, 7,2, 1,4 Hz, 1H), 7,45 (ddd, *J* = 8,0, 7,2, 1,0 Hz, 1H), 4,11 (m, 4H),

4,04 (m, 2H), 2,30 (m, 2H), 1,29 (t, J = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 169,35, 141,21, 133,18, 128,75, 128,73, 127,20, 126,40, 63,54 (d, J = 6,6 Hz), 39,84 (d, J = 2,1 Hz), 26,66 (d, J = 138,9 Hz), 16,62 (d, J = 6,2 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 28,88. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, CD₃OD) δ 914,51. HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₁₃H₁₈NO₄PSe+H⁺ 364,0217, znaleziono 364,0226.

3-(3-Oksobenzo[*d*][1,2]selenazol-2(3*H*)-ilo)propylofosfonian dietylu

(P2.10.3) został zsyntetyzowany z surowego produktu reakcji związku P2.10.2 (3,1 mmol, 1,00 g) z monohydratem hydrazyny (9,2 mmol, 0,46 g) otrzymanego zgodnie z procedurą F oraz chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (2,9 mmol, 0,74 g) zgodnie z procedurą G. Otrzymano 0,75 g (68%) ciemnego oleju. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,97 – 7,90 (m, 2H), 7,61 (ddd, *J* = 8,3, 7,2, 1,4 Hz, 1H), 7,44 (ddd, *J* = 8,0, 7,2, 1,0 Hz, 1H), 4,08 (m, 4H), 3,90 (t, *J* = 6,8 Hz, 2H), 2,07 – 1,93 (m, 2H), 1,93 – 1,78 (m, 2H), 1,30 (t, *J* = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 169,39, 140,93, 133,10, 128,85, 128,82, 127,21, 126,36, 63,30 (d, *J* = 6,6 Hz), 45,40 (d, *J* = 19,0 Hz), 24,45 (d, *J* = 4,7 Hz), 23,07 (d, *J* = 142,2 Hz), 16,71 (d, *J* = 6,0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 32,83. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, CD₃OD) δ 907,96. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₄H₂₀NO₄PSe+H⁺ 378,0373, znaleziono 378,0396.

4-(3-Oksobenzo[*d*][1,2]selenazol-2(3*H*)-ilo)butylofosfonian dietylu (P2.11.3) został zsyntetyzowany z surowego produktu reakcji związku P2.11.2 (2,9 mmol, 1,00 g) z monohydratem hydrazyny (8,8 mmol, 0,44 g) otrzymanego zgodnie z procedurą F oraz chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (2,8 mmol, 0,71 g) zgodnie z procedurą G. Otrzymano 0,80 g (73%) ciemnego oleju. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,97 – 7,89 (m, 2H), 7,62 (ddd, J = 8,2, 7,2, 1,4 Hz, 1H), 7,45 (ddd, J = 8,7, 7,2, 1,0 Hz, 1H), 4,06 (m, 4H), 3,88 (t, J = 6,8 Hz, 2H), 1,94 – 1,80 (m, 4H), 1,72 – 1,57 (m, 2H), 1,27 (t, J = 7,1 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 169,31, 140,89, 133,03, 129,00, 128,82, 127,19, 126,33, 63,15 (d, J = 6,6 Hz), 44,46, 31,86 (d, J = 16,2 Hz), 25,19 (d, J = 140,5 Hz), 20,42 (d, J = 5,1 Hz), 16,69 (d, J = 6,1 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 33,56. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, CD₃OD) δ 902,97. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₅H₂₂NO₄PSe+H⁺ 392,0530, znaleziono 392,0533.

5-(3-Oksobenzo[d][1,2]selenazol-2(3H)-ilo)pentylofosfonian dietylu (P2.12.3) został zsyntetyzowany z surowego produktu reakcji związku P2.12.2 (2,8 mmol, 1,00 g) z monohydratem hydrazyny (8,5 mmol, 0,42 g) otrzymanego zgodnie z procedura F oraz chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (2,7 mmol, 0,68 g) zgodnie z procedurą G. Otrzymano 0,88 g (81%) ciemnego oleju. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,97 – 7,89 (m, 2H), 7,61 (ddd, *J* = 8,2, 7,2, 1,4 Hz, 1H), 7,44 (ddd, *J* = 7,9, 7,2, 1,1 Hz, 1H), 4,05 (m, 4H), 3,84 (t, J = 7.0 Hz, 2H), 1.86 - 1.70 (m, 4H), 1.70 - 1.56 (m, 2H), 1.55 - 1.42 (m, 1.55 - 1.55 (m, 1.55 (m,2H), 1,29 (t, J = 7.0 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 169,23, 140,87, 132.99, 129.08, 128.80, 127.17, 126.30, 63.09 (d, J = 6.6 Hz), 45.14, 30.91, 28,39 (d, J = 16,1 Hz), 25,62 (d, J = 140,4 Hz), 23,09 (d, J = 5,2 Hz), 16,71 (d, J = 6.0 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) δ 33,90. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, CD₃OD) δ 902,95. HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₁₆H₂₄NO₄PSe+H⁺ 406,0687, znaleziono 406,0688.

(3-Oksobenzo[*d*][1,2]selenazol-2(3*H*)-ilo)fosforamid dietylu (P2.13) został zsyntetyzowany z estru dietylowego amidu kwasu fosforowego (2,0 mmol, 0,30 g) oraz chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (1,9 mmol, 0,47 g) zgodnie z procedurą G. Otrzymano 0,32 g (51%) kremowego osadu. Temperatura topnienia 135-137°C. ¹H NMR (400 MHz, CD₃OD) δ 7,94 (m, 2H), 7,71 (ddd, *J* = 8,3, 7,2, 1,2 Hz, 1H), 7,48 (ddd, *J* = 8,9, 7,2, 1,1 Hz, 1H), 4,25 (m, 4H), 1,36 (dt, *J* = 7,1, 0,9 Hz, 6H). ¹³C NMR (101 MHz, CD₃OD) δ 170,66, 143,88 (d, *J* = 4,0 Hz), 134,90, 129,69, 128,68 (d, *J* = 11,8 Hz), 127,61, 126,66, 66,28 (d, *J* = 6,0 Hz), 16,41 (d, *J* = 6,6 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, CD₃OD) -2.23.
⁷⁷Se NMR (76 MHz, CD₃OD) δ 989,15 (d, J = 7,9 Hz). HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₁₁H₁₄NO₄PSe+H⁺ 335,9904, znaleziono 335,9884.

Kwas 3-(3-oksobenzo[*d*][1,2]selenazol-2(3*H*)-ilo)fenylofosfonowy (P2.1.3) został otrzymany z substratu P2.1.2 (0,61 mmol, 0,25 g) zgodnie z procedurą B. Otrzymano 0,13 g (60%) białego osadu. Temperatura topnienia: 223-225°C. ¹H NMR (400 MHz, D₂O) δ 7,87 (m, 2H), 7,81 – 7,64 (m, 3H), 7,56 – 7,44 (m, 3H). ¹³C NMR (101 MHz, D₂O) δ 167,95, 160,49, 142,71 (d, J = 165,6 Hz), 140,08, 136,96 (d, J = 15,7 Hz), 132,88, 130,11 (d, J = 8,2 Hz), 129,02 (d, J = 13,5 Hz), 128,10 (d, J = 9,5 Hz), 128,01, 126,82, 126,66 (t, J = 13,4 Hz), 124,63. ³¹P NMR (162 MHz, D₂O) δ 10,37. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, D₂O) δ 997,23. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₃H₁₀NO₄PSe+H⁺ 355,9591, znaleziono 355,9593.

Kwas 4-(3-oksobenzo[*d*][1,2]selenazol-2(3*H*)-ilo)fenylofosfonowy (P2.2.3) został otrzymany z substratu P2.2.2 (0,61 mmol, 0,25 g) zgodnie z procedurą B. Otrzymano 0,14 g (65%) białego osadu. Temperatura topnienia powyżej 260°C. ¹H NMR (400 MHz, D₂O) δ 7,85 – 7,73 (m, 4H), 7,62 (ddd, J = 8,5, 7,2,1,3 Hz, 1H), 7,49 – 7,39 (m, 3H). ¹³C NMR (101 MHz, D₂O) δ 167,72, 162,00, 140,83 (d, J = 166,8 Hz), 139,89, 137,78 (d, J = 3,4 Hz), 132,81, 131,44 (d, J = 9,5 Hz), 127,90, 126,57, 126,37, 125,61 (d, J = 13,1 Hz), 124,49. ³¹P NMR (162 MHz, D₂O) δ 10,84. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, D₂O) δ 997,91. HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₁₃H₁₀NO₄PSe+H⁺ 355,9591, znaleziono 355,9673.

Kwas 3-(3-oksobenzo[*d*][1,2]selenazol-2(3*H*)-ilo)benzylofosfonowy (P2.3.4) został otrzymany z substratu P2.3.3 (0,59 mmol, 0,25 g) zgodnie z procedurą B. Otrzymano 0,10 g (48%) białego osadu. Temperatura topnienia: 200-205°C. ¹H NMR (400 MHz, D₂O) δ 7,93 (d, *J* = 7,8 Hz, 1H), 7,88 (d, *J* = 8,1 Hz, 1H), 7,71 (m, 1H), 7,53 (m, 1H), 7,44 – 7,34 (m, 3H), 7,30 (ddd, *J* = 7,5, 1,9, 1,9 Hz, 1H), 2,90 (d, *J* = 19,6 Hz, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, D₂O) δ 168,04, 162,49, 140,33 (d, J = 7,9 Hz), 137,17, 132,89, 129,66 (d, J = 5,2 Hz), 129,14, 128,04, 127,58 (d, J = 5,6 Hz), 126,67, 126,60, 124,67, 123,41, 37,24 (d, J = 121,7 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, D₂O) δ 17,71. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, D₂O) δ 996,60. HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₁₄H₁₂NO₄PSe+H⁺ 369,9747, znaleziono 369,9730.

Kwas 4-(3-oksobenzo[*d*][1,2]selenazol-2(3*H*)-ilo)benzylofosfonowy (P2.4.4) został otrzymany z substratu P2.4.3 (0,59 mmol, 0,25 g) zgodnie z procedurą B. Otrzymano 0,11 g (53%) białego osadu. Temperatura topnienia powyżej 260°C. ¹H NMR (400 MHz, D₂O) δ 7,80 (d, *J* = 7,8 Hz, 1H), 7,77 (d, *J* = 8,1 Hz, 1H), 7,62 (m, 1H), 7,48 – 7,30 (m, 5H), 2,89 (d, *J* = 19,8 Hz, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, D₂O) δ 167,73, 162,07, 139,93, 138,84, 134,57, 132,71, 130,54 (d, *J* = 5,5 Hz), 127,87, 126,56, 125,99, 124,50, 37,16 (d, *J* = 121,9 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, D₂O) δ 17,82. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, D₂O) δ 996,14. HRMS (ESI) *m/z* obliczono dla C₁₄H₁₂NO₄PSe+H⁺ 369,9747, znaleziono 369,9730.

Kwas 2-(3-oksobenzo[*d*][1,2]selenazol-2(3*H*)-ilo)etylofosfonowy (P2.9.4) został otrzymany z substratu P2.9.3 (0,83 mmol, 0,30 g) zgodnie z procedurą B. Otrzymano 0,15 g (59%) białego osadu. Temperatura topnienia: 215-217°C. ¹H NMR (400 MHz, D₂O) δ 7,83 – 7,74 (m, 2H), 7,60 (ddd, J = 8,4, 7,2,1,3 Hz, 1H), 7,44 (ddd, J = 8,0, 7,2, 1,1 Hz, 1H), 3,77 (m, 2H), 1,74 (m, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, D₂O) δ 167,98, 137,43, 133,05, 127,88, 127,22, 126,12, 125,09, 44,29 (d, J = 7,2 Hz), 27,02 (d, J = 130,7 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, D₂O) δ 17,16. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, D₂O) δ 931,78. HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₉H₁₀NO₄PSe+H⁺ 307,9591, znaleziono 307,9597.

Kwas 3-(3-oksobenzo[d][1,2]selenazol-2(3H)-ilo)propylofosfonowy (P2.10.4) został otrzymany z substratu P2.10.3 (0,80 mmol, 0,30 g) zgodnie z procedurą B. Otrzymano 0,16 g (63%) białego osadu. Temperatura topnienia: 222-223°C. ¹H NMR (400 MHz, D₂O) δ 7,74 (m, 2H), 7,57 (ddd, J = 8,5, 7,2, 1,3 Hz, 1H), 7,39 (ddd, J = 8,0, 7,2, 1,0 Hz, 1H), 3,78 (t, J = 7,1 Hz, 2H), 1,89 (m, 2H), 1,49 (m, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, D₂O) δ 168,37, 139,43, 132,19, 127,31, 126,76, 126,22, 124,50, 46,08 (d, J = 19,8 Hz), 25,96 (d, J = 131,7 Hz), 25,13 (d, J = 3,6 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, D₂O) δ 22,77. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, D₂O) δ 925,64. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₀H₁₂NO₄PSe+H⁺ 321,9748, znaleziono 321,9755.

Kwas 4-(3-oksobenzo[*d*][1,2]selenazol-2(3*H*)-ilo)butylofosfonowy (P2.11.4) został otrzymany z substratu P2.11.3 (0,77 mmol, 0,30 g) zgodnie z procedurą B. Otrzymano 0,17 g (66%) białego osadu. Temperatura topnienia: 226-228°C. ¹H NMR (400 MHz, D₂O) δ 7,77 (d, J = 8,2 Hz, 1H), 7,74 (dd, J = 8,0, 1,4 Hz, 1H), 7,55 (ddd, J = 8,2, 7,2, 1,4 Hz, 1H), 7,40 (m, 1H), 3,70 (t, J = 7,4 Hz, 2H), 1,72 (p, J = 7,4 Hz, 2H), 1,52 (m, 2H), 1,46 – 1,33 (m, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, D₂O) δ 168,51, 138,19, 132,08, 127,89, 127,30, 126,32, 125,49, 44,23, 31,49 (d, J = 17,2 Hz), 29,02 (d, J = 130,5 Hz), 21,56 (d, J = 3,8 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, D₂O) δ 23,38. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, D₂O) δ 923,75. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₁H₁₄NO₄PSe+H⁺ 335,9904, znaleziono 335,9909.

Kwas 5-(3-oksobenzo[*d*][1,2]selenazol-2(3*H*)-ilo)pentylofosfonowy (P2.12.4) został otrzymany z substratu P2.12.3 (0,74 mmol, 0,30 g) zgodnie z procedurą B. Otrzymano 0,18 g (70%) białego osadu. Temperatura topnienia: 190-192°C. ¹H NMR (400 MHz, D₂O) δ 7,74 – 7,66 (m, 2H), 7,54 (ddd, J = 8,3, 7,2,1,3 Hz, 1H), 7,36 (ddd, J = 8,0, 7,2, 1,0 Hz, 1H), 3,70 (t, J = 7,1 Hz, 2H), 1,67 (p, J = 7,3 Hz, 2H), 1,49 (m, 2H), 1,45 – 1,28 (m, 4H). ¹³C NMR (101 MHz, D₂O) δ 168,22, 139,34, 132,11, 127,26, 126,79, 126,18, 124,45, 44,92, 29,42, 28,88 (d, J = 131,4 Hz), 27,73 (d, J = 17,8 Hz), 23,50 (d, J = 4,1 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, D₂O) δ 24,35. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, D₂O) δ 923,22. HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₁₂H₁₆NO₄PSe+H⁺ 350,0061, znaleziono 350,0070. **Otrzymywanie monoestrów (procedura H).** Do fosfonianu dietylowego rozpuszczonego w metanolu (2 ml) dodano 2 M wodny roztwor wodorotlenku sodu (2 ml) i mieszano przez 2 h. Po odparowaniu rozpuszczalników pod zmniejszonym ciśnieniem, produkt oczyszczono metodą chromatografii HPLC na odwróconej fazie, stosując gradient acetonitryl/woda, $10/90 \rightarrow 90/10 v/v + 0,05\%$ TFA, 45 min.

Monoester etylowy kwasu 2-(3-oksobenzo[*d*][1,2]selenazol-2(3*H*)ilo)etylofosfonowego (P2.9.5) został otrzymany z substratu P2.9.3 (0,28 mmol, 0,10 g) zgodnie z procedurą H. Otrzymano 0,040 g (43%) białego osadu. Temperatura topnienia: 210-211°C. ¹H NMR (400 MHz, D₂O) δ 7,80 (dd, J = 7,9, 1,2 Hz, 1H), 7,60 (dd, J = 7,7, 1,5 Hz, 1H), 7,36 (ddd, J = 8,8, 7,9, 1,5Hz, 1H), 7,31 (ddd, J = 8,8, 7,7, 1,2 Hz, 1H), 3,86 (m, 2H), 3,61 (m, 2H), 1,96 (m, 2H), 1,16 (t, J = 7,1 Hz, 3H). ¹³C NMR (101 MHz, D₂O) δ 169,54, 135,60, 132,08, 130,84, 128,66, 127,56, 126,58, 60,78 (d, J = 6,0 Hz), 37,95 (d, J = 4,0 Hz), 26,70 (d, J = 131,6 Hz), 15,89 (d, J = 6,6 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, D₂O) δ 24,10. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, D₂O) δ 925,56. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₁H₁₄NO₄PSe+H⁺ 335,9904, znaleziono 335,9968.

Monoester etylowy kwasu 5-(3-oksobenzo[*d*][1,2]selenazol-2(3*H*)ilo)pentylofosfonowego (P2.12.5) został otrzymany z substratu P2.12.3 (0,25 mmol, 0,10 g) zgodnie z procedurą H. Otrzymano 0,045 g (48%) białego osadu. Temperatura topnienia: 182-183°C. ¹H NMR (400 MHz, D₂O) δ 7,75 (dd, J = 7,9, 1,2 Hz, 1H), 7,61 (dd, J = 7,6, 1,6 Hz, 1H), 7,33 (ddd, J = 8,9, 7,9, 1,6 Hz, 1H), 7,28 (ddd, J = 8,9, 7,6, 1,2 Hz, 1H), 3,78 (m, 2H), 3,47 (t, J = 6,9 Hz, 2H), 1,60 (p, J = 7,0 Hz, 2H), 1,55 – 1,42 (m, 4H), 1,42 – 1,33 (m, 2H), 1,14 (t, J = 7,1 Hz, 3H). ¹³C NMR (101 MHz, D₂O) δ 169,42, 135,89, 131,99, 130,81, 128,40, 127,53, 126,61, 60,37 (d, J = 5,7 Hz), 42,49, 28,76, 27,41 (d, J = 17,2 Hz), 25,99 (d, J = 134,1 Hz), 22,58 (d, J = 5,2 Hz), 15,97 (d, J = 6,3 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, D₂O) δ 29,26. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, D₂O) δ 917,83. **HRMS (ESI)** m/z obliczono dla C₁₄H₂₀NO₄PSe+H⁺ 378,0373, znaleziono 378,0499.

Kwas 2-ftalimidoetylofosfonowy (P2.9.6) został otrzymany z substratu P2.9.2 (0,16 mmol, 0,050 g) zgodnie z procedurą B. Otrzymano 0,025 g (61%) białego osadu. Temperatura topnienia: 177-178°C. ¹H NMR (400 MHz, D₂O) δ 7,56 – 7,52 (m, 1H), 7,50 – 7,40 (m, 3H), 3,47 (m, 2H), 1,71 (m, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, D₂O) δ 172,46, 134,58, 129,36, 127,18, 36,89, 29,04 (d, J = 126,4 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, D₂O) δ 18,73. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₀H₁₀NO₅P+H⁺ 256,0375, znaleziono 256,0383.

Kwas 5-ftalimidopentylofosfonowy (**P2.12.6**) został otrzymany z substratu P2.12.2 (0,14 mmol, 0,050 g) zgodnie z procedurą B. Otrzymano 0,029 g (69%) białego osadu. Temperatura topnienia: 168-169°C. ¹H NMR (400 MHz, **D**₂**O**) δ 7,58 – 7,54 (m, 1H), 7,51 – 7,39 (m, 3H), 3,32 (t, J = 7,0 Hz, 2H), 1,60 (p, J = 6,8 Hz, 2H), 1,55 – 1,45 (m, 2H), 1,46 – 1,31 (m, 4H). ¹³C NMR (101 MHz, **D**₂**O**) δ 172,88, 134,68, 129,34, 127,20, 40,05, 29,38 (d, J = 130,7 Hz), 28,30 (d, J = 17,8 Hz), 28,05, 23,91 (d, J = 4,3 Hz). ³¹P NMR (162 MHz, **D**₂**O**) δ 24,90. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₃H₁₆NO₅P+H⁺ 298,0844, znaleziono 298,0844.

4.2.3. Halogenowe pochodne N-benzylo-1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onu

Wszystkie poniższe związki zostały zsyntetyzowane według procedury G stosując 1,0 eq. aminy, 3,0 eq. trietyloaminy i 1,0 eq. chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu. Zmodyfikowano proces oczyszczania: związków nie oczyszczano chromatograficznie, natomiast po ekstrakcji i odparowaniu rozpuszczalnika krystaliczną pozostałość traktowano eterem dietylowym, a następnie odsączano przemywając osad kolejnymi porcjami tego rozpuszczalnika.

N-Benzylo-1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-on (P3.1) został zsyntetyzowany z benzyloaminy (1,4 mmol, 0,15 g) i chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (1,4 mmol, 0,36 g). Otrzymano 0,25 g (63%) kremowego osadu. Temperatura topnienia: 137-139°C. ¹H NMR (400 MHz, (CD₃)₂SO) δ 8,00 (d, J = 8,1 Hz, 1H), 7,85 (dd, J = 7,8, 1,5 Hz, 1H), 7,61 (ddd, J = 8,4, 7,2, 1,5 Hz, 1H), 7,43 (ddd, J = 8,0, 7,2, 1,0 Hz, 1H), 7,38 – 7,25 (m, 5H), 4,91 (s, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, (CD₃)₂SO) δ 166,45, 139,37, 138,38, 131,70, 128,64, 128,01, 127,87, 127,60, 127,57, 125,97, 125,94, 46,78. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, (CD₃)₂SO) δ 858,78. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₄H₁₁NOSe+H⁺ 290,0084, znaleziono 290,0089.

N-(2,4-Dichlorobenzylo)-1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-on (P3.2) został zsyntetyzowany z 2,4-dichlorobenzyloaminy (0,85 mmol, 0,15 g) i chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (0,85 mmol, 0,22 g). Otrzymano 0,25 g (82%) białego osadu. Temperatura topnienia: 196-198°C. ¹H NMR (600 MHz, (CD₃)₂SO) δ 8,03 (d, *J* = 8,1 Hz, 1H), 7,85 (dd, *J* = 7,8, 1,6 Hz, 1H), 7,68 (d, *J* = 2,2 Hz, 1H), 7,63 (ddd, *J* = 8,4, 7,1, 1,6 Hz, 1H), 7,47 – 7,41 (m, 2H), 7,27 (d, *J* = 8,4 Hz, 1H), 4,96 (s, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, (CD₃)₂SO) δ 166,85, 139,69, 134,85, 133,72, 133,35, 132,09, 131,25, 129,13, 127,91, 127,78, 127,59, 126,26, 126,13, 44,36. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, (CD₃)₂SO) δ 868,93.

HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₁₄H₉Cl₂NOSe+H⁺ 357,9305, znaleziono 357,9310.

N-(2,5-Dichlorobenzylo)-1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-on (P3.3) został zsyntetyzowany z 2,5-dichlorobenzyloaminy (0,85 mmol, 0,15 g) i chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (0,85 mmol, 0,22 g). Otrzymano 0,19 g (62%) białego osadu. Temperatura topnienia: 205-207°C. ¹H NMR (600 MHz, (CD₃)₂SO) δ 8,04 (d, *J* = 8,0 Hz, 1H), 7,86 (dd, *J* = 7,8, 1,6 Hz, 1H), 7,64 (ddd, *J* = 8,3, 7,1, 1,6 Hz, 1H), 7,55 (d, *J* = 8,5 Hz, 1H), 7,48 – 7,41 (m, 2H), 7,28 (d, *J* = 2,6 Hz, 1H), 4,97 (s, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, (CD₃)₂SO) δ 166,66, 139,60, 137,84, 132,01, 131,91, 131,23 (2C), 129,26, 129,11, 127,59, 127,38, 126,05 (2C), 44,40. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, (CD₃)₂SO) δ 868,95. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₄H₉Cl₂NOSe+H⁺ 357,9305, znaleziono 357,9310.

N-(3,4-Dichlorobenzylo)-1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-on (P3.4) został zsyntetyzowany z 3,4-dichlorobenzyloaminy (0,85 mmol, 0,15 g) i chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (0,85 mmol, 0,22 g). Otrzymano 0,23 g (74%) kremowego osadu. Temperatura topnienia: 154-156°C. ¹H NMR (600 MHz, (CD₃)₂SO) δ 8,04 (d, *J* = 7,9 Hz, 1H), 7,85 (dd, *J* = 7,8, 1,6 Hz, 1H), 7,62 (ddd, J = 8,4,7,1,1,6 Hz, 1H), 7,61 (d, J = 8,3 Hz, 1H), 7,59 (d, J = 2,1 Hz, 1H), 7,44 (ddd, J = 7,6,7,1,0,9 Hz, 1H), 7,29 (dd, J = 8,3,2,1 Hz, 1H), 4,92 (s, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, (CD₃)₂SO) δ 166,65, 139,77, 139,56, 131,81, 131,07, 130,83, 130,03, 129,86, 128,26, 127,58 (2C), 126,08, 126,00, 45,43. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, (CD₃)₂SO) δ 863,65. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₄H₉Cl₂NOSe+H⁺ 357,9305, znaleziono 357,9310.

N-(2-Fluorobenzylo)-1,2-benzizoselenazol-3(2H)-on(P3.5)zostałzsyntetyzowany z 2-fluorobenzyloaminy (1,6 mmol, 0,20 g) i chlorku2-(chloroseleno)benzoilu (1,6 mmol, 0,41 g). Otrzymano 0,25 g (50%) białego

116

osadu. Temperatura topnienia: 153-154°C. ¹H NMR (600 MHz, (CD₃)₂CO) δ 7,98 (d, J = 8,0 Hz, 1H), 7,95 (dd, J = 7,6, 1,8 Hz, 1H), 7,64 (ddd, J = 8,3, 7,2, 1,5 Hz, 1H), 7,47 (ddd, J = 7,7, 7,7, 1,1 Hz, 1H), 7,42 (ddd, J = 7,6, 7,6, 2,0 Hz, 1H), 7,38 (dddd, J = 7,4, 7,4, 5,4, 1,8 Hz, 1H), 7,18 (m, 2H), 5,05 (s, 1H). ¹³C NMR (151 MHz, (CD₃)₂CO) δ 167,53, 161,67 (d, J = 245,8 Hz), 139,70, 132,79, 131,53 (d, J = 3,8 Hz), 130,88 (d, J = 8,2 Hz), 128,93, 128,43, 126,92, 126,09, 125,97, 125,47 (d, J = 3,8 Hz), 116,16 (d, J = 21,3 Hz), 41,91 (d, J = 4,9 Hz). ¹⁹F NMR (376 MHz, (CD₃)₂CO) δ -119,46 (m). ⁷⁷Se NMR (76 MHz, (CD₃)₂CO) δ 879,51 (d, J = 17,2 Hz). HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₁₄H₁₀FNOSe+H⁺ 307,9990, znaleziono 307,9996.

N-(3-Fluorobenzylo)-1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-on (P3.6) został zsyntetyzowany z 3-fluorobenzyloaminy (1,2 mmol, 0,15 g) i chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (1,2 mmol, 0,30 g). Otrzymano 0,15 g (41%) kremowego osadu. Temperatura topnienia: 138-140°C. ¹H NMR (600 MHz, (CD₃)₂SO) δ 8,09 (d, J = 8,0 Hz, 1H), 7,85 (dd, J = 7,7, 1,2 Hz, 1H), 7,61 (ddd, J = 8,0, 8,0, 1,7 Hz, 1H), 7,43 (ddd, J = 7,4, 7,4, 1,0 Hz, 1H), 7,39 (m, 1H), 7,17 – 7,08 (m, 3H), 4,92 (s, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, (CD₃)₂SO) δ 166,61, 162,28 (d, J = 243,9 Hz), 141,48 (d, J = 7,2 Hz), 139,63, 131,70, 130,65 (d, J = 8,3 Hz), 127,83, 127,56, 126,21, 125,96, 123,94 (d, J = 2,9 Hz), 114,60 (d, J = 21,5 Hz), 114,29 (d, J = 20,7 Hz), 46,10. ¹⁹F NMR (376 MHz, (CD₃)₂SO) δ -113,04 (m). ⁷⁷Se NMR (76 MHz, (CD₃)₂SO) δ 857,44. HRMS (ESI) *m/z* obliczono dla C₁₄H₁₀FNOSe+H⁺ 307,9990, znaleziono 307,9996.

N-(4-Fluorobenzylo)-1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-on (P3.7) został zsyntetyzowany z 4-fluorobenzyloaminy (1,2 mmol, 0,15 g) i chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (1,2 mmol, 0,30 g). Otrzymano 0,19 g (53%) białego osadu. Temperatura topnienia: 153-155°C. ¹H NMR (600 MHz, (CD₃)₂CO) δ 7,96 (m, 2H), 7,63 (ddd, *J* = 8,2, 7,2, 1,5 Hz, 1H), 7,47 (ddd, *J* = 8,2, 7,2, 1,0

Hz, 1H), 7,46 – 7,43 (m, 2H), 7,12 (dd, J = 8,9, 8,9 Hz, 2H), 4,98 (s, 2H). ¹³C NMR (151 MHz, (CD₃)₂CO) δ 167,50, 163,23 (d, J = 244,1 Hz), 139,69, 135,47 (d, J = 3,3 Hz), 132,75, 131,20 (d, J = 8,7 Hz), 128,94, 128,61, 126,90, 126,08, 116,17 (d, J = 21,8 Hz), 47,51. ¹⁹F NMR (376 MHz, (CD₃)₂CO) δ -116,11 (m). ⁷⁷Se NMR (76 MHz, (CD₃)₂CO) δ 876,98. HRMS (ESI) m/zobliczono dla C₁₄H₁₀FNOSe+H⁺ 307,9990, znaleziono 307,9993.

N-(2,4-Difluorobenzylo)-1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-on **(P3.8)** został zsyntetyzowany z 2.4-difluorobenzyloaminy (1,0 mmol, 0,15 g) i chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (1,0 mmol, 0,27 g). Otrzymano 0,30 g (89%) białego osadu. Temperatura topnienia: 187-188°C. ¹H NMR (600 MHz, (CD₃)₂CO) δ 7.98 (d, J = 8.0 Hz, 1H), 7.94 (dd, J = 7.9, 1.5 Hz, 1H), 7.64 (ddd, J = 8.3, 7.2, 1.5 Hz, 1H), 7.52 - 7.46 (m, 2H), 7.07 (ddd, J = 10.3, 9.1, 2.5 Hz, 1H), 7,02 (dddd, J = 8.5, 8.5, 2.5, 1.0 Hz, 1H), 5,03 (s, 2H). ¹³C NMR (**151 MHz, (CD₃)₂CO**) δ 167,54, 163,56 (dd, J = 247,6, 11,8 Hz), 161,75 (dd, *J* = 248,3, 12,5 Hz), 139,67, 132,85, 132,83 (dd, *J* = 9,2, 5,5 Hz), 128,93, 128,36, 126,96, 126,10, 122,42 (dd, J = 15.3, 3,5 Hz), 112,41 (dd, J = 21.2, 3,8 Hz), 104,54 (t, J = 26,0 Hz), 41,45 (d, J = 4,2 Hz). ¹⁹F NMR (376 MHz, (CD₃)₂CO) δ -111,78 (m, 1F), -114,82 (m, 1F). ⁷⁷Se NMR (76 MHz, (CD₃)₂CO) δ 876,17 (d. J = 17.9 Hz). **HRMS (ESI)** m/z obliczono dla C₁₄H₉F₂NOSe+H⁺ 325.9896. znaleziono 325,9905.

N-(2,6-Difluorobenzylo)-1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-on (P3.9) został zsyntetyzowany z 2,6-difluorobenzyloaminy (1,0 mmol, 0,15 g) i chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (1,0 mmol, 0,27 g). Otrzymano 0,25 g (74%) białego osadu. Temperatura topnienia: 192-193°C. ¹H NMR (600 MHz, (CD₃)₂CO) δ 7,95 (d, J = 8,1 Hz, 1H), 7,93 (dd, J = 7,7, 1,5 Hz, 1H), 7,62 (ddd, J = 8,2,7,1,1,4 Hz, 1H), 7,53 – 7,43 (m, 2H), 7,09 (dd, J = 8,1,8,1 Hz, 2H), 5,12 (s, 2H). ¹³C NMR (151 MHz, (CD₃)₂CO) δ 167,07, 162,49 (dd,

J = 249,0, 7,6 Hz), 139,36, 132,78, 131,90 (t, J = 10,4 Hz), 128,93, 128,42, 126,95, 126,02, 114,59 (t, J = 19,4 Hz), 112,47 (dd, J = 21,2, 4,5 Hz), 35,86 (t, J = 3,8 Hz). ¹⁹F NMR (376 MHz, (CD₃)₂CO) δ -114,81 (m). ⁷⁷Se NMR (76 MHz, (CD₃)₂CO) δ 872,54 (t, J = 21,9 Hz). HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₄H₉F₂NOSe+H⁺ 325,9896, znaleziono 325,9905.

N-(3,4-Difluorobenzylo)-1,2-benzizoselenazol-3(2H)-on **(P3.10)** został zsyntetyzowany z 3,4-difluorobenzyloaminy (1,0 mmol, 0,15 g) i chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (1,0 mmol, 0,27 g). Otrzymano 0,23 g (68%) białego osadu. Temperatura topnienia: 151-152°C. ¹H NMR (600 MHz, (CD₃)₂CO) δ 7,98 (d, J = 7.9 Hz, 1H), 7,96 (dd, J = 7.9, 1,7 Hz, 1H), 7,65 (ddd, J = 8.3, 7.2, 1.7 Hz, 1H), 7.48 (ddd, J = 7.7, 7.4, 1.0 Hz, 1H), 7.38 (ddd, J = 11.5, 7.7, 2.2 Hz, 1H), 7.31 (ddd, J = 10.5, 8.3, 8.3 Hz, 1H), 7.25 (m, 1H), 4.99 (s, 2H). ¹³C NMR (151 MHz, (CD₃)₂CO) δ 167,65, 150,92 (dd, J = 246,1, 12,9 Hz), 150,49 (dd, J = 245,5, 12,5 Hz), 139,72, 137,03 (dd, J = 5,6, 4,0 Hz), 132,88, 128,99, 128,35, 126,97, 126,13, 125,72 (dd, J = 6,6, 3,1 Hz), 118,33 (d, J = 17,3 Hz), 118,05 (d, J = 18,0 Hz), 47,15. ¹⁹F NMR (376 MHz, (CD₃)₂CO) δ -139.56 (m, 1F), -141.43 (m, 1F), ⁷⁷Se NMR (76 MHz, (CD₃)₂CO) δ 883.71. **HRMS (ESI)** m/z obliczono dla C₁₄H₉F₂NOSe+H⁺ 325,9896, znaleziono 325,9904.

N-(3,5-Difluorobenzylo)-1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-on (P3.11) został zsyntetyzowany z 3,5-difluorobenzyloaminy (1,0 mmol, 0,15 g) i chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (1,0 mmol, 0,27 g). Otrzymano 0,15 g (44%) białego osadu. Temperatura topnienia: 149-150°C. ¹H NMR (600 MHz, (CD₃)₂CO) δ 8,00 (dd, J = 8,1, 1,0 Hz, 1H), 7,97 (dd, J = 7,8, 1,5 Hz, 1H), 7,66 (ddd, J = 8,1, 7,2, 1,5 Hz, 1H), 7,49 (ddd, J = 8,1, 7,2, 1,0 Hz, 1H), 7,05 (dd, J = 8,4, 2,4 Hz, 2H), 6,95 (dddd, J = 9,3, 9,3, 2,4, 2,4 Hz, 1H), 5,04 (s, 2H). ¹³C NMR (151 MHz, (CD₃)₂CO) δ 167,78, 164,02 (dd, J = 247,4, 12,5 Hz,

144,02 (t, J = 9,0 Hz), 139,78, 132,97, 129,04, 128,17, 127,01, 126,18, 111,77 (dd, J = 20,4, 5,2 Hz), 103,58 (t, J = 25,9 Hz), 47,30 (q, J = 2,7 Hz). ¹⁹F NMR (376 MHz, (CD₃)₂CO) δ -110,85 (m). ⁷⁷Se NMR (76 MHz, (CD₃)₂CO) δ 889,75. HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₁₄H₉F₂NOSe+H⁺ 325,9896, znaleziono 325,9905.

N-(2,3,4-Trifluorobenzylo)-1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-on (P3.12) został zsyntetyzowany z 2,3,4-trifluorobenzyloaminy (0,62 mmol, 0,10 g) i chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (0,62 mmol, 0,16 g). Otrzymano 0,055 g (26%) żółtego osadu. Temperatura topnienia: 178-180°C. ¹H NMR (600 MHz, (CD₃)₂CO) δ 8,00 (d, J = 8,1 Hz, 1H), 7,94 (dd, J = 7,8,2,1 Hz, 1H), 7,65 (ddd, J = 8,3,7,1,1,5 Hz, 1H), 7,48 (ddd, J = 8,0,7,3,1,1 Hz, 1H), 7,27 (m, 1H), 7,19 (m, 1H), 5,07 (s, 2H). ¹³C NMR (151 MHz, (CD₃)₂CO) δ 167,65, 151,45 (ddd, J = 248,3,9,9,2,9 Hz), 150,19 (ddd, J = 249,0,10,1,3,3 Hz), 140,47 (dt, J = 249,4,15,4 Hz), 139,70, 132,97, 128,97, 128,14, 127,03, 126,17, 125,44 (dt, J = 9,0,4,5 Hz), 124,24 (dd, J = 12,0,3,6 Hz), 113,37 (dd, J = 17,7,3,8 Hz), 41,34 (t, J = 3,5 Hz). ¹⁹F NMR (376 MHz, (CD₃)₂CO) δ -137,06 (m 1F), -140,06 (m, 1F), -162,99 (m, 1F). ⁷⁷Se NMR (76 MHz, (CD₃)₂CO) δ 880,88 (d, J = 16,6 Hz). HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₄H₈F₃NOSe+H⁺ 343,9801, znaleziono 343,9797.

N-(3-(Trifluorometylo)benzylo)-1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-on (P3.13) został zsyntetyzowany z 3-(trifluorometylo)benzyloaminy (0,86 mmol, 0,15 g) i chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (0,86 mmol, 0,22 g). Otrzymano 0,16 g (53%) białego osadu. Temperatura topnienia: 134-135°C. ¹H NMR (600 MHz, (CD₃)₂CO) δ 7,99 (d, *J* = 8,0 Hz, 1H), 7,97 (dd, *J* = 7,8, 1,7 Hz, 1H), 7,76 (s, 1H), 7,71 – 7,58 (m, 4H), 7,49 (ddd, *J* = 7,8, 7,5, 1,0 Hz, 1H), 5,12 (s, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, (CD₃)₂CO) δ 167,53, 140,62, 139,57, 132,72, 132,69, 130,93 (q, *J* = 32,0 Hz), 130,27, 128,80, 128,12, 126,78, 125,98, 125,40 (q, J = 4,0 Hz), 125,05 (q, J = 3,9 Hz), 125,04 (d, J = 271,7 Hz), 47,41. ¹⁹F NMR (376 MHz, (CD₃)₂CO) δ -62,96. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, (CD₃)₂CO) δ 883,95. HRMS (ESI) m/z obliczono dla C₁₅H₁₀F₃NOSe+H⁺ 357,9958, znaleziono 357,9954.

N-(4-(Trifluorometylo)benzylo)-1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-on (P3.14) został zsyntetyzowany z 4-(trifluorometylo)benzyloaminy (0,86 mmol, 0,15 g) i chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (0,86 mmol, 0,22 g). Otrzymano 0,12 g (38%) białego osadu. Temperatura topnienia: 156-157°C. ¹H NMR (600 MHz, (CD₃)₂CO) δ 7,99 (d, J = 8,2 Hz, 1H), 7,97 (dd, J = 7,9, 2,1 Hz, 1H), 7,71 (d, J = 8,1 Hz, 2H), 7,65 (ddd, J = 8,2, 7,2, 1,5 Hz, 1H), 7,60 (d, J = 8,1 Hz, 2H), 7,49 (ddd, J = 7,9, 7,2, 1,0 Hz, 1H), 5,11 (s, 2H). ¹³C NMR (151 MHz, (CD₃)₂CO) δ 167,72, 143,98, 139,75, 132,91, 130,08 (q, J = 32,2 Hz), 129,53, 129,02, 128,29, 126,99, 126,36 (q, J = 4,1 Hz), 126,16, 125,34 (d, J = 271,3 Hz), 47,63. ¹⁹F NMR (376 MHz, (CD₃)₂CO) δ -62,86. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, (CD₃)₂CO) δ 885,50. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₅H₁₀F₃NOSe+H⁺ 357,9958, znaleziono 357,9957.

N-(3,5-Bis(trifluorometylo)benzylo)-1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-on (P3.15) został zsyntetyzowany z 3,5-bis(trifluorometylo)benzyloaminy (0,62 mmol, 0,15 g) i chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (0,62 mmol, 0,16 g). Otrzymano 0,080 g (31%) białego osadu. Temperatura topnienia: 218-220°C. ¹H NMR (600 MHz, (CD₃)₂CO) δ 8,08 (s, 2H), 8,00 (d, J = 8,1 Hz, 1H), 7,98 (s, 1H), 7,97 (dd, J = 7,8, 1,5 Hz, 1H), 7,67 (ddd, J = 8,1, 7,2, 1,5 Hz, 1H), 7,50 (ddd, J = 7,9, 7,2, 1,0 Hz, 1H), 5,23 (s, 2H). ¹³C NMR (151 MHz, (CD₃)₂CO) δ 168,01, 142,91, 139,89, 133,08, 132,25 (q, J = 33,3 Hz), 129,67 (q, J = 4,2 Hz), 129,06, 128,04, 127,10, 124,42 (d, J = 272,6 Hz), 122,23 (p, J = 4,2 Hz), 47,24. ¹⁹F NMR (376 MHz, (CD₃)₂CO) δ -63,15. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, (CD₃)₂CO) δ 879,91. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₆H₉F₆NOSe+H⁺ 425,9832 znaleziono 425,9841.

N-(2-Chloro-5-fluorobenzylo)-1,2-benzizoselenazol-3(2*H*)-on (P3.16) został zsyntetyzowany z 2-chloro-5-fluorobenzyloaminy (0,94 mmol, 0,15 g) i chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (0,94 mmol, 0,24 g). Otrzymano 0,19 g (59%) białego osadu. Temperatura topnienia: 183-184°C. ¹H NMR (600 MHz, (CD₃)₂CO) δ 8,02 (d, J = 8,0 Hz, 1H), 7,97 (dd, J = 7,8, 1,7 Hz, 1H), 7,67 (ddd, J = 8,4, 7,2, 1,5 Hz, 1H), 7,54 – 7,47 (m, 2H), 7,19 – 7,12 (m, 2H), 5,08 (s, 2H). ¹³C NMR (151 MHz, (CD₃)₂CO) δ 167,80, 162,46 (d, J = 244,8 Hz), 139,92, 138,99, 132,98, 132,04 (d, J = 9,0 Hz), 129,00, 128,08, 127,02, 126,20, 117,47 (d, J = 23,6 Hz), 117,10 (d, J = 22,9 Hz), 45,77. ¹⁹F NMR (376 MHz, (CD₃)₂CO) δ -115,74 (m). ⁷⁷Se NMR (76 MHz, (CD₃)₂CO) δ 880,78. HRMS (ESI) *m*/z obliczono dla C₁₄H₉ClFNOSe+H⁺ 341,9600 znaleziono 341,9590.

N-(4-Chloro-3-(trifluorometylo)benzylo)-1,2-benzizoselenazol-3(2H)-on

(P3.17) został zsyntetyzowany z 4-chloro-3-(trifluorometylo)benzyloaminy (0,72 mmol, 0,15 g) i chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (0,72 mmol, 0,18 g). Otrzymano 0,16 g (57%) białego osadu. Temperatura topnienia: 141-143°C. ¹H NMR (600 MHz, (CD₃)₂CO) δ 8,00 (d, J = 8,1 Hz, 1H), 7,96 (dd, J = 7,8, 1,5 Hz, 1H), 7,88 (d, J = 2,3 Hz, 1H), 7,70 – 7,62 (m, 3H), 7,48 (ddd, J = 8,7, 7,3, 1,0 Hz, 1H), 5,10 (s, 2H). ¹³C NMR (151 MHz, (CD₃)₂CO) δ 167,80, 139,79, 139,46, 134,34, 132,96, 132,80, 131,47, 129,01, 128,53 (q, J = 30,9 Hz), 128,32 (q, J = 5,2 Hz), 128,19, 127,02, 126,20, 123,93 (q, J = 272,6 Hz), 47,05. ¹⁹F NMR (376 MHz, (CD₃)₂CO) δ -62,91. ⁷⁷Se NMR (76 MHz, (CD₃)₂CO) δ 887,20. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₅H₉ClF₃NOSe+H⁺ 391,9568 znaleziono 391,9570.

N-(3-Fluoro-4-(trifluorometylo)benzylo)-1,2-benzizoselenazol-3(2H)-on

(P3.18) został zsyntetyzowany z 3-fluoro-4-(trifluorometylo)benzyloaminy (1,0 mmol, 0,20 g) i chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (1,0 mmol, 0,26 g). Otrzymano 0,13 g (35%) żółtego osadu. Temperatura topnienia: 155-157°C. ¹H NMR (600 MHz, (CD₃)₂CO) δ 8,01 (d, *J* = 8,2 Hz, 1H), 7,97 (dd, *J* = 7,7, 1,7 Hz, 1H), 7,74 (dd, *J* = 7,8, 7,8 Hz, 1H), 7,67 (ddd, *J* = 8,2, 7,2, 1,5 Hz, 1H), 7,49 (ddd, *J* = 7,7, 7,2, 1,0 Hz, 1H), 7,43 – 7,39 (m, 2H), 5,12 (s, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, (CD₃)₂CO) δ 167,70, 160,29 (d, *J* = 254,4 Hz), 147,26 (d, *J* = 7,7 Hz), 139,67, 132,82, 128,84, 128,19 (d, *J* = 4,2 Hz), 127,85, 126,84, 126,03, 124,70 (d, *J* = 3,4 Hz), 123,56 (q, *J* = 271,0 Hz), 116,90 (d, *J* = 21,2 Hz), 46,96. ¹⁹F NMR (376 MHz, (CD₃)₂CO) δ -61,63 (d, *J* = 12,3 Hz, 3F), -116,30 (m, 1F). ⁷⁷Se NMR (76 MHz, (CD₃)₂CO) δ 892,63. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₅H₉F₄NOSe+H⁺ 375,9864 znaleziono 375,9859.

N-(4-Fluoro-3-(trifluorometylo)benzylo)-1,2-benzizoselenazol-3(2H)-on

(P3.19) został zsyntetyzowany z 4-fluoro-3-(trifluorometylo)benzyloaminy (0,52 mmol, 0,10 g) i chlorku 2-(chloroseleno)benzoilu (0,52 mmol, 0,13 g). Otrzymano 0,075 g (39%) białego osadu. Temperatura topnienia: 154-156°C. ¹H NMR (600 MHz, (CD₃)₂CO) δ 8,01 (d, *J* = 8,0 Hz, 1H), 7,97 (dd, *J* = 7,9, 1,7 Hz, 1H), 7,74 (dd, *J* = 7,9 Hz, 1H), 7,67 (ddd, *J* = 8,3, 7,2, 1,5 Hz, 1H), 7,49 (t, *J* = 7,5 Hz, 1H), 7,44 – 7,38 (m, 2H), 5,12 (s, 2H). ¹³C NMR (101 MHz, (CD₃)₂CO) δ 167,65, 160,31 (d, *J* = 254,5 Hz), 147,30 (d, *J* = 7,8 Hz), 139,64, 132,83, 128,85, 128,20 (d, *J* = 4,3 Hz), 127,87, 126,85, 126,03, 124,70 (d, *J* = 3,4 Hz), 123,58 (q, *J* = 271,2 Hz), 116,90 (d, *J* = 12,3 Hz, 3F), -116,31 (m, 1F). ⁷⁷Se NMR (76 MHz, (CD₃)₂CO) δ 892,08. HRMS (ESI) *m*/*z* obliczono dla C₁₅H₉F₄NOSe+H⁺ 375,9864 znaleziono 375,9859.

5. BIBLIOGRAFIA

- 1. R. Söderlund, B.H. Svensson, *The global nitrogen cycle*. Ecological Bulletins 22 (1976) 23-73.
- J.N. Galloway, F.J. Dentener, D.G. Capone, E.W. Boyer, R.W. Howarth, S.P. Seitzinger, G.P. Asner, C.C. Cleveland, P.A. Green, E.A. Holland, D.M. Karl, A.F. Michaels, J.H. Porter, A.R. Townsend, C.J. Vöosmarty, *Nitrogen cycles: past, present, and future.* Biogeochemistry 70 (2004) 153-226.
- D. Fowler, M. Coyle, U. Skiba, M.A. Sutton, J.N. Cape, S. Reis, L.J. Sheppard, A. Jenkins, B. Grizzetti, J.N. Galloway, P. Vitousek, A. Leach, A.F. Bouwman, K. Butterbach-Bahl, F. Dentener, D. Stevenson, M. Amann, M. Voss, *The global nitrogen cycle in the twenty-first century*. Philos. Trans. R. Soc. Lond., B, Biol. Sci. 368 (2013) 20130164.
- 4. J.C. Polacco, M.A. Holland, *Roles of urease in plant cells*. Int. Rev. Cytol. 145 (1993) 65-103.
- 5. A. Sirko, R. Brodzik, *Plant ureases: roles and regulation*. Acta Biochim. Pol. 47 (2000) 1189-1195.
- 6. C.M. Solomon, J.L. Collier, G.M. Berg, P.M. Glibert, *Role of urea in microbial metabolism in aquatic systems: a biochemical and molecular review*. Aquat, Microb. Ecol. 59 (2010) 67-88.
- 7. J.J. Sigurdarson, S. Svane, H. Karring, *The molecular processes of urea hydrolysis in relation to ammonia emissions from agriculture*. Rev. Environ. Sci. Biotechnol. 17 (2008) 241-258.
- J.M.C.S Magalhães, A.A.S.C Machado, Urea potentiometric biosensor based on urease immobilized on chitosan membranes. Talanta 47 (1998) 183-191.
- N.J. Peng, K.H. Lai, R.S. Liu, S.C. Lee, D.G. Tsay, C.C. Lo, H.H. Tseng, W.K. Huang, G.H. Lo, P.I. Hsu, *Clinical significance of* oral urease in diagnosis of Helicobacter pylori infection by [¹³C]urea breath test. Dig. Dis. Sci. 46 (2001) 1772-1778.
- T. Ahuja, D. Kumar, N. Singh, A.M. Biradar, Rajesh, Potentiometric urea biosensor based on multi-walled carbon nanotubes (MWCNTs)/silica composite material. Mater. Sci. Eng. C 31 (2011) 90-94.

- J.Y. Kim, G.Y. Sung, M. Park, *Efficient portable urea biosensor based* on urease immobilized membrane for monitoring of physiological fluids. Biomedicines 8 (2020) 596.
- 12. R.L Mulvaney, J.M. Bremner, *Control of urea transformation in soils*. Soil Biochemistry 5 (1981) 153-196.
- M.R. Martins, S.A.C. Sant'Anna, M. Zaman, R.C. Santos, R.C. Monteiro, B.J.R. Alves, C.P. Jantalia, R.M. Boddey, S. Urquiaga, Strategies for the use of urease and nitrification inhibitors with urea: Impact on N₂O and NH₃ emissions, fertilizer-¹⁵N recovery and maize yield in a tropical soil, Agric. Ecosyst. Environ. 247 (2017) 54-62.
- 14. Y. Li, L. Zhang, W. Liu, Z. Zhou, Simultaneous removal of urea nitrogen and inorganic nitrogen from high-salinity wastewater by Halomonas sp. H36. Environ. Sci. Pollut. Res. 30 (2023) 2544-2554.
- 15. M.J.C. Alonso, C.E.L. Ortiz, S.O.G. Perez, R. Narayanasamy, G.D.J. Fajardo San Miguel, H.H. Hernández, N. Balagurusamy, *Improved strength and durability of concrete through metabolic activity* of ureolytic bacteria. Environ. Sci. Pollut. Res. Int. 25 (2018) 21451-21458.
- 16. R. Yamauchi, E. Maguin, H. Horiuchi, M. Hosokawa, Y. Sasaki, The critical role of urease in yogurt fermentation with various combinations of Streptococcus thermophilus and Lactobacillus delbrueckii ssp. bulgaricus. J. Dairy Sci. 102 (2019) 1033-1043.
- 17. S. Pernoud, C. Fremaux, A. Sepulchre, G. Corrieu, C. Monnet, Effect of the Metabolism of Urea on the Acidifying Activity of Streptococcus thermophilus. J. Dairy Sci. 87 (2004) 550-555.
- S. Kodama, Optimal conditions for effective use of acid urease in wine. J. Food Sci. 61 (2006) 548-552.
- 19. F. Cosme, L. Filipe-Ribeiro, F.M. Nunes, *Wine stabilisation: an overview of defects and treatments, chemistry and biochemistry of winemaking*. Wine Stabilization and Aging (2021) 1-32.
- Z.S. Varga, É. Lövitusz, Z.S. Csanádi, K. Bélafi-Bakó, *Manufacture of acid urease by Lactobacillus fermentum fermentation*. Hung. J. Ind. Chem. 39 (2011) 391-394.
- P.M. Vitousek, J.D. Aber, R.W. Howarth, G.E. Likens, P.A. Matson, D.W. Schindler, W.H. Schlesinger, D.G. Tilman, *Human alteration of the global nitrogen cycle: sources and consequences*. Ecol. Appl. 7 (1997) 737-750.
- 22. B. Krajewska, Ureases I. Functional, catalytic and kinetic properties: A review. J. Mol. Catal., B Enzym. 59 (2009) 9-21.

- 23. F.A. Musculus, *Sur le ferment de l'urée*. Comptes rendus de l'Académie des sciences 82 (1876) 333-336.
- 24. J.B. Sumner, *The isolation and crystallization of the enzyme urease*. J. Biol. Chem. 69 (1926) 435-441.
- N.E. Dixon, C. Gazzola, R.L. Blakeley, B. Zerner, Jack bean urease (EC 3.5.1.5). Metalloenzyme. Simple biological role for nickel. J. Am. Chem. Soc. 97 (1975) 4131-4133.
- 26. P.A. Karplus, M.A. Pearson, R.P. Hausinger, 70 years of crystalline urease: What have we learned? Acc. Chem. Res. 30 (1997) 330-337.
- I. Konieczna, P. Zarnowiec, M. Kwinkowski, B. Kolesinska, J. Fraczyk,
 Z. Kaminski, W. Kaca, *Bacterial urease and its role in long-lasting human diseases*. Curr. Protein Pept. Sci. 13 (2012) 789-806.
- Z. Amtul, A.U. Rahman, R.A. Siddiqui, M.I. Choudhary, *Chemistry and mechanism of urease inhibition*. Curr. Med. Chem. 9 (2002) 1323-1348.
- 29. P. Kosikowska, Ł. Berlicki, Urease inhibitors as potential drugs for gastric and urinary tract infections: A patent review. Expert Opin. Ther. Pat. 21 (2011) 945-957.
- 30. P. Kafarski, M. Talma, *Recent advances in design of new urease inhibitors: A review.* J. Adv. Res. 13 (2018) 101-112.
- 31. S. Loharch, Ł. Berlicki, *Rational development of bacterial ureases inhibitors*. Chem. Rec. 22 (2022) e202200026.
- 32. N. Aniceto, V.D.B. Bonifácio, R.C. Guedes, N. Martinho, *Exploring the chemical space of urease inhibitors to extract meaningful trends and drivers of activity*. J. Chem. Inf. Model. 62 (2022) 3535-3550.
- 33. U.K. Schäfer, H. Kaltwasser, Urease from Staphylococcus saprophyticus: purification, characterization and comparison to Staphylococcus xylosus urease. Arch. Microbiol. 161 (1994) 393-399.
- H. Nakano, S. Takenishi, Y. Watanabe, *Purification and properties of urease from Brevibacterium ammoniagenes*. Agric. Biol. Chem. 48 (1984) 1495-1502.
- 35. A. Contreras-Rodriguez, J. Quiroz-Limon, A.M. Martins, H. Peralta, E. Avila-Calderon, N. Sriranganathan, S.M. Boyle, A. Lopez-Merino, *Enzymatic, immunological and phylogenetic characterization of Brucella suis urease.* BMC Microbiol. 8 (2008) 121.
- 36. W.Y. Li, W.W. Ni, Y.X. Ye, H.L. Fang, X.M. Pan, J.L. He, T.L. Zhou, J. Yi, S.S. Liu, M. Zhou, Z.P. Xiao, H.L. Zhu, *N-monoarylacetothioureas as potent urease inhibitors: synthesis, SAR, and biological evaluation.* J. Enzyme Inhib. Med. Chem. 35 (2020) 404-413.

126

- 37. K.M. Khan, F. Rahim, A. Khan, M. Shabeer, S. Hussain, W. Rehman, M. Taha, M. Khan, S. Perveen, M.I. Choudhary, *Synthesis and structureactivity relationship of thiobarbituric acid derivatives as potent inhibitors of urease*. Bioorg. Med. Chem. 22 (2014) 4119-4123.
- 38. F. Rahim, M. Ali, S. Ullah, U. Rashid, H. Ullah, M. Taha, M.T. Javed, W. Rehman, O.U.R. Abid, A.A. Khan, M. Bilal, *Development of bis-thiobarbiturates as successful urease inhibitors and their molecular modelling studies*. Chin. Chem. Lett. 27 (2016) 693-697.
- M.J. Todd, R.P. Hausinger, Competitive inhibitors of Klebsiella aerogenes urease. Mechanisms of interaction with the nickel active site. J. Biol. Chem. 264 (1989) 15835-15842.
- A.J. Pope, C.D. Toseland, B. Rushant, S. Richardson, M. McVey, J. Hills, *Effect of potent urease inhibitor, fluorofamide, on Helicobacter sp. in vivo and in vitro*. Dig. Dis. Sci. 43 (1998) 109-119.
- K. Macegoniuk, E. Grela, J. Palus, E. Rudzińska-Szostak, A. Grabowiecka, M. Biernat, Ł. Berlicki, *1,2-Benzisoselenazol-3(2H)*one derivatives as a new class of bacterial urease inhibitors. J. Med. Chem. 59 (2016) 8125-8133.
- N.C. Bailie, C.A. Osborne, J.R. Leininger, T.F. Fletcher, S.D. Johnston, P.N. Ogburn, D.P. Griffith, *Teratogenic effect of acetohydroxamic acid in clinically normal beagles*. Am. J. Vet. Res. 47 (1986) 2604-2611.
- 43. D.P. Griffith, F. Khonsari, J.H. Skurnick, K.E. James, A randomized trial of acetohydroxamic acid for the treatment and prevention of infection-induced urinary stones in spinal cord injury patients. J. Urol. 140 (1988) 318-324.
- S. Odake, K. Nakahashi, T. Morikawa, S. Takebe, K. Kobashi, *Inhibition of urease activity by dipeptidyl hydroxamic acids*. Chem. Pharm. Bull. 40 (1992) 2764-2768.
- S. Odake, T. Morikawa, M. Tsuchiya, L. Imamura, K. Kobashi, Inhibition of Helicobacter pylori urease activity by hydroxamic acid derivatives. Biol. Pharm. Bull. 17 (1994) 1329-1332.
- 46. G.W. McCarty, J.M. Bremner, S.J. Lee, *Inhibition of plant and microbial urease by phosphoroamides*. Plant Soil 127 (1990) 269-283.
- 47. Takeda Chemical Industries Ltd, patent US5840917 (1998).
- S. Vassiliou, P. Kosikowska, A. Grabowiecka, A. Yiotakis, P. Kafarski,
 Ł. Berlicki, *Computer-aided optimization of phosphinic inhibitors of bacterial ureases*. J. Med. Chem. 53 (2010) 5597-5606.
- 49. L. Berlicki, M. Bochno, A. Grabowiecka, A. Białas, P. Kosikowska, P. Kafarski, *N-substituted aminomethanephosphonic and*

aminomethane-P-methylphosphinic acids as inhibitors of ureases. Amino Acids 42 (2012) 1937-1945.

- 50. S. Vassiliou, A. Grabowiecka, P. Kosikowska, Ł. Berlicki, *Three* component Kabachnik-Fields condensation leading to substituted aminomethane-p-hydroxymethylphosphonic acids as a tool for screening of bacterial urease inhibitors. ARKIVOC 2012 (2012) 33-43.
- K. Macegoniuk, A. Dziełak, A. Mucha, Ł. Berlicki, Bis(aminomethyl)phosphinic acid, a highly promising scaffold for the development of bacterial urease inhibitors. ACS Med. Chem. Lett. 6 (2014) 146-150.
- S. Vassiliou, A. Grabowiecka, P. Kosikowska, A. Yiotakis, P. Kafarski, Ł. Berlicki, *Design, synthesis, and evaluation of novel* organophosphorus inhibitors of bacterial ureases. J. Med. Chem. 51 (2008) 5736-5744.
- K. Macegoniuk, R. Kowalczyk, A. Rudzińska, M. Psurski, J. Wietrzyk, Ł. Berlicki, *Potent covalent inhibitors of bacterial urease identified by activity-reactivity profiling*. Bioorg. Med. Chem. Lett. 27 (2017) 1346-1350.
- V. Ntatsopoulos, S. Vassiliou, K. Macegoniuk, Ł. Berlicki, A. Mucha, Novel organophosphorus scaffolds of urease inhibitors obtained by substitution of Morita-Baylis-Hillman adducts with phosphorus nucleophiles. Eur. J. Med. Chem. 133 (2017) 107-120.
- 55. V. Ntatsopoulos, K. Macegoniuk, A. Mucha, S. Vassiliou, Ł. Berlicki *Structural exploration of cinnamate-based phosphonic acids as inhibitors of bacterial ureases.* Eur. J. Med. Chem. 159 (2018) 307-316.
- 56. T. Arshad, K. M. Khan, N. Rasool, U. Salar, S. Hussain, H. Asghar, M. Ashraf, A. Wadood, M. Riaz, S. Perveen, M. Taha, N. H. Ismail, 5-Bromo-2-aryl benzimidazole derivatives as non-cytotoxic potential dual inhibitors of α-glucosidase and urease enzymes. Bioorg. Chem. 72 (2017) 21-31.
- 57. T. Arshad, K.M. Khan, N. Rasool, U. Salar, S. Hussain, T. Tahir, M. Ashraf, A. Wadood, M. Riaz, S. Perveen, M. Taha, N.H. Ismail, *Syntheses, in vitro evaluation and molecular docking studies of* 5-bromo-2-aryl benzimidazoles as α-glucosidase inhibitors. Med. Chem. Res. 25 (2016) 2058-2069.
- 58. M. A. Laothi, S. Shams, K. M. Khan, *Thiazolidine esters: new potent urease inhibitors*. J. Chem. Soc. Pak. 36 (2014) 858-864.

- 59. W. Zaborska, B. Krajewska, M. Kot, W. Karcz, *Quinone-induced inhibition of urease: elucidation of its mechanisms by probing thiol groups of the enzyme.* Bioorg Chem 35 (2007) 233-242.
- 60. L.S. Redgrave, S.B. Sutton, M.A. Webber, L.J.V. Piddock, *Fluoroquinolone resistance: mechanisms, impact on bacteria, and role in evolutionary success.* Trends Microbiol. 22 (2014) 438-445.
- 61. G.J. Noel, A review of levofloxacin for the treatment of bacterial infections. Clin. Med. Ther. 1 (2009).
- 62. A. Cheng, W.-H. Sheng, J.-M. Liou, H.-P. Wang, M.-S. Wu, J.-T. Lin, S.-C. Chang, *Comparative in vitro antimicrobial susceptibility and synergistic activity of antimicrobial combinations against Helicobacter pylori isolates in Taiwan*, J. Microbiol. Immunol. Infect. 48 (2015) 72-79.
- 63. J. M. Breitenbach, R. P. Hausinger, *Proteus mirabilis urease. Partial purification and inhibition by boric acid and boronic acids*. Biochem. J. 250 (1988) 917-920.
- 64. S. Benini, W.R. Rypniewski, K.S. Wilson, S. Mangani, S. Ciurli, *Molecular details of urease inhibition by boric acid: Insights into the catalytic mechanism.* J. Am. Chem. Soc. 126 (2004) 3714-3715.
- 65. G.K. Azad, R.S. Tomar, *Ebselen, a promising antioxidant drug: Mechanisms of action and targets of biological pathways*. Mol. Biol. Rep. 41 (2014) 4865-4879.
- 66. X. Ren, L. Zou, J. Lu, A. Holmgren, *Selenocysteine in mammalian thioredoxin reductase and application of ebselen as a therapeutic.* Free Radic. Biol. Med. 127 (2018) 238-247.
- E. Weglarz-Tomczak, J.M. Tomczak, M. Talma, M. Burda-Grabowska, M. Giurg, S. Brul, *Identification of ebselen and its analogues as potent covalent inhibitors of papain-like protease from SARS-CoV-2*. Sci. Rep. 11 (2021) 3640.
- M. Maślanka, A. Mucha, *Antibacterial activity of ebselen*. Int. J. Mol. Sci. 24 (2023) 1610.
- K. Macegoniuk, W. Tabor, L. Mazzei, M. Cianci, M. Giurg, K. Olech, M. Burda-Grabowska, R. Kaleta, A. Grabowiecka, A. Mucha, S. Ciurli, Ł. Berlicki, *Optimized ebselen-based inhibitors of bacterial ureases with nontypical mode of action*. J. Med. Chem. 9 (2023) 2054-2063.
- 70. L. Mazzei, M. Cianci, F. Musiania, S. Ciurli, *Inactivation of urease by* 1,4-benzoquinone: chemistry at the protein surface. Dalton Trans. 45 (2016) 5455-5459.

- L. Mazzei, M. Cianci, F. Musiani, G. Lente, M. Palombo, S. Ciurli, Inactivation of urease by catechol: kinetics and structure. J. Inorg. Biochem. 166 (2017) 182-189.
- 72. Z.P. Xiao, T.W. Ma, W.C. Fu, X.C. Peng, A.H. Zhang, H.L. Zhu, The synthesis, structure and activity evaluation of pyrogallol and catechol derivatives as Helicobacter pylori urease inhibitors. Eur. J. Med. Chem. 45 (2010) 5064-5070.
- A. Pagoni, T. Daliani, K. Macegoniuk, S. Vassiliou, Ł. Berlicki, *Catechol-based inhibitors of bacterial urease*. Bioorg. Med. Chem. Lett. 29 (2019) 1085-1089.
- A. Pagoni, A. Grabowiecka, W. Tabor, A. Mucha, S. Vassiliou, L. Berlicki, *Covalent inhibition of bacterial urease by bifunctional catechol-based phosphonates and phosphinates*. J. Med. Chem. 64 (2021) 404-416.
- 75. M.M. Al-Rooqi, E.U. Mughal, Q.A. Raja, E.M. Hussein, N. Naeem, A. Sadiq, B.H. Asghar, Z. Moussa, S.A. Ahmed, *Flavonoids and related privileged scaffolds as potential urease inhibitors: a review*. RSC Adv. 13 (2023) 3210-3233.
- 76. J. Kanner, T. Lapidot, *The stomach as a bioreactor: dietary lipid peroxidation in the gastric fluid and the effects of plant-derived antioxidants.* Free Radic. Biol. Med. 31 (2001) 1388-1395.
- 77. Z.P. Xiao, X.D. Wang, Z.Y. Peng, S. Huang, P. Yang, Q.S. Li, L.H. Zhou, X.J. Hu, L.J. Wu, Y. Zhou, H.L. Zhu, *Molecular docking, kinetics study, and structure-activity relationship analysis of quercetin and its analogous as Helicobacter pylori urease inhibitors.* J. Agric. Food. Chem. 60 (2012) 10572-10577.
- B. Krajewska, M. Leszko, W. Zaborska, Urease immobilized on chitosan membrane: preparation and properties. J. Chem. Technol. Biotechnol. 48 (1990) 337-350.
- B. Krajewska, W. Zaborska, M. Chudy, *Multi-step analysis of Hg²⁺ ion inhibition of jack bean urease*. J. Inorg. Biochem. 98 (2004) 1160-1168.
- 80. B. Krajewska, *Mono-* (*Ag*, *Hg*) and *di-* (*Cu*, *Hg*) valent metal ions effects on the activity of jack bean urease. Probing the modes of metal binding to the enzyme. J. Enzyme. Inhib. Med. Chem. 23 (2008) 535-542.
- L. Zhang, S. B. Mulrooney, A. F. K. Leung, Y. Zeng, B. B. C. Ko, R. P. Hausinger, H. Sun, *Inhibition of urease by bismuth(III): Implications for the mechanism of action of bismuth drugs*. BioMetals 19 (2006) 503-511.
- 82. E.A. Boyd, M. Corless, K. James, A.C. Regan, *A versatile route to substituted phosphinic acids*. Tetrahedron Lett. 31 (1990) 2933-2936.

- D. Albouy, A. Brun, A. Munoz, G. Etemad-Moghadam, New (αhydroxyalkyl)phosphorus amphiphiles: synthesis and dissociation constants. J. Org. Chem. 63 (1998) 7223-7230.
- 84. W.B. Jin, C. Xu, Q. Cheng, X.L. Qi, W. Gao, Z. Zheng, E.W.C. Chan, Y.-C. Leung, T.H. Chan, K.-Y. Wong, S. Chen, K.-F. Chan, Investigation of synergistic antimicrobial effects of the drug combinations of meropenem and 1,2-benzisoselenazol-3(2H)-one derivatives on carbapenem-resistant Enterobacteriaceae producing NDM-1. Eur. J. Med. Chem. 155 (2018) 285-302.
- 85. H. Wójtowicz, M. Chojnacka, J. Młochowski, J. Palus, L. Syper, D. Hudecova, M. Uher, E. Piasecki, M. Rybka, *Functionalized alkyl and* aryl diselenides as antimicrobial and antiviral agents: synthesis and properties. II Farmaco 58 (2003) 1235-1242.
- N. Iranpoor, H. Firouzabadi, K. R. Moghadam, S. Motavalli, *First reusable ligand-free palladium catalyzed C–P bond formation of aryl halides with trialkylphosphites in neat water*. RSC Adv. 4 (2014) 55732–55737.
- M. Maślanka, W. Tabor, P. Krzyżek, A. Grabowiecka, Ł. Berlicki, A. Mucha, *Inhibitory activity of catecholic phosphonic and phosphinic acids against Helicobacter pylori ureolysis*. Eur. J. Med. Chem. 257 (2023) 115528.
- 88. W. Tabor, Inhibicja aktywności ureaz o zróżnicowanym pochodzeniu mikrobiologicznym. Rozprawa doktorska, 2023.
- 89. P. Krzyżek, P. Migdał, E. Paluch, M. Karwańska, A. Wieliczko, G. Gościniak, Myricetin as an antivirulence compound interfering with a morphological transformation into coccoid forms and potentiating activity of antibiotics against Helicobacter pylori. Int. J. Mol. Sci. 22 (2021) 2695.
- L. Macomber, M.S. Minkara, R.P. Hausinger, K.M. Merz Jr, *Reduction of urease activity by interaction with the flap covering the active site*. J. Chem. Inf. Model. 55 (2015) 354-361.
- 91. M. Chojnacka, *Poszukiwanie nowych, chiralnych selenoorganicznych katalizatorów i reagentów*. Rozprawa doktorska, 2007.

6. DOROBEK NAUKOWY

Lista publikacji związanych z tematyką doktoratu:

- M. Maślanka, W. Tabor, P. Krzyżek, A. Grabowiecka, Ł. Berlicki, A. Mucha, *Inhibitory activity of catecholic phosphonic and phosphinic acids against Helicobacter pylori ureolysis*. Eur. J. Med. Chem. 257 (2023) 115528.
- M. Maślanka, A. Mucha, *Antibacterial Activity of Ebselen*. Int. J. Mol. Sci. 24 (2023) 1610.

Pozostałe publikacje:

- 1. M. Maślanka, A. Mucha, *Recent developments in peptidyl diaryl phoshonates as inhibitors and activity-based probes for serine proteases*. Pharmaceuticals 12 (2019) 86.
- M. Talma, M. Maślanka, A. Mucha, *Recent developments in the synthesis and applications of phosphinic peptide analogs*. Bioorg. Med. Chem. Lett. 29 (2019) 1031–1042.
- M. Maślanka, Substytucja octanów allilowych nukleofilami fosforowymi oraz zawierającymi atom fosforu. Zeszyty Naukowe Towarzystwa Doktorantów Uniwersytetu Jagielońskiego, Nauki Ścisłe, Wydawnictwo Nowa Strona, Kraków, 14 (2017) 173-186.

Prezentacje konferencyjne w tematyce doktoratu:

- M. Maślanka, W. Tabor, Ł. Berlicki, A. Grabowiecka, A. Mucha, Synthesis of phosphonic acid-functionalized benzisoselenazolones and catechols, and their antiureolityc activity (współautor), 22nd European Symposium on Organic Chemistry, Ghent, Belgia, 09-13.07.2023.
- 2. A. Grabowiecka, M. Maślanka, W. Tabor, P. Krzyżek, Ł. Berlicki, A. Mucha, *Catecholic phosphonic and phosphinic acid inhibitors*

for the control of ureolytic microbial pathogens (współautor), 23rd Tetrahedron Symposium, Goteborg, Szwecja, 27-30.06.2023.

- W. Tabor, M. Maślanka, A. Grabowiecka, U. Nawrot, P. Krzyżek, A. Mucha, Ł. Berlicki, *Ebselen-based compounds act as covalent inhibitors of microbial ureases in nanomolar concentrations* (współautor), 23rd Tetrahedron Symposium, Goteborg, Szwecja, 27-30.06.2023
- A. Mucha, A. Grabowiecka, K. Macegoniuk, M. Maślanka, W. Tabor, M. Giurg, L. Mazzei, S. Ciurli, Ł. Berlicki, *Urease inhibition by cysteine modification* (współautor), 28th American Peptide Symposium, Scottsdale, USA, 24-29.06.2013.
- M. Maślanka, W. Tabor, A. Grabowiecka, A. Mucha, *Katecholowe fosfoniany i fosfiniany synteza i właściwości antyureolityczne wobec Helicobacter pylori* (komunikat ustny), "Na pograniczu chemii i biologii" XIX Ogólnopolskie Seminarium dla Doktorantów i Studentów, Trzebieszowice, 04-07.06.2023.
- M. Maślanka, W. Tabor, A. Grabowiecka, A. Mucha, Fosforoorganiczne pochodne benzizoselenazol-3(2H)-onu i katecholu jako inhibitory ureazy o hybrydowym mechanizmie działania (poster), 64. Zjazd Naukowy Polskiego Towarzystwa Chemicznego, Lublin, 11-16.09.2022.
- M. Maślanka, W. Tabor, A. Grabowiecka, A. Mucha, Nowe fosforoorganiczne inhibitory ureazy – synteza, stabilność i aktywność biologiczna (poster), XV Kopernikańskie Seminarium Doktoranckie, Toruń, 20-22.06.2022.
- M. Maślanka, W. Tabor, A. Grabowiecka, A. Mucha, Synteza i aktywność biologiczna nowych pochodnych benzizoselenazol-3(2H)onu wobec ureazy bakteryjnej (komunikat ustny), "Na pograniczu chemii i biologii" - XVIII Ogólnopolskie Seminarium dla Doktorantów i Studentów, Smardzewice, 12-15.06.2022.
- M. Maślanka, A. Mucha, *Inhibitory ureazy o hybrydowym mechanizmie działania* (komunikat ustny), XIV Kopernikańskie Seminarium Doktoranckie, Toruń, 20-22.09.2021.
- 10. M. Maślanka, A. Mucha, Synteza oraz charakterystyka inhibitorów ureazy o dualnym mechanizmie oddziaływania z enzymem (poster),

XIV Kopernikańskie Seminarium Doktoranckie, Toruń, 20-22.09.2021.

- M. Maślanka, A. Mucha, *Phosphorus derivatives of catechol and ebselen as an innovative approach to urease inhibitors* (poster), 23rd International Conference on Phosphorus Chemistry, Częstochowa, 05-09.07.2021.
- M. Maślanka, A. Mucha, Synthesis of multifunctional organophosphorus compounds as a route to new urease inhibitors with dual mechanism of interaction with the enzyme (poster), ChemBiotIC, Wrocław, 24-25.06.2021.

Pozostałe wystąpienia konferencyjne:

- M. Maślanka, A. Mucha, Otrzymywanie fosfinodipeptydowych pochodnych kumaryny jako sond molekularnych aminopeptydaz (poster), XI Ogólnopolskie Sympozjum Chemii Organicznej, Warszawa, 08-11.04.2018.
- M. Maślanka, A. Mucha, Addition of the P-H bond to the Morita-Baylis-Hillman acetates as a route to non-covalent activity-based probes of metalloaminopeptidases (poster), 15th European Workshop in Phosphorus Chemistry, Uppsala, Szwecja, 14-16.03.2018.
- M. Maślanka, A. Mucha, Synteza, charakterystyka oraz zastosowanie a-podstawionych akrylanów zawierających grupę fosfonową (poster), VI Wrocławska Konferencja Studentów Nauk Technicznych i Ścisłych - Puzzel, Wrocław, 01-02.04.2017.
- M. Maślanka, Substytucja octanów allilowych nukleofilami fosforowymi oraz zawierającymi atom fosforu (komunikat ustny), Ogólnopolska Konferencja Naukowa "Wiedza Kluczem do Sukcesu", Łódź, 21.01.2017.

7. STRESZCZENIE

Ureaza jest enzymem występującym w wielu organizmach i odgrywającym kluczową rolę w globalnym obiegu azotu. Wiele chorobotwórczych bakterii, takich jak *Helicobacter pylori, Proteus mirabilis* oraz *Staphylococcus aureus,* wykorzystuje to białko jako czynnik wirulencji. Inhibitory ureazy osłabiające zjadliwość mikroorganizmów, zastosowane w połączeniu z antybiotykami, mogą przyczynić się do ograniczenia oporności na dostępne środki. Celem pracy doktorskiej było opracowanie nowych klas inhibitorów ureaz bakteryjnych, zawierających w swojej strukturze ugrupowania zdolne do tworzenia zarówno wiązań kowalencyjnych, jak i niekowalencyjnych oddziaływań w centrum katalitycznym. W założeniu takie związki działałyby efektywniej i z większą specyficznością.

W części literaturowej rozprawy podsumowano podstawowe informacje o przedmiocie badań, koncentrując się typach inhibitorów ureazy, mechanizmach ich działania oraz metodach syntezy. W ramach badań własnych zaplanowano oraz zsyntetyzowano kilka typów struktur (55 indywidualnych związków chemicznych) o hybrydowym sposobie działania, łączących elementy funkcjonalne różnych mechanizmach inhibitorowej aktywności 0 antyureolitycznej. Były to grupy fosfonowa lub fosfinowa dedykowane koordynowaniu jonów niklu. а także fragmenty katecholu lub 1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onu, które są reaktywne względem tioli. Wymagało to zaplanowania indywidualnych ścieżek syntetycznych wiodacych do złożonych docelowych cząsteczek, dodatkowo wykazujących komplementarność do centrum aktywnego białka. Otrzymane związki fosforoorganiczne i/lub selenoorganiczne zostały poddane testom aktywności biologicznej wobec oczyszczonej ureazy z bakterii Sporosarcina pasteurii i ureolizy wykazywanej przez komórki H. pylori. Zidentyfikowano struktury będące niezwykle efektywnymi inhibitorami enzymu modelowego: pochodne katecholu wykazały co prawda stałe inhibicji w zakresie mikromolarnym, ale pochodne 1,2-benzizoselenazol-3(2H)-onu – w zakresie nanomolarym. Co więcej, w każdej z grup ujawniono związki wyjątkowo aktywne antyureolityczne w badaniach in vitro wzgledem bakterii patogennej. Dla najskuteczniejszych inhibitorów zostały przeprowadzone testy cytotoksyczności wobec komórek ssaczych dowodzące znikomego bądź niskiego wpływu na ich żywotność. W ramach pracy doktorskiej uzyskano szereg pochodnych o pożądanych właściwościach w kontekście ewentualnego zastosowania w kombinowanych terapiach przeciwdrobnoustrojowych.

8. ABSTRACT

Urease is an enzyme found in many organisms and plays a key role in the global nitrogen cycle. Nevertheless, its uncontrolled activity is an undesirable phenomenon from the point of view of agriculture or health care. Many pathogenic bacteria, such as *Helicobacter pylori*, *Proteus mirabilis* and *Staphylococcus aureus*, use this protein as a virulence factor. Urease inhibitors weakening the virulence of microorganisms, used in combination with antibiotics, may help reduce resistance to available drugs. The aim of the doctoral thesis was to develop new classes of bacterial urease inhibitors containing groups capable of forming both covalent bonds and non-covalent interactions in the catalytic center. It is assumed that such compounds will work more effectively and with greater specificity.

The literature part of the dissertation summarizes basic information about the subject of research, focusing on the types of urease inhibitors, their mechanisms of action and synthesis methods. As part of my own research, several types of structures (55 individual chemical compounds) with a hybrid mode of action, combining functional elements with different mechanisms of inhibitory antiureolytic activity, were planned and synthesized. These were phosphonic or phosphine groups dedicated to coordinating nickel ions, as well as fragments of catechol or 1,2-benzisoselenazol-3(2*H*)-one, which are reactive towards thiols. This required planning individual synthetic paths leading to complex target molecules, additionally showing complementarity to the active center of the protein. The obtained organophosphate and/or organoselenium compounds were a subject to biological activity tests against purified urease from the bacteria *Sporosarcina pasteurii* and ureolysis demonstrated by *H. pylori* cells. Extremely effective inhibitors of the model enzyme were identified: catechol derivatives showed inhibition constants in the micromolar range, but 1,2-benzisoselenazol-3(2*H*)-one derivatives showed inhibition constants in the nanomolar range. Moreover, in each group, exceptionally active antiureolytic compounds were found in *in vitro* tests against pathogenic bacteria. Cytotoxicity tests against mammalian cells were performed for the most effective inhibitors, showing a negligible or low impact on their viability. As a part of the doctoral thesis, a number of derivatives with desirable properties were obtained in the context of possible use in combined antimicrobial therapies.

9. MATERIAŁY UZUPEŁNIAJĄCE

Widma NMR zsyntetyzowanych produktów końcowych









wykonane w D₂O.




wykonane w D₂O.





wykonane w CD₃OD.



wykonane w D₂O.





wykonane w D₂O.



wykonane w CD₃OD.



wykonane w D₂O.



wykonane w CD₃OD.



wykonane w D₂O.



wykonane w CD₃OD.



wykonane w CD₃OD.



wykonane w CD₃OD.



Rysunek 37. Widma ¹H, ¹³C, ³¹P i ⁷⁷Se NMR związku P2.8.4 wykonane w CD₃OD.



wykonane w CD₃OD.



Rysunek 39. Widma ¹H, ¹³C, ³¹P i ⁷⁷Se NMR związku P2.9.4 wykonane w D₂O.





Rysunek 41. Widma ¹H, ¹³C, ³¹P i ⁷⁷Se NMR związku P2.10.3 wykonane w CD₃OD.





wykonane w CD₃OD.





wykonane w CD₃OD.





wykonane w D₂O.













wykonane w deuterowanym acetonie.





wykonane w deuterowanym acetonie.







180



wykonane w deuterowanym acetonie.




wykonane w deuterowanym acetonie.



184



wykonane w deuterowanym acetonie.







